

## 27. ELEMENTAL COMPOSITION OF CENOZOIC PELAGIC CLAYS FROM DEEP SEA DRILLING PROJECT SITES 576 AND 578, WESTERN NORTH PACIFIC<sup>1</sup>

G. Ross Heath, Richard B. Kovar, Carlos Lopez, and Gregory L. Campi, Oregon State University<sup>2</sup>

### ABSTRACT

X-ray fluorescence analyses of 1143 samples from Site 576 ( $32^{\circ}21.4'N$ ,  $164^{\circ}16.5'E$ ) and 539 samples from Site 578 ( $33^{\circ}55.6'N$ ,  $151^{\circ}37.7'E$ ) for the elements Na, Mg, Al, Si, P, K, Ca, Ti, Mn, Fe, Ba, and S show consistent trends from Si-rich surficial deposits to dark brown clays rich in Mn, Fe, P, and Ti in early Cenozoic sections. These data sets form the basis for a detailed paleogegeochemical stratigraphy of North Pacific "red" clays.

### INTRODUCTION

Deep Sea Drilling Project (DSDP) Sites 576 (between the Shatsky Rise and Emperor Seamounts at  $32^{\circ}21.4'N$ ,  $164^{\circ}16.5'E$ ) and 578 (between the Japan, French, and Shatsky Rise at  $33^{\circ}55.6'N$ ,  $151^{\circ}37.7'E$ ; Fig. 1) were sampled continuously from the seafloor to chert (at 76 and 176 m, respectively, below the seafloor) by means of the hydraulic piston core (HPC) during DSDP Leg 86.

At Site 576, we recovered 27 m of buff clay over 29 m (27–56 m sub-bottom) of dark brown clay, which in turn overlay 20 m (56–76 m sub-bottom) of interbedded calcareous ooze and dark brown clay resting on chert of Campanian–Maestrichtian age.

At Site 578, we recovered a similar section of buff (77–125 m sub-bottom) and dark brown clay (125–176 m sub-bottom), overlain by 77 m of gray green, intermittently biosiliceous clay and ooze with numerous thin ash layers. At Site 578, the dark brown clay rests directly on Campanian chert at 176 m sub-bottom; the cored section contains no carbonate.

### METHODOLOGY

Both sites were sampled at 10- to 20-cm intervals for paleomagnetic analysis (Heath, Rea, and Levi, this volume). After determination of remanent magnetization before and after alternating-field demagnetization, the  $2 \times 2 \times 2$  cm cubes of sediment were weighed, freeze-dried, weighed again (to yield water contents), and disaggregated by shaking with methacrylate spheres in polycarbonate sample tubes.

The resulting fine powder required no further grinding before being pressed at 10 tons pressure into X-ray fluorescence (XRF) discs. The XRF analyses were carried out on a Phillips PW1600 simultaneous spectrometer. This instrument has 25 detectors, one per element, distributed around the sample and X-ray tube. Each detector-crystal system is optimized for the element it is

measuring, leading to high signal/noise ratios for all elements. The system is controlled by a DEC PDP 11/34 computer system which manages sample manipulation, data collection and archiving, data reduction through a fundamental parameters program (Chriss et al., 1978), and tabulation and plotting of elemental concentrations. The system has been calibrated by a set of 60 rock and sediment standards from the U.S. Geological Survey, National Bureau of Standards, Canada, and France, as well as by in-house pelagic clay standards that have been analyzed repeatedly by atomic absorption spectrophotometry and instrumental neutron activation analysis. These analyses indicate no systematic errors for the elements discussed.

### SUB-BOTTOM DEPTH OF SITE 576 SAMPLES

Even at sea, visual examination and preliminary paleomagnetic analyses indicated that the nominal 100% recovery and sub-bottom depths reported for Holes 576 and 576B by the drillers were not consistent with the sections recovered (see Site 576 chapter, this volume). Several problems were identified:

1. Incorrectly cored interval. Cores 2 and 3 of Hole 576A sampled the same interval. The reason is unknown, but may indicate a 1-stand drill pipe miscount on the drill floor.
2. Closure of the bumper subs as the sediments became stiffer with depth. This appears to have occurred in Core 6 of Hole 576, with a resultant reduction of the interval cored.
3. Uncertainties as to the location of "good" core within 9-m cored intervals.
4. Stretching ("flow-in") or compression of ductile clays within a core. Stretching is visually apparent due to elongation of sedimentary structures. Compression is difficult to demonstrate, but is the logical complement to stretching. These effects imply that the HPC piston was moving more slowly than the heave of the ship, suggesting malfunction of the HPC due either to premature failure of the shear pins or the stiffness of the clays.
5. Double cored sections (e.g., in Core 576B-3) also suggest heave velocities greater than piston velocities.

These problems led to actual recoveries of good ("undisturbed") sediment of about 80% in Holes 576 and

<sup>1</sup> Heath, G. R., Burckle, L. H., et al., *Init. Repts. DSDP*, 86: Washington (U.S. Govt. Printing Office).

<sup>2</sup> Addresses: (Heath, present address) College of Ocean and Fishery Sciences, University of Washington, Seattle, WA 98195; (Kovar, Lopez, Campi) College of Oceanography, Oregon State University, Corvallis, OR 97331.

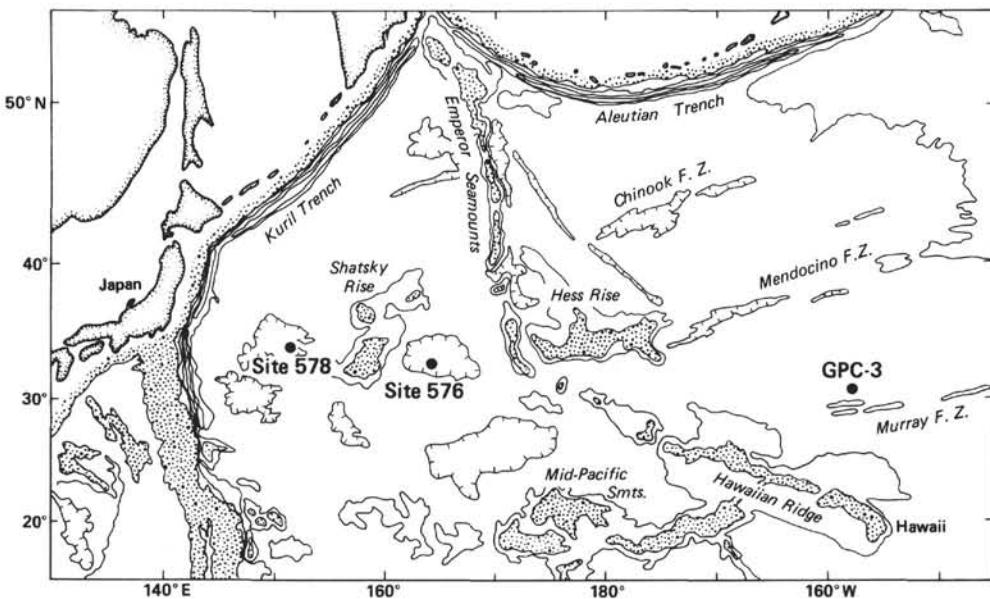


Figure 1. Location of DSDP Sites 576 and 578 relative to major physiographic features of the western North Pacific, and to LL44-GPC-3, a 24-m piston core studied in detail by Leinen (1979). Areas shallower than 4 km stippled; 5 km contour plain; 6 km contour hatched.

576B, rather than the nominal 100% recorded as the core was received on board. Because most of the Hole 576A sediment was taken in unopened sections of core liner for geotechnical measurements, the condition of this clay sequence is not well known. The presence of flow-in structures in several of the intervals remaining after geotechnical sampling suggests that the character of cores from Hole 576A is similar to that of the cores from the other two sites.

Based on detailed correlations of visual logs, paleomagnetic profiles, carbonate and intervening clay layers below 54 m sub-bottom, and profiles of elemental abundances, it has been possible to align the sediments recovered in the three holes, and create a composite section that represents virtually a complete sequence of the clay section at Site 576.

Table 1 lists the sub-bottom depths of sections of good core from the three holes drilled. We emphasize that the Hole 576A corrections are much less certain than the Hole 576 and 576B corrections, because of the absence of paleomagnetic data and the unavailability of much of the cored material from Hole 576A. We also emphasize that the depths in Table 1 replace those presented in the Site 576 chapter, which were compiled before shore-based magnetic data or any geochemical profiles were available. Because Table 1 could not be prepared until late in the Leg 86 *Initial Report* production schedule, articles in the second part of this *Initial Report* volume that plot data versus *adjusted depth* have used adjusted depths from the Site 576 chapter that differ from those of Table 1 by as much as 4 m.

The composite section contains only one notable gap, from 36.96 to 38.06 m sub-bottom. The discontinuities in a number of elemental profiles, particularly that of Ti, across the gap suggest that it may be larger than the 1.1 m indicated. Because corrected depths for Hole

576B are deeper than driller's depths, whereas depths for Hole 576 below Core 2 are shallower, we have no real constraints on the magnitude of the missing section; 1.1 m is our best estimate, however.

## RESULTS

Tables 2 to 6 list the analytical results from Holes 576, 576A, and 576B, the 576 composite section based on the corrected depths of Table 1 and Hole 578, respectively. Except for Na and S, which have uncertainties of 10 and 15%, respectively, the precision of the tabulated values is within 2%, and the accuracies within 5%. For Hole 576A, the Na values are much noisier, resulting from detector problems, and are presented only to show general trends. Individual values should not be considered reliable.

Because of the length of time required to resolve the depth corrections for the Site 576 holes and the tight production schedule for the Leg 86 *Initial Report* volume, a full interpretation of the compositional data has been deferred to a future publication.

## ACKNOWLEDGMENTS

We are grateful to Chris Dymond and Kerry O'Shea for preparing many of the XRF discs and for plotting and checking data. Donna Rea determined most of the water contents. Discussions with colleagues from the Leg 86 scientific party, particularly Joe Morley, Bob Jacobi, and Ulrich Bleil helped resolve some of the problems in assigning sub-bottom depths to cores from Holes 576 and 576B.

## REFERENCES

- Chriss, J. W., Birks, L. S., and Gilfrich, J. V., 1978. A versatile X-ray analysis program combining fundamental parameters and empirical coefficients. *Anal. Chem.*, 50:33.
- Leinen, M., 1979. Paleochemical signatures in Cenozoic Pacific sediments [Ph.D. dissert.]. Univ. Rhode Island, Kingston.

Date of Initial Receipt: 28 August 1984

Date of Acceptance: 25 September 1984

Table 1. Key to convert section depths in Holes 576, 576A, and 576B to sub-bottom depths in centimeters.

Section	Depth (cm)	Adjusted sub-bottom depth (cm)	Comments
<b>Hole 576</b>			
1-1	0	64	0-64 cm not recovered
1-2	0	214	
1,CC	0	321	334-695 cm not recovered
2-1	0	695	
2-2	0	845	
2-3	0	995	
2-4	0	1145	
2-5	0	1295	
2-5	110	1445	1405-1445 cm missing
2-6	0	1485	
2-7	0	1635	
2,CC	0	1685	1708-1850 cm not recovered
3-1	0	1025	
3-2	0	1175	
3-3	0	1325	
3-4	0	1475	
3-5	0	1625	
3,CC	0	1657	1025-1689 cm overlap
4-1	70	1890	
4-2	0	1970	
4-3	0	2120	
4-4	0	2270	
4-5	0	2420	
4-6	0	2570	
4-7	0	2720	
4,CC	0	2768	2788-2800 cm not recovered
5-1	40	2800	
5-5	48	3098	2910-3098 cm not recovered
5-6	0	3200	
5-7	0	3350	
5,CC	0	3399	3435-3800 cm not recovered
6-3	70	3800	
6-4	0	3880	
6-5	0	4030	
6-6	0	4180	
6-7	0	4330	
6,CC	0	4375	
	41	4405	4340-4412 cm overlap
7-1	0	4340	
7-2	50	4640	
7-3	0	4740	
7-4	0	4890	
7-5	0	5040	
7-6	0	5190	
7-7	0	5340	
7,CC	0	5390	5415-5425 cm not recovered
8-1	15	5425	
8-2	0	5560	
8-3	0	5710	
8-4	0	5860	
8-5	0	6010	
8-6	0	6160	
8-7	0	6310	
8,CC	0	6353	
	4	6355	Hole 576, 6379 cm total depth sampled

Table 1. (Continued).

Section	Depth (cm)	Adjusted sub-bottom depth (cm)	Comments
<b>Hole 576A</b>			
1-1	12	132	
1-2	0	270	
1-3	0	420	
1-4	0	570	
1-5	0	720	
1-6	0	872	
1,CC	0	972	989-1075 cm not recovered
2-1	45	1075	
2-2	0	1180	
2-3	0	1330	
2-4	0	1480	
2-5	0	1630	
2-6	0	1780	
2-7	0	1930	
2,CC	0	1936	1951-2300 cm not recovered
3-1	0	2300	
3-2	0	2450	
3-3	0	2600	
3-4	0	2750	2700-cm region disturbed 2755-2960 cm disturbed
3-6	100	2960	
3-7	0	3010	
3,CC	10	3040	2890-3065 cm overlap
4-1	0	2890	
4-2	0	3040	3090-3290 cm (approx.) disturbed
4-3	0	3190	
4-4	0	3340	
4-5	0	3490	
4-6	0	3640	3690-3808 cm (approx.) disturbed
4,CC	0	3768	3808-3910 cm not recovered
5-1	0	3910	
5-2	0	4060	4080-4220 cm (approx.) disturbed
5-3	0	4210	
5-4	0	4360	
5-5	0	4510	
5-6	0	4660	
5-7	0	4810	
5,CC	15	4840	
6-1	0	4825	4825-4863 cm overlap
6-2	0	4975	5075-5270 cm (approx.) disturbed
6-3	0	5125	
6-4	0	5275	
6-5	0	5425	
6-6	0	5575	
6-7	0	5725	
6,CC	0	5775	5775-5798 cm disturbed
7-1	0	5795	5795-5845 cm (approx.) disturbed
7-2	0	5945	
7-3	0	6095	
7-4	0	6245	
7-5	0	6385	
7-6	0	6535	
7-7	0	6675	
7,CC	8	6745	

Table 1. (Continued).

Section	Depth (cm)	Adjusted sub-bottom depth (cm)	Comments
<b>Hole 576A (Cont.)</b>			
Hole 576A, 6778 cm total depth sampled			
<b>Hole 576B</b>			
1-1	0	0	
1-2	0	150	
1-3	0	300	
1-4	0	450	
1-5	0	600	
1-6	0	750	
1,CC	0	807	821-1205 cm not recovered
1600-1685 cm disturbed			
2-1	5	1205	
2-2	0	1350	
2-3	0	1500	
2041-2160 cm overlap			
2-4	35	1685	
2-5	0	1800	
2-6	0	1950	
2-7	0	2100	
2,CC	0	2148	
2221-2271 cm not recovered			
3-1	0	2150	
3-1	71	2041	2041-2181 cm repeated
3-2	0	2110	
3-2	71	2271	2221-2271 cm not recovered
3-3	0	2350	
3-6	21	2787	
3-7	0	2916	
3,CC	0	2666	2988-3150 cm not recovered
4-3	100	3150	
4-4	0	3200	
4-5	0	3350	
4-6	0	3500	
4-7	0	3650	
4,CC	0	3702	

Table 1. (Continued).

Section	Depth (cm)	Adjusted sub-bottom depth (cm)	Comments
<b>Hole 576B (Cont.)</b>			
3724-3930 cm not recovered			
5-2	0	3930	
5-3	0	4080	
5-3	20	4140	4100-4140 cm not recovered
5-3	75	4255	4195-4255 cm not recovered
5-4	0	4330	
5-5	0	4480	
5-6	0	4630	
5,CC	2	4755	4775-4940 cm not recovered
6-1	110	4940	
6-2	0	4980	
6-3	0	5130	5220-5300 cm missing
6-3	90	5300	
6-4	0	5360	5430-5516 cm missing
6-4	70	5516	
6-5	0	5596	
6-6	0	5746	
6,CC	10	5888	5901-5913 cm not recovered
7-1	5	5913	
7-2	0	6058	
7-3	108	6208	
7-4	0	6250	
7-5	0	6400	
7-6	0	6550	
7-7	0	6700	
7,CC	0	6734	6771-6860 cm not recovered
8-1	115	6860	
8-2	0	6895	
8-3	0	7045	
8-4	0	7195	
8-5	0	7345	
8-6	0	7495	7500-7610 cm not recovered
9,CC	0	7610	Hole 576B, 7610 cm total depth sampled

Table 2. Elemental abundance (wt. %) and water content (% dry wt.) of Hole 576 sediment samples.

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)													
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Tl	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O	
DP14294	1	1	0.11	0.75	0.62	1.86	7.43	26.3	0.062	2.50	0.46	0.412	0.47	4.77	0.091	0.020	141
DP14295	1	1	0.21	0.85	0.58	1.88	7.31	26.3	0.067	2.52	0.53	0.409	0.45	4.74	0.098	0.061	130
DP14296	1	1	0.31	0.95	0.52	1.90	7.50	26.3	0.058	2.59	0.45	0.416	0.21	4.86	0.086	0.035	142
DP14297	1	1	0.41	1.05	0.59	1.85	7.48	26.4	0.059	2.56	0.53	0.415	0.31	4.71	0.087	0.044	139
DP14298	1	1	0.51	1.15	0.60	1.89	7.59	26.4	0.060	2.57	0.51	0.418	0.33	4.82	0.090	0.026	146
DP14299	1	1	0.61	1.25	0.56	1.91	7.58	26.1	0.060	2.59	0.49	0.419	0.35	4.86	0.093	0.030	132
DP14300	1	1	0.71	1.35	0.56	1.89	7.44	25.9	0.059	2.57	0.52	0.423	0.37	4.81	0.085	0.040	141
DP14301	1	1	0.81	1.45	0.49	1.89	7.50	26.2	0.059	2.57	0.54	0.422	0.42	4.69	0.086	0.053	152
DP14302	1	1	0.91	1.55	0.53	1.93	7.68	26.2	0.062	2.57	0.53	0.427	0.56	4.83	0.088	0.038	139
DP14303	1	1	1.01	1.65	0.56	1.95	7.60	26.1	0.061	2.57	0.59	0.420	0.81	4.75	0.090	0.076	139
DP14304	1	1	1.11	1.75	0.52	1.91	7.43	26.6	0.056	2.48	0.43	0.409	0.74	4.66	0.097	0.026	174
DP14305	1	1	1.21	1.85	0.40	1.91	7.37	26.8	0.053	2.52	0.45	0.414	0.38	4.65	0.092	0.050	177
DP14306	1	1	1.31	1.95	0.44	1.89	7.36	26.8	0.053	2.50	0.39	0.410	0.34	4.66	0.091	0.023	192
DP14307	1	1	1.41	2.05	0.49	1.87	7.34	26.8	0.054	2.48	0.41	0.409	0.26	4.63	0.092	0.026	170
DP14309	1	2	0.16	2.30	0.42	1.89	7.31	26.9	0.051	2.58	0.42	0.410	0.14	4.65	0.087	0.051	174
DP14310	1	2	0.22	2.36	0.44	1.88	7.42	27.0	0.052	2.56	0.38	0.409	0.29	4.65	0.086	0.031	177
DP14311	1	2	0.31	2.45	0.41	1.87	7.21	26.9	0.051	2.57	0.44	0.406	0.22	4.58	0.089	0.063	189
DP14312	1	2	0.41	2.55	0.41	1.87	7.32	27.0	0.050	2.51	0.36	0.400	0.36	4.53	0.092	0.031	220
DP14313	1	2	0.51	2.65	0.43	1.91	7.32	27.0	0.051	2.59	0.43	0.408	0.27	4.61	0.087	0.058	185
DP14314	1	2	0.61	2.75	0.44	1.89	7.39	26.9	0.052	2.60	0.43	0.417	0.43	4.61	0.086	0.052	179
DP14315	1	2	0.71	2.85	0.51	1.87	7.30	26.9	0.051	2.62	0.48	0.412	0.25	4.62	0.083	0.059	162
DP14316	1	2	0.81	2.95	0.64	2.06	8.20	29.9	0.059	2.90	0.49	0.469	0.22	5.35	0.110	0.035	164
DP14317	1	2	0.91	3.05	0.49	1.88	7.44	26.9	0.053	2.60	0.46	0.419	0.24	4.74	0.089	0.045	165
DP14319	1	2	1.01	3.15	0.52	1.87	7.52	26.8	0.053	2.60	0.46	0.424	0.39	4.74	0.089	0.033	162
DP14318	1	C	0.07	3.28	0.63	2.02	8.30	30.7	0.062	2.87	0.57	0.470	0.58	5.48	0.129	0.041	170
DP14320	2	1	0.06	7.01	0.53	2.01	7.61	26.1	0.051	2.69	0.45	0.425	0.63	4.79	0.091	0.060	134
DP14321	2	1	0.16	7.11	0.55	2.03	7.60	26.4	0.047	2.73	0.49	0.430	0.28	4.80	0.085	0.091	149
DP14322	2	1	0.26	7.21	0.52	1.97	7.59	26.4	0.050	2.66	0.44	0.417	0.36	4.70	0.088	0.050	159
DP14323	2	1	0.36	7.31	0.59	1.98	7.48	26.2	0.050	2.67	0.51	0.417	0.44	4.68	0.096	0.088	145
DP14324	2	1	0.46	7.41	0.51	2.01	7.56	26.4	0.053	2.69	0.50	0.417	0.38	4.70	0.091	0.091	158
DP14325	2	1	0.56	7.51	0.57	2.04	7.59	26.3	0.052	2.75	0.48	0.431	0.33	4.80	0.092	0.088	144
DP14326	2	1	0.66	7.61	0.48	2.03	7.63	26.1	0.051	2.77	0.43	0.428	0.28	4.82	0.086	0.076	143
DP14327	2	1	0.76	7.71	0.56	2.08	7.61	26.3	0.053	2.77	0.48	0.431	0.27	4.83	0.091	0.095	146
DP14328	2	1	0.86	7.81	0.52	2.01	7.67	26.3	0.050	2.72	0.41	0.430	0.25	4.86	0.086	0.052	144
DP14329	2	1	0.96	7.91	0.46	2.01	7.53	26.1	0.051	2.68	0.42	0.418	0.29	4.76	0.090	0.058	159
DP14330	2	1	1.06	8.01	0.44	2.04	7.58	26.1	0.050	2.70	0.42	0.414	0.31	4.75	0.095	0.067	159
DP14331	2	1	1.16	8.11	0.59	2.07	7.64	26.3	0.051	2.78	0.50	0.430	0.32	4.87	0.095	0.095	146
DP14332	2	1	1.26	8.21	0.43	2.05	7.62	26.2	0.053	2.67	0.44	0.417	0.38	4.77	0.089	0.065	168
DP14333	2	1	1.36	8.31	0.39	2.01	7.49	26.4	0.052	2.61	0.46	0.408	0.39	4.65	0.088	0.073	178
DP14334	2	1	1.46	8.41	0.48	1.98	7.58	26.2	0.057	2.59	0.42	0.413	0.39	4.71	0.088	0.036	154
DP14335	2	2	0.06	8.51	0.49	2.00	7.61	26.3	0.055	2.65	0.45	0.418	0.34	4.77	0.089	0.049	145
DP14336	2	2	0.16	8.61	0.46	1.99	7.58	26.2	0.054	2.61	0.47	0.418	0.39	4.79	0.087	0.049	147
DP14337	2	2	0.26	8.71	0.45	1.96	7.59	26.4	0.053	2.58	0.46	0.414	0.39	4.77	0.087	0.032	159
DP14338	2	2	0.36	8.81	0.47	2.01	7.58	26.2	0.055	2.61	0.43	0.416	0.41	4.75	0.094	0.048	156
DP14339	2	2	0.46	8.91	0.46	1.99	7.60	26.5	0.054	2.60	0.41	0.413	0.42	4.74	0.096	0.029	161
DP14340	2	2	0.56	9.01	0.46	2.00	7.54	26.3	0.053	2.61	0.40	0.414	0.29	4.74	0.094	0.041	165
DP14341	2	2	0.66	9.11	0.46	2.06	7.54	26.3	0.048	2.68	0.47	0.418	0.39	4.78	0.090	0.072	161
DP14342	2	2	0.76	9.21	0.45	1.98	7.48	26.3	0.049	2.59	0.42	0.410	0.39	4.72	0.092	0.043	170
DP14343	2	2	0.86	9.31	0.32	2.03	7.36	26.7	0.050	2.58	0.42	0.398	0.26	4.73	0.087	0.070	207
DP14344	2	2	0.96	9.41	0.37	1.96	7.48	26.5	0.056	2.55	0.43	0.411	0.26	4.68	0.087	0.043	194
DP14345	2	2	1.06	9.51	0.49	2.02	7.51	26.4	0.058	2.64	0.55	0.422	0.46	4.72	0.085	0.082	163
DP14346	2	2	1.16	9.61	0.47	1.96	7.46	26.2	0.056	2.55	0.44	0.406	0.40	4.65	0.085	0.041	170
DP14347	2	2	1.26	9.71	0.53	2.03	7.46	26.2	0.053	2.67	0.54	0.418	0.36	4.75	0.093	0.081	149
DP14348	2	2	1.36	9.81	0.48	1.97	7.46	26.2	0.054	2.61	0.46	0.412	0.37	4.71	0.094	0.055	154
DP14349	2	2	1.46	9.91	0.69	2.04	7.53	26.1	0.050	2.76	0.51	0.429	0.39	4.83	0.098	0.107	154
DP14350	2	3	0.06	10.01	0.50	2.03	7.56	26.0	0.051	2.69	0.41	0.422	0.39	4.75	0.099	0.088	176
DP14351	2	3	0.16	10.11	0.50	2.05	7.44	26.1	0.050	2.72	0.47	0.414	0.38	4.70	0.101	0.118	185
DP14352	2	3	0.26	10.21	0.40	1.98	7.40	26.4	0.051	2.55	0.36	0.396	0.30	4.55	0.095	0.051	218
DP14353	2	3	0.36	10.31	0.29	1.83	6.98	27.3	0.052	2.43	0.39	0.389	0.52	4.40	0.095	0.056	218
DP14354	2	3	0.46	10.41	0.55	1.90	7.44	26.4	0.057	2.52	0.43	0.409	0.49	4.64	0.086	0.033	180
DP14355	2	3	0.56	10.51	0.51	1.95	7.37	26.3	0.053	2.59	0.53	0.410	0.44	4.62	0.089	0.074	163
DP14356	2	3	0.66	10.61	0.55	1.94	7.41	26.2	0.051	2.60	0.50	0.408	0.41	4.67	0.087	0.059	142
DP14357	2	3	0.76	10.71	0.60	1.91	7.31	26.5	0.048	2.63	0.57	0.402	0.37	4.48	0.087	0.073	138

Table 2. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP14358	2 3	0.86	10.81	0.59	1.78	7.15	26.6	0.046	2.55	0.57	0.373	0.35	4.13	0.089	0.042	122
DP14359	2 3	0.96	10.91	0.61	1.77	7.05	26.6	0.043	2.67	0.54	0.358	0.38	3.95	0.083	0.075	127
DP14360	2 3	1.06	11.01	0.53	1.98	7.50	26.0	0.050	2.65	0.45	0.417	0.56	4.70	0.092	0.065	146
DP14361	2 3	1.16	11.11	0.57	2.07	7.58	26.1	0.050	2.71	0.48	0.431	0.46	4.81	0.089	0.085	149
DP14362	2 3	1.26	11.21	0.56	2.03	7.61	26.3	0.045	2.70	0.40	0.421	0.38	4.73	0.090	0.062	157
DP14363	2 3	1.36	11.31	0.46	2.05	7.52	26.3	0.048	2.67	0.44	0.421	0.28	4.74	0.095	0.081	168
DP14364	2 3	1.46	11.41	0.55	2.00	7.58	26.1	0.047	2.70	0.38	0.424	0.28	4.81	0.092	0.050	147
DP14365	2 4	0.06	11.51	0.51	2.04	7.61	26.4	0.053	2.68	0.49	0.420	0.43	4.76	0.094	0.072	155
DP14366	2 4	0.16	11.61	0.45	2.01	7.58	26.3	0.056	2.61	0.42	0.415	0.47	4.69	0.091	0.052	165
DP14367	2 4	0.26	11.71	0.37	1.98	7.39	26.4	0.054	2.58	0.41	0.401	0.51	4.51	0.092	0.046	181
DP14368	2 4	0.36	11.81	0.48	2.02	7.57	26.4	0.052	2.62	0.38	0.406	0.46	4.64	0.095	0.031	164
DP14369	2 4	0.46	11.91	0.49	1.99	7.48	26.5	0.054	2.62	0.45	0.397	0.46	4.51	0.092	0.050	149
DP14370	2 4	0.56	12.01	0.54	1.98	7.45	26.4	0.054	2.62	0.43	0.405	0.41	4.55	0.095	0.044	140
DP14371	2 4	0.66	12.11	0.65	1.48	6.64	27.5	0.045	3.02	0.44	0.275	0.32	3.25	0.090	0.042	119
DP14372	2 4	0.76	12.21	0.49	2.00	7.60	26.4	0.049	2.65	0.30	0.399	0.37	4.54	0.091	0.015	178
DP14373	2 4	0.86	12.31	0.37	2.06	7.46	26.5	0.053	2.61	0.41	0.402	0.47	4.52	0.092	0.052	177
DP14374	2 4	0.96	12.41	0.47	2.03	7.58	26.4	0.050	2.66	0.39	0.411	0.30	4.67	0.087	0.039	165
DP14375	2 4	1.06	12.51	0.38	2.03	7.54	26.2	0.053	2.59	0.42	0.411	0.42	4.66	0.093	0.041	174
DP14376	2 4	1.16	12.61	0.45	1.97	7.41	26.3	0.054	2.47	0.45	0.400	0.46	4.59	0.092	0.031	180
DP14377	2 4	1.26	12.71	0.42	2.01	7.42	26.4	0.055	2.56	0.43	0.405	0.48	4.62	0.089	0.053	175
DP14378	2 4	1.36	12.81	0.37	2.03	7.53	26.2	0.051	2.59	0.35	0.411	0.49	4.70	0.090	0.035	176
DP14379	2 4	1.46	12.91	0.33	2.11	7.59	26.4	0.054	2.62	0.39	0.411	0.48	4.67	0.096	0.057	185
DP14380	2 5	0.06	13.01	0.39	2.03	7.63	26.4	0.055	2.54	0.32	0.411	0.52	4.64	0.099	0.021	202
DP14381	2 5	0.16	13.11	0.32	2.06	7.50	26.4	0.056	2.55	0.39	0.404	0.51	4.56	0.089	0.048	198
DP14382	2 5	0.26	13.21	0.42	2.00	7.47	26.3	0.055	2.53	0.39	0.404	0.52	4.58	0.089	0.038	176
DP14383	2 5	0.36	13.31	0.40	2.02	7.48	26.7	0.056	2.55	0.41	0.405	0.50	4.56	0.093	0.049	183
DP14384	2 5	0.46	13.41	0.45	2.00	7.51	26.8	0.054	2.55	0.33	0.400	0.48	4.59	0.090	0.013	192
DP14385	2 5	0.56	13.51	0.35	2.06	7.50	26.4	0.053	2.62	0.36	0.400	0.42	4.58	0.090	0.045	181
DP14386	2 5	0.66	13.61	0.40	2.02	7.53	26.6	0.052	2.55	0.29	0.396	0.41	4.57	0.096	0.011	195
DP14387	2 5	0.76	13.71	0.28	2.04	7.41	26.8	0.053	2.48	0.40	0.396	0.43	4.52	0.093	0.042	220
DP14388	2 5	0.86	13.81	0.42	1.98	7.39	26.6	0.053	2.46	0.41	0.396	0.41	4.59	0.091	0.018	192
DP14389	2 5	0.96	13.91	0.44	1.99	7.42	26.7	0.051	2.51	0.44	0.408	0.38	4.67	0.091	0.021	171
DP14390	2 5	1.05	14.00	0.46	1.99	7.38	26.5	0.052	2.48	0.41	0.396	0.41	4.63	0.089	0.019	178
DP14391	2 5	1.16	14.51	0.46	2.02	7.46	26.6	0.050	2.56	0.43	0.412	0.38	4.70	0.092	0.033	154
DP14392	2 5	1.26	14.61	0.43	2.09	7.62	26.4	0.046	2.61	0.35	0.415	0.40	4.71	0.093	0.026	172
DP14393	2 5	1.36	14.71	0.42	2.09	7.60	26.6	0.050	2.64	0.42	0.416	0.43	4.63	0.099	0.058	172
DP14394	2 5	1.46	14.81	0.47	2.04	7.64	26.3	0.052	2.58	0.31	0.409	0.45	4.65	0.100	0.014	178
DP14395	2 6	0.06	14.91	0.41	2.07	7.63	26.4	0.053	2.63	0.38	0.409	0.50	4.64	0.100	0.039	172
DP14396	2 6	0.16	15.01	0.36	2.03	7.58	26.6	0.054	2.62	0.37	0.399	0.42	4.54	0.100	0.029	175
DP14397	2 6	0.26	15.11	0.40	2.01	7.50	26.8	0.055	2.59	0.38	0.395	0.41	4.44	0.104	0.024	178
DP14398	2 6	0.36	15.21	0.40	2.03	7.57	26.4	0.053	2.56	0.32	0.399	0.41	4.51	0.097	0.018	197
DP14399	2 6	0.46	15.31	0.41	2.08	7.64	26.5	0.056	2.56	0.36	0.409	0.46	4.65	0.095	0.020	172
DP14400	2 6	0.56	15.41	0.43	2.06	7.52	26.3	0.057	2.44	0.33	0.404	0.52	4.55	0.098	0.012	182
DP14401	2 6	0.66	15.51	0.35	2.04	7.57	26.7	0.057	2.49	0.35	0.407	0.53	4.55	0.097	0.011	196
DP14402	2 6	0.76	15.61	0.34	2.07	7.52	26.3	0.055	2.46	0.33	0.398	0.50	4.53	0.095	0.021	194
DP14403	2 6	0.86	15.71	0.29	2.07	7.58	26.6	0.056	2.51	0.37	0.407	0.48	4.56	0.094	0.027	200
DP14404	2 6	0.96	15.81	0.42	2.04	7.54	26.2	0.058	2.43	0.36	0.401	0.49	4.59	0.094	0.014	204
DP14405	2 6	1.06	15.91	0.24	2.09	7.59	26.4	0.058	2.45	0.40	0.404	0.45	4.58	0.095	0.040	202
DP14406	2 6	1.16	16.01	0.39	2.08	7.52	26.2	0.056	2.44	0.41	0.406	0.49	4.59	0.095	0.042	191
DP14407	2 6	1.26	16.11	0.39	2.08	7.57	26.4	0.057	2.43	0.39	0.403	0.49	4.61	0.096	0.020	190
DP14408	2 6	1.36	16.21	0.44	2.10	7.67	26.3	0.053	2.52	0.36	0.416	0.46	4.69	0.092	0.022	176
DP14409	2 6	1.46	16.31	0.38	2.13	7.60	26.2	0.054	2.56	0.43	0.418	0.40	4.68	0.092	0.057	165
DP14410	2 7	0.06	16.41	0.45	2.10	7.66	26.3	0.054	2.56	0.39	0.418	0.43	4.72	0.094	0.039	165
DP14411	2 7	0.16	16.51	0.44	2.09	7.69	26.6	0.056	2.62	0.41	0.419	0.43	4.72	0.094	0.037	163
DP14412	2 7	0.26	16.61	0.41	2.12	7.60	26.2	0.054	2.49	0.38	0.406	0.49	4.67	0.091	0.032	186
DP14413	2 7	0.36	16.71	0.33	2.15	7.62	26.3	0.057	2.49	0.43	0.410	0.46	4.66	0.093	0.047	181
DP14414	2 7	0.46	16.81	0.42	2.13	7.62	26.2	0.056	2.46	0.41	0.410	0.51	4.70	0.093	0.033	181
DP14415	3 1	0.26	10.51	0.47	2.00	7.50	26.3	0.057	2.61	0.51	0.417	0.41	4.73	0.088	0.058	148
DP14416	3 1	0.36	10.61	0.45	1.97	7.48	26.2	0.053	2.55	0.41	0.405	0.39	4.68	0.092	0.026	165
DP14417	3 1	0.46	10.71	0.37	2.02	7.57	26.3	0.052	2.65	0.42	0.419	0.38	4.70	0.097	0.051	171
DP14418	3 1	0.56	10.81	0.42	2.02	7.69	26.5	0.052	2.61	0.31	0.412	0.36	4.69	0.098	0.017	183
DP14419	3 1	0.66	10.91	0.31	1.88	7.36	27.0	0.052	2.46	0.31	0.391	0.45	4.52	0.098	0.012	214
DP14420	3 1	0.76	11.01	0.39	1.90	7.40	26.6	0.055	2.47	0.39	0.399	0.47	4.51	0.086	0.025	196



Table 2. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP14484	4 1	0.96	19.16	0.40	2.15	7.87	26.3	0.058	2.43	0.52	0.428	0.55	4.93	0.088	0.031	184
DP14485	4 1	1.06	19.26	0.43	2.12	7.76	26.0	0.059	2.45	0.49	0.410	0.55	4.86	0.088	0.028	173
DP14486	4 1	1.16	19.36	0.44	2.11	7.73	25.8	0.059	2.53	0.44	0.415	0.55	4.80	0.088	0.038	175
DP14487	4 1	1.26	19.46	0.40	2.12	7.88	26.3	0.058	2.59	0.44	0.439	0.57	4.94	0.088	0.038	173
DP14488	4 1	1.36	19.56	0.42	2.09	7.74	25.9	0.055	2.57	0.44	0.422	0.54	4.88	0.088	0.042	171
DP14489	4 1	1.46	19.66	0.47	2.11	7.82	26.0	0.056	2.60	0.44	0.429	0.57	4.94	0.092	0.045	159
DP14490	4 2	0.05	19.75	0.41	2.10	7.85	26.0	0.056	2.61	0.46	0.424	0.55	4.91	0.087	0.042	164
DP14491	4 2	0.16	19.86	0.44	2.10	7.80	25.9	0.058	2.58	0.44	0.425	0.55	4.87	0.086	0.048	166
DP14492	4 2	0.26	19.96	0.43	2.10	7.82	26.0	0.056	2.62	0.41	0.427	0.54	4.91	0.092	0.044	155
DP14493	4 2	0.36	20.06	0.45	2.07	7.81	25.8	0.054	2.61	0.40	0.421	0.52	4.87	0.089	0.046	155
DP14494	4 2	0.46	20.16	0.48	2.07	7.85	26.0	0.057	2.67	0.43	0.431	0.50	4.96	0.091	0.054	148
DP14495	4 2	0.56	20.26	0.45	2.06	7.79	25.7	0.055	2.58	0.45	0.424	0.55	4.93	0.088	0.049	160
DP14496	4 2	0.66	20.36	0.47	2.11	7.92	26.0	0.058	2.61	0.46	0.432	0.58	5.00	0.087	0.064	165
DP14497	4 2	0.76	20.46	0.43	2.07	7.83	25.6	0.058	2.57	0.45	0.422	0.59	4.95	0.089	0.051	159
DP14498	4 2	0.86	20.56	0.47	2.06	7.92	25.8	0.060	2.61	0.47	0.434	0.60	5.01	0.087	0.057	153
DP14499	4 2	0.96	20.66	0.45	2.02	7.83	25.5	0.060	2.57	0.46	0.424	0.61	4.97	0.085	0.048	160
DP14500	4 2	1.06	20.76	0.53	2.01	7.92	25.7	0.059	2.60	0.49	0.442	0.61	5.08	0.082	0.046	144
DP14501	4 2	1.16	20.86	0.47	2.01	7.93	25.7	0.057	2.60	0.49	0.432	0.60	5.04	0.083	0.048	148
DP14502	4 2	1.26	20.96	0.47	1.99	7.80	25.6	0.054	2.66	0.43	0.426	0.59	4.93	0.088	0.057	150
DP14503	4 2	1.36	21.06	0.44	2.00	7.72	25.3	0.057	2.60	0.43	0.418	0.62	4.89	0.088	0.053	157
DP14504	4 2	1.46	21.16	0.50	2.02	7.84	25.7	0.059	2.63	0.45	0.432	0.62	4.97	0.088	0.054	152
DP14505	4 3	0.06	21.26	0.51	2.01	7.59	25.0	0.058	2.56	0.47	0.412	0.61	4.89	0.085	0.066	148
DP14506	4 3	0.16	21.36	0.47	2.05	7.77	25.5	0.060	2.59	0.46	0.436	0.67	4.98	0.086	0.057	149
DP14507	4 3	0.26	21.46	0.49	2.05	7.82	25.6	0.063	2.62	0.46	0.436	0.71	4.99	0.085	0.059	155
DP14508	4 3	0.36	21.56	0.46	2.07	7.78	25.3	0.063	2.60	0.44	0.427	0.71	4.99	0.085	0.057	152
DP14509	4 3	0.46	21.66	0.53	2.05	7.83	25.5	0.058	2.63	0.45	0.426	0.67	5.01	0.085	0.058	146
DP14510	4 3	0.56	21.76	0.48	2.05	7.85	25.6	0.054	2.63	0.45	0.434	0.67	5.04	0.084	0.056	148
DP14511	4 3	0.66	21.86	0.50	2.03	7.82	25.5	0.053	2.58	0.49	0.429	0.66	5.07	0.079	0.052	151
DP14512	4 3	0.76	21.96	0.50	2.03	7.82	25.4	0.053	2.57	0.49	0.434	0.66	5.08	0.081	0.048	141
DP14513	4 3	0.86	22.06	0.46	2.02	7.84	25.5	0.059	2.63	0.42	0.438	0.70	5.00	0.086	0.045	144
DP14514	4 3	0.96	22.16	0.50	2.06	7.97	25.8	0.061	2.70	0.44	0.447	0.66	5.04	0.086	0.057	144
DP14515	4 3	1.06	22.26	0.51	2.07	7.83	25.4	0.061	2.64	0.44	0.433	0.67	4.98	0.086	0.062	146
DP14516	4 3	1.16	22.36	0.49	2.06	7.99	26.0	0.059	2.69	0.43	0.447	0.71	5.08	0.088	0.047	140
DP14517	4 3	1.26	22.46	0.47	2.04	7.88	25.6	0.061	2.66	0.43	0.442	0.68	5.02	0.085	0.063	146
DP14518	4 3	1.36	22.56	0.44	2.04	7.86	25.4	0.060	2.63	0.42	0.439	0.69	5.01	0.085	0.074	154
DP14519	4 3	1.46	22.66	0.40	2.05	7.87	25.5	0.059	2.57	0.41	0.439	0.69	5.03	0.083	0.070	158
DP14520	4 4	0.06	22.76	0.49	2.04	7.85	25.6	0.060	2.65	0.43	0.443	0.78	5.04	0.087	0.060	146
DP14521	4 4	0.16	22.86	0.49	2.04	7.86	25.5	0.063	2.65	0.43	0.444	0.74	5.03	0.086	0.065	143
DP14522	4 4	0.26	22.96	0.47	2.01	7.89	25.5	0.065	2.65	0.44	0.433	0.73	4.96	0.085	0.061	143
DP14523	4 4	0.36	23.06	0.48	2.03	7.81	25.3	0.064	2.66	0.44	0.432	0.70	4.95	0.083	0.066	138
DP14524	4 4	0.46	23.16	0.49	2.02	7.80	25.4	0.065	2.70	0.43	0.435	0.70	4.98	0.084	0.069	134
DP14525	4 4	0.56	23.26	0.48	2.02	7.78	25.4	0.063	2.70	0.42	0.440	0.68	4.97	0.084	0.068	135
DP14526	4 4	0.66	23.36	0.53	2.01	7.75	25.2	0.061	2.72	0.41	0.437	0.70	4.99	0.087	0.074	127
DP14527	4 4	0.76	23.46	0.51	1.98	7.75	25.2	0.058	2.72	0.40	0.432	0.64	4.96	0.080	0.070	131
DP14528	4 4	0.86	23.56	0.53	1.98	7.87	25.4	0.063	2.74	0.42	0.438	0.64	4.99	0.083	0.071	127
DP14529	4 4	0.96	23.66	0.51	1.99	7.85	25.3	0.068	2.73	0.43	0.431	0.68	4.92	0.081	0.074	134
DP14530	4 4	1.06	23.76	0.47	1.96	7.81	25.3	0.069	2.70	0.43	0.432	0.69	4.91	0.079	0.066	131
DP14531	4 4	1.16	23.86	0.47	1.98	7.84	25.3	0.067	2.71	0.42	0.437	0.64	4.92	0.079	0.073	138
DP14532	4 4	1.26	23.96	0.45	1.98	7.86	25.4	0.069	2.69	0.43	0.434	0.65	4.94	0.080	0.064	140
DP14533	4 4	1.36	24.06	0.45	1.97	7.85	25.4	0.064	2.69	0.41	0.437	0.65	4.97	0.079	0.056	135
DP14534	4 4	1.46	24.16	0.48	1.98	7.93	25.6	0.063	2.67	0.45	0.448	0.63	5.07	0.078	0.065	137
DP14535	4 5	0.06	24.26	0.46	1.95	7.91	25.5	0.060	2.65	0.44	0.444	0.64	5.06	0.076	0.049	138
DP14536	4 5	0.16	24.36	0.44	1.98	7.91	25.6	0.060	2.68	0.40	0.440	0.66	5.00	0.077	0.046	139
DP14537	4 5	0.26	24.46	0.43	1.99	7.93	25.6	0.067	2.66	0.41	0.443	0.68	4.98	0.079	0.048	140
DP14538	4 5	0.36	24.56	0.47	2.00	7.86	25.5	0.070	2.68	0.42	0.444	0.71	4.98	0.080	0.056	133
DP14539	4 5	0.46	24.66	0.49	2.01	7.91	25.6	0.072	2.69	0.43	0.451	0.72	5.04	0.082	0.054	132
DP14540	4 5	0.56	24.76	0.46	2.02	7.95	25.7	0.075	2.70	0.42	0.446	0.70	5.02	0.087	0.051	136
DP14541	4 5	0.66	24.86	0.43	1.98	7.90	25.5	0.071	2.66	0.39	0.437	0.72	4.97	0.081	0.036	135
DP14542	4 5	0.76	24.96	0.44	1.99	7.87	25.4	0.071	2.68	0.41	0.444	0.71	4.96	0.080	0.049	134
DP14543	4 5	0.86	25.06	0.41	2.00	7.96	25.6	0.072	2.71	0.40	0.442	0.75	4.99	0.077	0.049	141
DP14544	4 5	0.96	25.16	0.41	2.00	7.94	25.5	0.071	2.71	0.38	0.440	0.72	4.97	0.081	0.053	143
DP14545	4 5	1.06	25.26	0.45	1.99	7.89	25.4	0.067	2.70	0.36	0.430	0.67	4.92	0.077	0.049	134
DP14546	4 5	1.16	25.36	0.45	2.01	7.93	25.4	0.070	2.72	0.40	0.434	0.72	4.91	0.078	0.069	137





Table 2. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)												S	$H_2O$
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Tl	Mn	Fe	Ba			
DP14673	6	6	0.66	42.46	0.43	2.07	7.76	23.6	0.287	3.12	0.81	0.742	1.21	6.28	0.074	0.067	127
DP14674	6	6	0.76	42.56	0.43	2.08	7.78	23.8	0.295	3.16	0.81	0.751	1.18	6.26	0.075	0.066	125
DP14675	6	6	0.86	42.66	0.40	2.12	7.70	23.7	0.302	3.17	0.81	0.730	1.17	6.22	0.074	0.069	128
DP14676	6	6	0.96	42.76	0.38	2.08	7.53	23.3	0.248	3.12	0.69	0.656	1.14	5.85	0.072	0.054	119
DP14677	6	6	1.06	42.86	0.41	2.18	7.63	23.8	0.230	3.20	0.65	0.710	1.10	6.17	0.073	0.057	115
DP14678	6	6	1.16	42.96	0.37	2.17	7.73	24.0	0.253	3.18	0.70	0.658	1.17	6.01	0.074	0.064	115
DP14679	6	6	1.26	43.06	0.34	2.17	7.72	24.0	0.256	3.18	0.72	0.604	1.21	5.74	0.075	0.054	111
DP14680	6	6	1.36	43.16	0.33	2.18	7.65	23.9	0.264	3.16	0.71	0.569	1.15	5.63	0.078	0.054	106
DP14681	6	6	1.46	43.26	0.31	2.26	7.71	24.1	0.248	3.21	0.69	0.593	1.18	5.72	0.076	0.059	109
DP14682	6	7	0.06	43.36	0.31	2.23	7.50	23.7	0.281	3.12	0.75	0.573	1.13	5.73	0.075	0.059	114
DP14683	6	7	0.16	43.46	0.30	2.27	7.67	23.9	0.282	3.13	0.76	0.544	1.20	5.59	0.077	0.054	107
DP14684	6	7	0.26	43.56	0.32	2.24	7.68	24.1	0.266	3.19	0.72	0.587	1.15	5.74	0.076	0.052	109
DP14685	6	7	0.36	43.66	0.30	2.31	7.77	24.4	0.272	3.16	0.74	0.624	1.13	5.91	0.075	0.056	105
DP14686	6	7	0.44	43.74	0.32	2.31	7.72	24.1	0.258	3.13	0.70	0.609	1.07	5.85	0.076	0.062	104
DP14687	7	1	0.09	43.49	0.26	2.23	7.53	23.8	0.269	3.16	0.74	0.584	1.14	5.72	0.076	0.066	127
DP14688	7	1	0.16	43.56	0.28	2.26	7.61	24.1	0.272	3.16	0.75	0.590	1.13	5.78	0.075	0.064	119
DP14689	7	1	0.26	43.66	0.31	2.27	7.66	24.2	0.264	3.18	0.76	0.576	1.19	5.74	0.077	0.064	114
DP14690	7	1	0.36	43.76	0.37	2.28	7.66	24.0	0.265	3.15	0.78	0.561	1.18	5.66	0.075	0.074	111
DP14691	7	1	0.46	43.86	0.32	2.24	7.65	24.0	0.259	3.14	0.72	0.595	1.14	5.81	0.075	0.056	117
DP14692	7	1	0.56	43.96	0.37	2.17	7.75	23.9	0.233	3.15	0.63	0.647	0.99	6.01	0.073	0.053	114
DP14693	7	1	0.66	44.06	0.42	2.12	7.72	23.9	0.268	3.28	0.72	0.671	0.92	5.99	0.073	0.062	108
DP14694	7	1	0.76	44.16	0.35	2.20	7.80	24.1	0.247	3.13	0.64	0.654	1.00	6.02	0.075	0.046	116
DP14695	7	1	0.86	44.26	0.33	2.24	7.81	23.9	0.238	3.02	0.64	0.628	1.08	6.11	0.075	0.058	123
DP14696	7	1	0.96	44.36	0.28	2.26	7.73	23.7	0.249	3.00	0.66	0.601	1.07	5.89	0.074	0.062	127
DP14697	7	1	1.06	44.46	0.32	2.31	7.87	24.1	0.265	3.01	0.67	0.626	1.04	5.99	0.073	0.059	121
DP14698	7	1	1.16	44.56	0.32	2.33	7.83	24.1	0.285	3.02	0.73	0.649	1.06	6.12	0.074	0.067	116
DP14699	7	1	1.26	44.66	0.28	2.32	7.84	24.1	0.287	3.00	0.73	0.615	1.13	6.06	0.074	0.056	117
DP14700	7	1	1.36	44.76	0.29	2.27	7.63	23.6	0.316	2.97	0.80	0.618	1.09	6.11	0.075	0.059	118
DP14701	7	1	1.46	44.86	0.32	2.21	7.70	23.8	0.270	3.13	0.72	0.624	1.03	6.11	0.074	0.062	117
DP14702	7	2	0.05		0.32	2.20	7.74	23.7	0.299	3.02	0.77	0.600	1.06	6.10	0.075	0.060	
DP14703	7	2	0.26		0.31	2.25	7.75	23.5	0.283	2.92	0.75	0.589	1.07	6.06	0.071	0.057	
DP14704	7	2	0.36		0.33	2.20	7.82	23.6	0.304	2.90	0.77	0.603	1.04	6.23	0.074	0.056	
DP14705	7	2	0.56	46.46	0.37	2.17	7.78	23.6	0.287	2.99	0.74	0.646	1.08	6.57	0.076	0.056	115
DP14706	7	2	0.66	46.56	0.41	2.13	7.66	23.3	0.264	2.98	0.72	0.672	1.00	6.70	0.074	0.063	116
DP14707	7	2	0.76	46.66	0.38	2.13	7.72	23.0	0.336	2.76	0.83	0.692	1.01	6.95	0.073	0.060	123
DP14708	7	2	0.86	46.76	0.38	2.18	7.85	23.3	0.386	2.81	0.97	0.708	1.11	6.78	0.073	0.068	121
DP14709	7	2	0.96	46.86	0.35	2.22	7.66	23.5	0.348	2.96	0.91	0.653	1.16	6.41	0.072	0.063	119
DP14710	7	2	1.08	46.98	0.41	2.07	7.80	23.2	0.383	2.83	0.88	0.709	1.13	6.89	0.074	0.045	126
DP14711	7	2	1.16	47.06	0.33	2.17	7.68	22.9	0.429	2.73	1.01	0.652	1.17	6.65	0.074	0.077	128
DP14712	7	2	1.26	47.16	0.34	2.26	7.74	23.5	0.442	2.83	1.04	0.641	1.26	6.53	0.074	0.076	125
DP14713	7	2	1.36	47.26	0.30	2.31	7.43	23.4	0.509	2.96	1.19	0.622	1.39	6.46	0.077	0.069	130
DP14714	7	2	1.46	47.36	0.31	2.30	7.35	23.2	0.500	3.05	1.24	0.614	1.56	6.03	0.082	0.074	121
DP14715	7	3	0.05	47.45	0.27	2.31	7.30	23.2	0.531	3.09	1.31	0.627	1.43	6.00	0.080	0.073	125
DP14716	7	3	0.14	47.54	0.27	2.31	7.36	23.5	0.446	3.18	1.17	0.649	1.34	6.10	0.078	0.067	126
DP14717	7	3	0.26	47.66	0.28	2.24	7.32	23.1	0.518	3.04	1.28	0.573	1.32	5.93	0.080	0.056	119
DP14718	7	3	0.36	47.76	0.28	2.23	7.39	23.2	0.546	3.07	1.38	0.600	1.35	5.93	0.077	0.074	118
DP14719	7	3	0.46	47.86	0.31	2.23	7.37	23.3	0.591	3.09	1.52	0.601	1.30	5.94	0.078	0.081	119
DP14720	7	3	0.56	47.96	0.29	2.25	7.30	23.3	0.561	3.12	1.43	0.607	1.45	5.97	0.077	0.074	126
DP14721	7	3	0.66	48.06	0.32	2.19	7.06	22.9	0.699	3.18	1.85	0.572	1.35	5.99	0.075	0.085	126
DP14722	7	3	0.76	48.16	0.28	2.19	7.17	23.0	0.620	3.12	1.62	0.541	1.42	5.73	0.079	0.086	128
DP14723	7	3	0.86	48.26	0.31	2.17	7.15	22.8	0.659	3.05	1.69	0.569	1.34	5.92	0.076	0.088	127
DP14724	7	3	0.96	48.36	0.35	2.15	7.16	22.7	0.645	3.04	1.68	0.578	1.25	5.91	0.076	0.084	124
DP14725	7	3	1.06	48.46	0.37	2.10	7.14	22.6	0.720	3.02	1.77	0.605	1.17	6.03	0.074	0.086	126
DP14726	7	3	1.16	48.56	0.35	2.11	7.37	23.1	0.662	3.08	1.66	0.567	1.27	6.04	0.077	0.089	125
DP14727	7	3	1.26	48.66	0.39	2.12	7.42	22.9	0.695	3.03	1.73	0.538	1.30	6.02	0.077	0.090	123
DP14728	7	3	1.36	48.76	0.38	2.09	7.41	22.9	0.642	3.04	1.64	0.546	1.27	5.96	0.078	0.089	123
DP14729	7	3	1.46	48.86	0.39	2.08	7.40	22.9	0.705	3.05	1.70	0.555	1.17	6.00	0.074	0.096	121
DP14730	7	4	0.06	48.96	0.47	2.12	7.48	23.2	0.847	3.15	2.08	0.529	1.21	5.89	0.074	0.120	117
DP14731	7	4	0.16	49.06	0.40	2.07	7.24	22.8	0.809	3.12	2.03	0.473	1.22	5.56	0.075	0.110	115
DP14732	7	4	0.26	49.16	0.41	2.05	7.11	22.5	0.789	3.07	2.03	0.474	1.26	5.53	0.075	0.091	121
DP14733	7	4	0.36	49.26	0.38	2.11	7.20	22.8	0.796	3.10	2.10	0.478	1.34	5.60	0.076	0.091	125
DP14734	7	4	0.46	49.36	0.37	2.11	7.14	22.8	0.836	3.20	2.18	0.463	1.33	5.44	0.074	0.092	127
DP14735	7	4	0.56	49.46	0.31	2.10	7.10	22.8	0.840	3.25	2.18	0.445	1.35	5.34	0.072	0.097	128



Table 2. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP14799	8	2	1.16	56.76	0.29	2.24	7.11	23.8	0.359	3.42	0.96	0.390	1.52	5.71	0.081	0.064	122
DP14800	8	2	1.26	56.86	0.27	2.20	6.95	23.3	0.339	3.34	1.60	0.390	1.40	5.90	0.079	0.068	118
DP14801	8	2	1.36	56.96	0.29	2.23	6.93	23.5	0.383	3.33	0.97	0.376	1.43	5.94	0.082	0.059	120
DP14802	8	2	1.46	57.06	0.30	2.23	6.31	21.9	0.373	3.03	3.29	0.356	1.51	6.83	0.089	0.063	120
DP14803	8	3	0.04	57.14	0.34	2.45	6.38	23.0	0.491	3.02	1.38	0.355	1.53	7.42	0.101	0.067	130
DP14804	8	3	0.66	57.76	0.32	2.40	6.71	22.7	0.285	3.08	0.84	0.356	1.76	8.19	0.090	0.064	126
DP14805	8	3	0.92	58.02	0.28	2.33	7.00	24.1	0.296	3.40	0.80	0.394	1.21	5.95	0.076	0.062	117
DP14806	8	3	1.01	58.11	0.27	2.40	6.48	22.9	0.339	3.10	0.96	0.351	1.61	7.81	0.091	0.068	133
DP14807	8	3	1.47	58.57	0.30	2.31	7.02	24.2	0.380	3.38	1.01	0.416	1.14	5.77	0.074	0.070	116
DP14808	8	4	0.03	58.63	0.27	2.32	6.91	23.7	0.393	3.32	1.08	0.392	1.40	5.98	0.083	0.066	112
DP14809	8	4	0.13	58.73	0.31	2.35	6.89	23.6	0.558	3.36	1.43	0.391	0.97	6.23	0.073	0.071	108
DP14810	8	4	0.23	58.83	0.28	2.46	6.28	23.0	0.430	3.13	1.96	0.358	1.41	6.50	0.088	0.062	124
DP14811	8	5	0.74	60.84	0.08	0.42	0.58	2.1	0.031	0.26	35.69	0.057	0.20	0.78	0.054	0.016	53
DP14812	8	5	0.84	60.94	0.10	0.42	0.58	2.1	0.030	0.26	35.87	0.057	0.20	0.78	0.053	0.015	54
DP14813	8	5	0.95	61.05	0.06	0.42	0.57	2.1	0.029	0.27	35.65	0.057	0.20	0.80	0.055	0.016	53
DP14814	8	6	0.77	62.37	0.30	2.38	6.92	24.0	0.431	3.34	1.09	0.382	1.52	5.86	0.159	0.055	113
DP14815	8	6	0.90	62.50	0.26	2.46	6.84	24.4	0.295	3.35	0.80	0.389	1.21	5.36	0.102	0.042	118
DP14816	8	7	0.39	63.49	0.20	2.53	6.99	24.7	0.339	3.46	0.81	0.394	1.16	5.09	0.083	0.044	121
DP14817	8	C	0.06	63.59	0.22	2.56	6.86	24.7	0.286	3.38	0.76	0.377	1.22	5.19	0.084	0.043	124

Note: Depth in hole omitted for disturbed samples.

Table 3. Elemental abundance (wt.%) and water content (% dry wt.) of Hole 576A samples.

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19732	1	1	0.24	1.44	0.32	1.75	7.10	26.8	0.053	2.49	0.31	0.394	0.18	4.56	0.086	0.046	149
DP19733	1	1	0.24	1.44	0.44	1.78	7.40	26.5	0.052	2.43	0.64	0.411	0.51	4.92	0.096	0.043	149
DP19734	1	1	0.27	1.47	0.50	1.78	7.40	26.4	0.052	2.40	0.70	0.412	0.48	4.98	0.092	0.039	
DP19735	1	1	0.33	1.53	0.50	1.80	7.54	26.2	0.056	2.53	0.46	0.413	0.56	4.83	0.099	0.033	
DP19736	1	1	0.45	1.65	0.58	1.80	7.53	26.2	0.054	2.59	0.44	0.417	0.55	4.82	0.095	0.037	
DP19737	1	1	0.49	1.69	0.53	1.83	7.53	26.2	0.054	2.61	0.44	0.421	0.45	4.82	0.094	0.046	120
DP19738	1	1	0.55	1.75	0.51	1.86	7.60	26.2	0.051	2.67	0.41	0.429	0.20	4.88	0.091	0.041	
DP19739	1	1	0.65	1.85	0.47	1.84	7.56	26.0	0.052	2.61	0.45	0.427	0.32	4.85	0.087	0.043	
DP19740	1	1	0.74	1.94	0.46	1.86	7.52	26.0	0.054	2.57	0.49	0.416	0.51	4.80	0.096	0.060	145
DP19741	1	1	0.89	2.09	0.75	1.99	7.85	24.6	0.124	2.77	0.48	0.461	1.13	5.33	0.074	0.036	140
DP19742	1	2	0.14	2.84	0.30	1.76	7.14	26.9	0.049	2.54	0.24	0.393	0.09	4.54	0.098	0.012	201
DP19743	1	2	0.20	2.90	0.38	1.74	7.31	27.1	0.050	2.52	0.33	0.403	0.11	4.67	0.098	0.014	
DP19744	1	2	0.30	3.00	0.30	1.68	7.03	26.8	0.049	2.42	0.27	0.380	0.11	4.42	0.097	0.022	
DP19745	1	2	0.39	3.09	0.26	1.65	7.11	27.1	0.053	2.38	0.27	0.378	0.22	4.43	0.099	0.014	232
DP19746	1	2	0.48	3.18	0.31	1.65	6.96	26.5	0.052	2.42	0.34	0.379	0.26	4.46	0.091	0.032	
DP19747	1	2	0.58	3.28	0.45	1.75	7.28	26.2	0.054	2.54	0.42	0.398	0.34	4.64	0.088	0.041	
DP19748	1	2	0.64	3.34	0.53	1.77	7.38	26.3	0.055	2.59	0.43	0.412	0.42	4.73	0.089	0.037	138
DP19749	1	2	0.67	3.37	0.47	1.75	7.41	26.4	0.054	2.56	0.39	0.405	0.44	4.70	0.093	0.025	
DP19750	1	2	0.75	3.45	0.50	1.79	7.39	26.2	0.054	2.61	0.42	0.411	0.37	4.76	0.087	0.037	
DP19751	1	2	0.85	3.55	0.42	1.82	7.54	26.4	0.054	2.61	0.41	0.410	0.35	4.72	0.091	0.035	
DP19752	1	2	0.94	3.64	0.43	1.75	7.46	26.3	0.058	2.56	0.48	0.399	0.51	4.57	0.088	0.030	143
DP19753	1	2	1.09	3.79	0.48	1.82	7.51	26.1	0.057	2.58	0.48	0.403	0.39	4.72	0.088	0.041	134
DP19754	1	2	1.34	4.04	0.43	1.91	7.58	26.2	0.054	2.67	0.42	0.418	0.27	4.86	0.088	0.056	134
DP19755	1	3	0.34	4.54	0.46	1.84	7.56	26.2	0.055	2.60	0.44	0.411	0.33	4.72	0.090	0.044	134
DP19756	1	3	0.84	5.04	0.46	1.92	7.60	26.0	0.050	2.66	0.37	0.419	0.44	4.81	0.086	0.035	129
DP19757	1	3	1.03	5.23	0.41	1.88	7.52	26.0	0.050	2.57	0.37	0.409	0.42	4.66	0.087	0.038	
DP19758	1	4	0.17	5.87	0.39	1.98	7.63	26.1	0.052	2.67	0.38	0.418	0.33	4.81	0.094	0.052	
DP19759	1	4	0.23	5.93	0.51	1.95	7.70	26.0	0.053	2.66	0.34	0.421	0.33	4.87	0.090	0.027	
DP19760	1	4	0.35	6.05	0.51	1.87	7.52	26.3	0.054	2.55	0.36	0.408	0.44	4.65	0.089	0.024	
DP19761	1	4	0.44	6.14	0.44	1.91	7.58	26.2	0.054	2.59	0.39	0.411	0.41	4.75	0.090	0.033	143
DP19762	1	4	0.74	6.44	0.39	1.91	7.57	26.1	0.054	2.58	0.36	0.416	0.41	4.75	0.092	0.029	155
DP19763	1	5	0.05	7.25	0.46	1.95	7.60	26.4	0.052	2.59	0.30	0.412	0.40	4.69	0.097	0.025	
DP19764	1	5	0.15	7.35	0.46	1.96	7.57	26.1	0.052	2.61	0.36	0.409	0.32	4.78	0.098	0.035	
DP19765	1	5	0.24	7.44	0.29	1.83	7.31	26.5	0.052	2.49	0.33	0.395	0.46	4.58	0.099	0.025	182
DP19766	1	5	0.49	7.69	0.44	1.90	7.44	26.2	0.050	2.57	0.44	0.408	0.43	4.70	0.084	0.044	135
DP19767	1	5	0.53	7.73	0.50	1.89	7.44	26.2	0.051	2.57	0.45	0.406	0.40	4.68	0.084	0.039	
DP19768	1	5	0.74	7.94	0.55	1.59	6.86	26.5	0.044	2.56	0.49	0.337	0.35	3.71	0.082	0.037	113
DP19769	1	5	0.99	8.19	0.44	1.97	7.54	26.0	0.049	2.63	0.36	0.409	0.35	4.77	0.090	0.042	148
DP19770	1	5	1.05	8.25	0.61	1.94	7.56	26.2	0.047	2.64	0.35	0.413	0.24	4.73	0.085	0.027	
DP19771	1	5	1.15	8.35	0.52	1.91	7.58	26.4	0.048	2.56	0.26	0.416	0.28	4.73	0.092	0.018	
DP19772	1	5	1.24	8.44	0.41	1.97	7.56	26.3	0.049	2.61	0.33	0.415	0.41	4.76	0.092	0.037	157
DP18564	1	5	1.27	8.47	0.34	1.99	7.61	26.3	0.048	2.67	0.30	0.416	0.25	4.82	0.090	0.020	
DP19773	1	6	0.33	9.03	0.36	1.93	7.52	26.1	0.055	2.55	0.34	0.410	0.47	4.67	0.090	0.031	
DP19774	1	6	0.35	9.05	0.53	1.91	7.51	26.1	0.054	2.59	0.35	0.410	0.45	4.69	0.092	0.036	
DP19775	1	6	0.45	9.15	0.49	1.91	7.49	26.2	0.054	2.57	0.34	0.414	0.45	4.71	0.095	0.031	
DP19776	1	6	0.54	9.24	0.30	1.85	7.27	26.2	0.052	2.49	0.30	0.399	0.51	4.53	0.089	0.023	192
DP19777	1	6	0.60	9.30	0.44	1.86	7.31	26.2	0.054	2.54	0.35	0.392	0.51	4.52	0.088	0.028	
DP19778	1	6	0.70	9.40	0.60	1.90	7.52	26.4	0.051	2.57	0.31	0.406	0.45	4.67	0.097	0.030	
DP19779	1	6	0.79	9.49	0.43	1.91	7.47	26.4	0.053	2.61	0.38	0.410	0.46	4.65	0.094	0.039	147
DP10802	1	C		9.80	0.54	1.90	7.36	26.3	0.055	2.65	0.44	0.403	0.38	4.64	0.095	0.038	
DP19780	2	1	0.55	10.85	0.32	1.96	7.55	26.5	0.055	2.58	0.32	0.405	0.37	4.56	0.102	0.035	
DP19781	2	1	0.65	10.95	0.52	1.93	7.54	26.6	0.054	2.57	0.30	0.399	0.39	4.55	0.100	0.023	
DP19782	2	1	0.74	11.04	0.40	1.95	7.53	26.5	0.056	2.53	0.31	0.397	0.45	4.56	0.097	0.020	179
DP19783	2	1	0.78	11.08	0.39	2.00	7.53	26.3	0.059	2.50	0.32	0.399	0.45	4.61	0.094	0.022	
DP19784	2	1	0.85	11.15	0.57	1.94	7.46	25.4	0.058	2.47	0.26	0.386	0.38	4.61	0.094	0.017	
DP19785	2	1	0.95	11.25	0.53	2.00	7.51	25.9	0.056	2.55	0.34	0.405	0.42	4.64	0.099	0.034	
DP19786	2	1	0.99	11.29	0.42	1.99	7.51	26.0	0.055	2.58	0.37	0.411	0.40	4.71	0.098	0.041	143
DP19787	2	1	1.24	11.54	0.32	1.98	7.54	26.0	0.054	2.48	0.35	0.408	0.47	4.66	0.095	0.033	171
DP19788	2	1	1.30	11.60	0.56	2.00	7.60	26.1	0.054	2.48	0.30	0.406	0.44	4.69	0.097	0.029	
DP19789	2	1	1.39	11.69	0.41	1.96	7.46	26.2	0.056	2.41	0.34	0.398	0.49	4.61	0.099	0.034	184
DP18565	2	2	0.05	11.85	0.37	1.98	7.50	26.1	0.055	2.48	0.37	0.409	0.43	4.72	0.095	0.011	
DP19790	2	2	0.58	12.38	0.67	1.97	7.65	26.2	0.062	2.42	0.28	0.402	0.49	4.71	0.091	0.010	
DP19791	2	2	0.69	12.49	0.36	2.01	7.58	26.1	0.059	2.50	0.34	0.410	0.48	4.69	0.092	0.028	167

Table 3. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19792	2 2	0.73	12.53	0.34	1.97	7.53	25.9	0.059	2.50	0.33	0.406	0.44	4.66	0.090	0.023	
DP19793	2 2	0.89	12.69	0.50	2.01	7.60	26.1	0.058	2.40	0.31	0.398	0.52	4.65	0.090	0.016	183
DP19794	2 2	1.24	13.04	0.44	1.99	7.57	26.1	0.048	2.63	0.32	0.415	0.36	4.73	0.090	0.032	144
DP18566	2 2	1.42	13.22	0.31	2.05	7.57	26.1	0.047	2.57	0.29	0.421	0.42	4.76	0.093	0.025	
DP19795	2 3	0.28	13.58	0.41	2.02	7.55	25.8	0.048	2.70	0.34	0.421	0.40	4.84	0.097	0.046	
DP19796	2 3	0.36	13.66	0.52	2.00	7.66	26.0	0.048	2.74	0.31	0.420	0.33	4.84	0.094	0.038	
DP19797	2 3	0.46	13.76	0.48	1.99	7.58	25.9	0.053	2.55	0.25	0.404	0.39	4.65	0.096	0.018	
DP19798	2 3	0.49	13.79	0.50	2.05	7.61	26.4	0.056	2.47	0.26	0.409	0.40	4.58	0.092	0.022	166
DP18567	2 3	0.67	13.97	0.34	2.06	7.60	26.1	0.054	2.56	0.34	0.421	0.39	4.72	0.093	0.017	
DP19799	2 4	0.03	14.83	0.50	2.15	7.59	26.1	0.054	2.41	0.31	0.383	0.39	4.49	0.081	0.034	
DP19800	2 4	0.10	14.90	0.50	2.32	7.48	26.0	0.052	2.11	0.31	0.336	0.43	3.97	0.075	0.036	
DP19801	2 4	0.15	14.95	0.62	2.36	7.41	26.6	0.051	1.91	0.35	0.284	0.32	3.38	0.069	0.040	
DP19802	2 4	0.20	15.00	0.53	2.19	7.55	26.3	0.059	2.28	0.33	0.376	0.49	4.33	0.085	0.032	
DP19803	2 4	0.29	15.09	0.75	1.97	7.70	26.2	0.065	2.44	0.26	0.414	0.50	4.78	0.093	0.008	162
DP19804	2 5	0.10	16.40	0.59	2.07	7.73	26.1	0.052	2.57	0.35	0.418	0.46	4.79	0.095	0.042	
DP19805	2 5	0.20	16.50	0.68	2.00	7.64	25.9	0.058	2.51	0.37	0.419	0.49	4.83	0.094	0.031	
DP19806	2 5	0.29	16.59	0.43	1.96	7.57	25.8	0.062	2.48	0.40	0.417	0.53	4.79	0.094	0.034	157
DP18568	2 5	0.41	16.71	0.27	2.04	7.65	25.4	0.057	2.38	0.47	0.410	0.56	4.89	0.088	0.031	
DP19807	2 6	1.19	18.99	0.69	1.87	7.93	25.5	0.062	2.52	0.42	0.427	0.63	5.10	0.080	0.022	136
DP19808	2 6	1.23	19.03	0.53	1.89	7.87	25.4	0.057	2.51	0.45	0.420	0.61	5.06	0.081	0.034	
DP19809	2 6	1.49	19.29	0.46	1.93	7.82	25.5	0.062	2.59	0.39	0.419	0.65	4.98	0.088	0.039	134
DP19810	2 7	0.03	19.33	0.52	1.90	7.77	25.3	0.058	2.58	0.37	0.421	0.62	4.93	0.084	0.036	
DP19803	2 C	19.50	0.43	1.98	7.90	25.5	0.055	2.62	0.41	0.439	0.67	5.12	0.084	0.040		
DP19811	3 1	0.05	23.05	0.59	1.92	7.84	25.3	0.060	2.67	0.30	0.424	0.71	4.99	0.081	0.031	
DP19812	3 1	0.15	23.15	0.67	1.89	7.93	25.4	0.062	2.65	0.27	0.427	0.70	4.98	0.079	0.022	
DP19813	3 1	0.24	23.24	0.51	1.91	7.90	25.4	0.064	2.68	0.34	0.430	0.69	4.93	0.081	0.040	124
DP19814	3 1	0.49	23.49	0.49	1.90	7.94	25.5	0.069	2.66	0.33	0.429	0.65	4.92	0.080	0.034	131
DP19815	3 1	0.74	23.74	0.51	1.91	7.85	25.2	0.064	2.64	0.34	0.431	0.65	4.95	0.080	0.037	138
DP19816	3 1	0.78	23.78	0.64	1.85	7.90	25.2	0.069	2.59	0.30	0.422	0.73	4.95	0.079	0.028	
DP19817	3 1	0.83	23.83	0.68	1.90	7.94	25.4	0.064	2.62	0.32	0.437	0.68	5.07	0.078	0.027	
DP19818	3 1	0.93	23.93	0.68	1.88	7.91	25.2	0.059	2.54	0.40	0.431	0.64	5.17	0.075	0.027	
DP19819	3 1	0.99	23.99	0.75	1.86	7.94	25.3	0.061	2.55	0.33	0.433	0.63	5.10	0.077	0.019	124
DP19820	3 1	1.10	24.10	0.80	1.86	7.96	25.4	0.066	2.63	0.30	0.430	0.68	5.03	0.077	0.022	
DP19821	3 1	1.20	24.20	0.69	1.89	7.95	25.3	0.070	2.60	0.30	0.430	0.71	4.99	0.080	0.020	
DP19822	3 1	1.24	24.24	0.63	1.90	7.86	25.3	0.073	2.61	0.34	0.440	0.69	5.01	0.079	0.033	126
DP19823	3 2	0.91	25.41	0.55	1.94	7.80	25.3	0.069	2.78	0.33	0.435	0.62	4.99	0.077	0.038	108
DP19824	3 2	0.97	25.47	0.70	1.93	7.81	25.3	0.066	2.76	0.29	0.437	0.59	4.99	0.077	0.031	
DP19825	3 2	1.04	25.54	0.56	1.95	7.82	25.3	0.068	2.80	0.33	0.436	0.74	5.00	0.077	0.040	
DP19826	3 3	0.94	26.94	0.51	2.15	7.15	24.5	0.195	2.72	0.68	0.512	0.98	5.51	0.111	0.066	122
DP19827	3 3	1.04	27.04	0.52	2.13	7.20	24.6	0.188	2.72	0.65	0.515	0.97	5.53	0.116	0.057	
DP19828	3 3	1.14	27.14	0.60	2.14	7.26	24.8	0.197	2.72	0.63	0.516	0.99	5.57	0.113	0.047	
DP19829	3 3	1.19	27.19	0.51	2.11	7.20	24.6	0.190	2.72	0.66	0.514	0.98	5.53	0.114	0.060	120
DP19830	3 3	1.23	27.23	0.48	2.15	7.21	24.6	0.188	2.74	0.66	0.515	0.99	5.55	0.112	0.068	
DP19831	3 3	1.39	27.39	0.57	2.14	7.24	24.7	0.198	2.72	0.66	0.521	1.04	5.57	0.114	0.053	117
DP19832	3 4	0.04	27.54	0.58	2.09	7.22	24.7	0.229	2.71	0.73	0.523	1.00	5.55	0.115	0.050	
DP19833	3 4	0.12		0.60	1.93	7.85	25.2	0.063	2.94	0.33	0.433	0.49	4.98	0.072	0.038	
DP19834	3 4	0.14		0.61	1.92	7.86	25.2	0.065	2.94	0.36	0.434	0.50	4.97	0.074	0.053	96
DP18569	3 4	0.26		0.50	1.98	7.92	25.1	0.065	2.88	0.34	0.431	0.65	5.00	0.077	0.040	
DP19835	3 4	1.08		0.52	1.99	7.98	25.1	0.068	2.75	0.34	0.441	0.82	5.12	0.076	0.044	
DP19836	3 4	1.19		0.59	1.93	8.02	25.0	0.073	2.72	0.33	0.444	0.77	5.18	0.079	0.033	108
DP19837	3 5	0.05		0.68	2.00	7.95	24.9	0.085	2.67	0.38	0.448	0.91	5.30	0.078	0.031	
DP19838	3 5	0.11		0.54	2.02	7.84	24.8	0.086	2.65	0.44	0.446	0.88	5.29	0.079	0.053	113
DP19839	3 5	1.24		0.56	1.98	7.68	24.4	0.091	2.66	0.39	0.438	0.93	5.19	0.074	0.036	
DP19840	3 5	1.29		0.58	2.01	7.78	24.8	0.098	2.68	0.40	0.438	0.95	5.22	0.076	0.040	113
DP19841	3 6	0.04		0.40	1.84	7.42	26.0	0.053	2.52	0.44	0.404	0.64	4.72	0.097	0.047	
DP19842	3 6	0.22		0.76	2.01	7.82	24.4	0.120	2.72	0.46	0.463	1.12	5.36	0.072	0.033	
DP19843	3 6	0.29		0.58	1.97	7.75	24.3	0.129	2.72	0.52	0.461	1.13	5.32	0.071	0.050	105
DP19844	3 6	0.88		0.65	1.95	7.85	24.4	0.139	2.74	0.53	0.454	1.24	5.35	0.073	0.042	
DP19845	3 6	1.09	29.69	0.65	2.00	7.82	24.8	0.096	2.73	0.39	0.453	0.93	5.32	0.082	0.028	106
DP19846	3 6	1.19	29.79	0.62	2.00	7.79	24.6	0.105	2.71	0.41	0.449	0.99	5.26	0.077	0.033	
DP19847	3 6	1.29	29.89	0.60	2.00	7.83	24.8	0.109	2.73	0.42	0.453	0.96	5.32	0.082	0.033	
DP19848	3 6	1.34	29.94	0.59	2.00	7.79	24.6	0.111	2.79	0.45	0.453	1.03	5.30	0.077	0.045	110
DP19849	3 6	1.49	30.09	0.49	2.01	7.81	24.6	0.112	2.79	0.49	0.459	1.10	5.29	0.074	0.044	114

Table 3. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP10804	3 C		30.50	0.89	1.86	7.84	24.2	0.120	2.80	0.56	0.455	1.28	5.31	0.074	0.020	
DP19850	4 1	0.24	29.14	0.58	2.01	7.87	24.8	0.097	2.69	0.39	0.447	1.00	5.27	0.075	0.033	127
DP19851	4 1	0.45	29.35	0.67	1.92	7.84	24.0	0.132	2.70	0.49	0.445	1.27	5.26	0.072	0.039	
DP19852	4 1	0.49	29.39	0.67	1.91	7.89	24.1	0.132	2.71	0.48	0.440	1.24	5.23	0.072	0.042	124
DP19853	4 1	0.65	29.55	1.01	1.86	8.05	24.3	0.129	2.76	0.43	0.444	1.30	5.30	0.075	0.026	
DP19854	4 1	0.74	29.64	0.67	1.90	7.95	24.2	0.137	2.74	0.50	0.445	1.30	5.27	0.073	0.037	127
DP19855	4 1	0.78	29.68	0.71	1.88	7.94	24.0	0.133	2.72	0.49	0.447	1.33	5.29	0.072	0.046	
DP19856	4 1	0.99	29.89	0.80	1.89	7.98	24.1	0.136	2.73	0.50	0.447	1.41	5.36	0.071	0.041	121
DP19857	4 1	1.39	30.29	0.65	1.94	8.01	24.4	0.123	2.72	0.43	0.454	1.32	5.36	0.071	0.042	129
DP18570	4 2	0.19	30.59	0.69	2.02	7.88	23.9	0.127	2.79	0.61	0.462	1.39	5.41	0.073	0.085	
DP19858	4 2	1.06	31.46	0.74	1.97	8.01	23.8	0.168	2.58	0.53	0.444	1.59	5.40	0.071	0.038	
DP19859	4 2	1.14	31.54	0.80	1.96	8.02	23.9	0.170	2.58	0.49	0.438	1.53	5.41	0.071	0.037	
DP19860	4 2	1.22	31.62	0.74	1.96	7.93	23.7	0.166	2.58	0.52	0.441	1.53	5.38	0.071	0.045	128
DP19861	4 3	0.52	32.42	0.72	1.93	7.86	23.6	0.199	2.57	0.67	0.433	1.71	5.34	0.071	0.051	138
DP19862	4 3	0.76	32.66	0.69	1.97	7.79	23.5	0.197	2.57	0.67	0.434	1.67	5.33	0.073	0.048	
DP19863	4 3	0.81	32.71	0.87	1.93	7.87	23.8	0.195	2.59	0.64	0.435	1.70	5.38	0.073	0.041	
DP19864	4 3	0.93	32.83	1.15	1.91	7.80	23.8	0.217	2.56	0.63	0.447	1.63	5.45	0.071	0.034	
DP19865	4 3	0.97	32.87	0.84	1.98	7.71	23.8	0.205	2.61	0.71	0.450	1.58	5.41	0.071	0.064	132
DP19866	4 3	1.12	33.02	0.95	1.91	7.80	23.6	0.195	2.61	0.63	0.442	1.68	5.46	0.071	0.049	134
DP19867	4 4	0.11	33.51	0.81	1.92	7.62	22.9	0.205	2.52	0.68	0.443	1.85	5.48	0.073	0.051	
DP19868	4 4	0.26	33.66	0.73	1.96	7.74	23.3	0.223	2.54	0.70	0.446	1.84	5.60	0.070	0.066	143
DP19869	4 4	0.67	34.07	0.77	1.99	7.48	23.0	0.362	2.58	1.05	0.463	2.24	5.50	0.077	0.057	
DP19870	4 4	0.76	34.16	0.65	1.95	7.85	23.9	0.164	2.76	0.54	0.439	1.48	5.14	0.072	0.062	120
DP19871	4 4	0.87	34.27	0.70	1.97	7.92	24.0	0.168	2.76	0.52	0.433	1.47	5.13	0.073	0.045	
DP19872	4 4	0.99	34.39	0.93	1.88	7.79	23.4	0.235	2.59	0.67	0.447	1.96	5.30	0.073	0.048	
DP19873	4 4	1.06	34.46	0.73	1.92	7.77	23.3	0.238	2.61	0.73	0.441	2.03	5.23	0.074	0.061	95
DP19874	4 4	1.35	34.75	1.01	1.92	7.68	23.1	0.347	2.51	0.90	0.453	2.09	5.42	0.076	0.065	
DP19875	4 5	0.07	34.97	0.84	1.95	7.90	23.8	0.187	2.65	0.59	0.454	1.79	5.36	0.073	0.046	
DP19876	4 5	0.26	35.16	0.60	2.04	7.37	22.8	0.388	2.57	1.12	0.450	2.16	5.49	0.075	0.072	
DP19877	4 5	0.37	35.27	0.69	1.99	7.31	22.6	0.518	2.58	1.40	0.440	2.09	5.42	0.076	0.079	
DP19878	4 5	0.47	35.37	0.61	1.98	7.28	22.4	0.566	2.57	1.52	0.440	2.04	5.38	0.076	0.085	134
DP19880	4 5	0.69	35.59	0.44	2.04	7.60	22.6	0.510	2.66	1.36	0.380	2.03	5.15	0.073	0.076	122
DP18571	4 5	0.73	35.63	0.57	2.11	7.68	22.8	0.488	2.90	1.41	0.392	1.66	5.05	0.074	0.114	
DP19881	4 6	0.21	36.61	0.58	1.95	7.82	23.2	0.312	2.84	0.79	0.382	1.66	4.88	0.071	0.059	
DP19882	4 6	0.34	36.74	0.55	2.01	7.90	23.4	0.318	2.84	0.82	0.388	1.77	4.95	0.072	0.071	116
DP19883	4 6	0.63	37.03	0.43	2.03	7.82	23.4	0.339	2.88	0.90	0.413	1.70	5.04	0.074	0.064	
DP19884	4 6	0.77	37.17	0.46	2.08	7.86	23.5	0.318	2.91	0.85	0.439	1.64	5.13	0.071	0.068	111
DP19885	4 6	1.03	37.43	0.52	2.05	7.92	23.4	0.322	2.73	0.84	0.502	1.56	5.28	0.073	0.067	110
DP19886	4 6	1.16	37.56	0.47	2.09	7.95	23.4	0.270	2.82	0.73	0.483	1.56	5.34	0.071	0.055	
DP10805	4 C		37.75	1.21	2.02	8.13	23.9	0.298	2.87	0.69	0.451	1.69	5.21	0.074	0.000	
DP19887	5 1	0.09	39.19	0.65	2.02	8.03	23.7	0.326	3.03	0.81	0.380	1.59	5.07	0.074	0.063	
DP19888	5 1	0.24	39.34	0.37	2.04	7.81	23.4	0.310	2.87	0.83	0.407	1.71	4.98	0.072	0.068	128
DP19889	5 1	0.75	39.85	0.46	2.13	7.85	23.2	0.274	2.78	0.71	0.477	1.53	5.30	0.072	0.058	
DP19890	5 1	0.89	39.99	0.39	2.07	7.92	23.3	0.278	2.80	0.73	0.479	1.53	5.29	0.073	0.060	
DP19891	5 1	0.95	40.05	0.47	2.09	7.97	23.5	0.285	2.80	0.74	0.488	1.54	5.31	0.072	0.065	
DP19892	5 1	1.14	40.24	0.42	2.05	7.89	23.3	0.335	2.69	0.87	0.505	1.55	5.29	0.072	0.068	120
DP19893	5 1	1.39	40.49	0.43	2.03	7.93	23.4	0.346	2.65	0.89	0.519	1.58	5.36	0.072	0.068	120
DP19894	5 2	0.24	40.84	0.44	1.98	7.85	23.1	0.360	2.59	0.93	0.522	1.60	5.40	0.072	0.070	120
DP19895	5 2	0.43	41.03	0.48	1.96	7.80	23.0	0.355	2.57	0.89	0.534	1.57	5.42	0.070	0.066	
DP19896	5 2	0.50	41.10	0.62	1.98	7.99	23.5	0.360	2.65	0.90	0.544	1.58	5.50	0.070	0.083	
DP19897	5 2	0.64	41.24	0.55	1.95	7.88	23.2	0.354	2.59	0.91	0.542	1.57	5.48	0.072	0.068	122
DP19898	5 2	1.04	41.64	0.47	1.95	7.85	23.3	0.365	2.64	0.95	0.551	1.50	5.52	0.070	0.074	119
DP19899	5 2	1.30	41.90	0.62	1.93	7.89	23.3	0.335	2.64	0.87	0.541	1.48	5.52	0.071	0.061	
DP19900	5 2	1.49	42.09	0.48	1.94	7.83	23.2	0.356	2.64	0.92	0.543	1.48	5.48	0.071	0.067	120
DP19901	5 3	0.88	42.98	0.45	2.08	7.63	23.7	0.257	3.19	0.71	0.588	1.19	5.71	0.076	0.051	
DP19902	5 5	0.03	45.13	0.58	2.09	7.79	24.0	0.226	3.31	0.60	0.657	0.92	6.00	0.074	0.041	
DP19903	5 5	0.09	45.19	0.51	2.08	7.64	23.7	0.241	3.26	0.66	0.661	0.94	5.95	0.074	0.047	94
DP18572	5 5	0.12	45.22	0.58	2.13	7.66	23.7	0.232	3.33	0.70	0.672	0.94	6.01	0.076	0.079	
DP19904	5 5	0.28	45.38	0.47	2.15	7.71	23.9	0.243	3.18	0.66	0.652	0.99	6.02	0.075	0.049	
DP19905	5 5	0.34	45.44	0.46	2.20	7.80	23.9	0.241	3.11	0.63	0.637	1.06	6.02	0.075	0.046	
DP19906	5 5	0.39	45.49	0.44	2.21	7.73	23.7	0.225	3.07	0.61	0.615	1.06	5.99	0.073	0.051	97
DP19907	5 5	1.39	46.49	0.43	2.24	7.69	23.4	0.292	2.99	0.75	0.571	1.11	6.02	0.074	0.056	99
DP19908	5 6	0.10	46.70	0.58	2.20	7.79	23.4	0.315	2.88	0.76	0.612	1.12	6.32	0.073	0.053	

Table 3. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19909	5	6	0.24	46.84	0.52	2.09	7.69	23.1	0.303	2.91	0.76	0.681	1.03	6.86	0.071	0.056	101
DP19910	5	6	0.89	47.49	0.37	2.20	7.34	23.0	0.555	3.07	1.37	0.575	1.33	5.86	0.078	0.081	88
DP19911	5	6	1.08	47.68	0.37	2.18	7.16	22.9	0.557	3.09	1.44	0.578	1.46	5.90	0.078	0.074	
DP19912	5	6	1.29	47.89	0.37	2.14	7.13	22.8	0.639	3.12	1.63	0.530	1.44	5.72	0.080	0.079	114
DP19913	5	6	1.39	47.99	0.54	2.13	7.14	22.7	0.641	3.07	1.57	0.585	1.33	6.01	0.075	0.086	
DP19914	5	6	1.49	48.09	0.44	2.12	7.18	22.7	0.711	3.08	1.70	0.590	1.29	6.01	0.076	0.092	111
DP19915	5	7	0.15	48.25	0.53	2.11	7.15	22.5	0.741	3.04	1.79	0.582	1.29	5.95	0.077	0.091	
DP19916	5	7	0.24	48.34	0.46	2.06	7.19	22.6	0.759	3.06	1.81	0.584	1.27	5.99	0.076	0.095	114
DP19917	5	7	0.28	48.38	0.42	2.08	7.19	22.6	0.756	3.05	1.82	0.564	1.29	5.96	0.075	0.095	
DP19918	5	7	0.49	48.59	0.47	2.07	7.24	22.7	0.696	3.06	1.70	0.555	1.29	5.95	0.076	0.092	109
DP10806	5	C	48.70	0.36	2.05	7.21	22.6	0.591	3.05	1.69	0.552	1.26	5.88	0.076	0.094		
DP19919	6	1	0.24	48.49	0.44	2.02	7.18	22.5	0.811	3.09	1.93	0.457	1.23	5.45	0.073	0.098	131
DP19920	6	1	0.68	48.93	0.66	2.09	7.18	22.7	0.781	3.11	1.94	0.479	1.31	5.68	0.074	0.088	
DP19921	6	1	0.72	48.97	0.50	2.05	7.06	22.3	0.871	3.08	2.05	0.495	1.26	5.71	0.072	0.109	
DP19922	6	1	0.89	49.14	0.37	2.08	7.08	22.5	0.890	3.13	2.13	0.469	1.34	5.57	0.074	0.106	122
DP19923	6	1	1.00	49.25	0.47	2.07	7.07	22.5	0.913	3.20	2.19	0.447	1.35	5.38	0.072	0.103	
DP19924	6	2	0.24	49.99	0.36	2.06	6.77	22.3	0.758	3.47	1.91	0.463	1.35	5.69	0.072	0.099	120
DP19925	6	2	0.28	50.03	0.36	2.10	6.84	22.6	0.732	3.50	1.88	0.470	1.36	5.74	0.071	0.094	
DP19926	6	2	0.35	50.10	0.59	2.08	7.11	22.4	0.886	3.32	2.10	0.378	1.54	4.93	0.072	0.102	
DP19927	6	2	0.49	50.24	0.36	2.10	7.25	22.9	0.700	3.32	1.77	0.391	1.38	4.97	0.075	0.089	108
DP19928	6	2	1.20	50.95	0.55	2.05	7.28	22.8	0.841	3.38	2.12	0.383	1.33	5.08	0.075	0.094	
DP19929	6	2	1.39	51.14	0.42	2.09	7.17	22.6	0.870	3.28	2.18	0.390	1.35	5.17	0.076	0.104	104
DP18573	6	2	1.42	51.17	0.45	2.17	7.24	22.9	0.753	3.34	2.18	0.392	1.32	5.19	0.077	0.122	
DP19930	6	3	0.18	51.43	0.40	2.08	7.13	22.5	0.825	3.23	2.07	0.396	1.32	5.27	0.074	0.100	
DP19931	6	3	0.24	51.49	0.44	2.10	7.19	22.7	0.804	3.25	2.04	0.396	1.32	5.30	0.079	0.095	
DP19932	6	3	0.37	51.62	0.44	2.11	7.13	22.6	0.766	3.19	1.93	0.414	1.30	5.44	0.078	0.088	104
DP19933	6	3	0.56	51.81	0.45	2.14	7.19	22.9	0.723	3.22	1.87	0.425	1.33	5.48	0.078	0.095	
DP19934	6	3	0.64	51.89	0.44	2.14	7.20	22.9	0.726	3.23	1.84	0.428	1.32	5.51	0.079	0.089	102
DP19935	6	3	1.00	52.25	0.41	2.12	7.12	22.6	0.840	3.26	2.15	0.387	1.30	5.18	0.076	0.106	
DP19936	6	3	1.16	52.41	0.37	2.15	7.23	22.9	0.782	3.32	1.97	0.390	1.31	5.18	0.075	0.097	106
DP19937	6	3	1.29	52.54	0.46	2.12	7.17	22.6	0.769	3.26	1.91	0.384	1.33	5.28	0.076	0.094	
DP19938	6	3	1.39	52.64	0.37	2.11	7.15	22.6	0.728	3.27	1.88	0.384	1.32	5.27	0.075	0.092	101
DP19939	6	4	0.04	52.79	0.47	2.15	7.24	22.8	0.714	3.25	1.76	0.398	1.29	5.34	0.075	0.085	
DP19940	6	4	0.13	52.88	0.39	2.19	7.38	23.2	0.647	3.28	1.65	0.402	1.32	5.40	0.077	0.086	103
DP19941	6	4	1.04	53.79	0.35	2.14	7.44	23.6	0.377	3.45	0.99	0.398	1.40	5.26	0.075	0.068	
DP19942	6	4	1.09	53.84	0.44	2.12	7.38	23.4	0.355	3.43	1.00	0.391	1.41	5.21	0.076	0.065	
DP19943	6	4	1.29	54.04	0.42	2.11	7.37	23.4	0.385	3.45	1.03	0.389	1.44	5.20	0.077	0.064	101
DP19944	6	5	0.03	54.28	0.40	2.12	7.42	23.4	0.344	3.45	0.96	0.393	1.32	5.32	0.076	0.068	
DP19945	6	5	0.14	54.39	0.43	2.14	7.34	23.2	0.437	3.47	1.15	0.386	1.36	5.22	0.075	0.080	102
DP18574	6	5	1.06	55.31	0.49	2.27	6.82	22.7	0.505	3.56	1.50	0.419	2.06	5.83	0.087	0.101	
DP19946	6	5	1.13	55.38	0.36	1.85	5.49	18.2	0.378	2.85	8.76	0.351	1.71	5.36	0.079	0.061	
DP19947	6	5	1.17	55.42	0.29	0.82	2.07	6.4	0.109	1.01	29.18	0.158	0.72	2.28	0.063	0.032	
DP19948	6	5	1.29	55.54	0.37	2.24	6.78	22.7	0.643	3.39	1.85	0.418	1.50	5.61	0.068	0.077	95
DP19949	6	6	0.10	55.85	0.25	0.43	0.76	2.5	0.035	0.33	34.99	0.067	0.30	1.10	0.055	0.018	
DP19950	6	6	0.19	55.94	0.25	0.43	0.76	2.5	0.038	0.33	35.33	0.066	0.30	1.11	0.057	0.016	45
DP19951	6	6	1.38	57.13	0.24	0.83	1.69	5.8	0.098	0.75	30.12	0.127	0.51	2.41	0.069	0.024	
DP19952	6	6	1.40	57.15	0.31	0.80	1.67	5.7	0.094	0.74	30.55	0.126	0.50	2.35	0.068	0.021	
DP19953	6	6	1.49	57.24	0.26	1.31	3.43	11.5	0.159	1.71	19.61	0.242	1.03	4.21	0.075	0.034	79
DP19954	6	7	0.24	57.49	0.31	2.29	6.74	23.1	0.381	3.23	1.01	0.365	1.55	6.79	0.085	0.061	110
DP19955	6	7	0.28	57.53	0.32	2.30	6.98	23.8	0.313	3.38	0.83	0.392	1.33	6.02	0.081	0.055	
DP19956	6	7	0.42	57.67	0.21	0.48	0.84	2.8	0.039	0.37	34.44	0.072	0.34	1.58	0.059	0.019	
DP19957	6	7	0.51	57.76	0.33	2.33	6.71	22.8	0.288	3.19	0.82	0.351	1.67	7.50	0.085	0.055	117
DP19958	7	1	0.24	58.19	0.21	0.95	2.19	7.1	0.096	1.01	26.60	0.162	0.76	3.46	0.070	0.034	87
DP19959	7	1	0.49	58.44	0.20	0.96	2.28	7.7	0.125	1.15	24.88	0.190	0.75	3.38	0.071	0.030	81
DP18575	7	1	0.90	58.85	0.00	0.43	0.59	2.1	0.034	0.25	36.48	0.058	0.20	0.79	0.055	0.033	
DP19960	7	1	1.13	59.08	0.20	0.40	0.56	2.0	0.030	0.25	35.84	0.057	0.20	0.76	0.059	0.016	
DP19961	7	1	1.33	59.28	0.19	0.39	0.54	2.0	0.030	0.24	35.90	0.056	0.19	0.75	0.057	0.017	
DP19962	7	1	1.39	59.34	0.21	0.39	0.54	2.0	0.031	0.24	36.11	0.056	0.20	0.75	0.059	0.014	50
DP19963	7	2	0.04	59.49	0.29	0.40	0.57	2.1	0.031	0.25	36.07	0.056	0.20	0.77	0.056	0.016	
DP19964	7	2	0.24	59.69	0.16	0.38	0.51	1.9	0.029	0.23	36.18	0.054	0.19	0.73	0.057	0.016	53
DP19965	7	2	1.35	60.80	0.27	0.38	0.53	2.0	0.029	0.23	35.94	0.054	0.19	0.73	0.057	0.015	
DP19966	7	2	1.49	60.94	0.17	0.38	0.52	1.9	0.029	0.23	36.04	0.055	0.19	0.74	0.057	0.017	47
DP19967	7	3	0.10	61.05	0.25	0.40	0.57	2.1	0.030	0.25	35.66	0.057	0.18	0.76	0.058	0.015	

Table 3. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19968	7	3	0.19	61.14	0.19	0.39	0.56	2.1	0.030	0.25	35.57	0.057	0.18	0.75	0.057	0.017	49
DP19969	7	3	0.38	61.33	0.19	0.39	0.54	2.0	0.029	0.24	35.74	0.056	0.18	0.76	0.059	0.016	
DP19970	7	3	0.45	61.40	0.22	0.40	0.56	2.1	0.029	0.25	35.80	0.056	0.19	0.76	0.059	0.016	
DP19971	7	3	0.59	61.54	0.20	0.39	0.54	2.0	0.030	0.24	35.93	0.055	0.16	0.72	0.057	0.017	48
DP18576	7	3	1.32	62.27	0.25	0.54	0.87	3.7	0.144	0.42	33.49	0.096	0.10	1.11	0.071	0.033	
DP19972	7	4	0.43	62.88	0.21	0.63	1.23	4.2	0.066	0.60	31.76	0.114	0.48	1.71	0.061	0.023	
DP19973	7	4	0.45	62.90	0.27	0.50	0.86	2.9	0.033	0.39	34.28	0.072	0.31	1.04	0.056	0.019	
DP19974	7	4	0.54	62.99	0.21	0.42	0.64	2.2	0.027	0.29	35.50	0.056	0.23	0.75	0.056	0.016	50
DP19975	7	4	1.06	63.51	0.23	0.45	0.71	2.4	0.028	0.31	35.41	0.061	0.25	0.80	0.057	0.016	50
DP19976	7	5	0.44	64.39	0.59	2.43	6.53	24.0	0.389	3.36	1.10	0.353	1.52	5.31	0.098	0.046	
DP19977	7	5	0.64	64.59	0.21	0.35	0.47	1.7	0.024	0.21	36.13	0.048	0.17	0.53	0.055	0.016	49
DP18577	7	5	1.13	65.08	0.02	0.44	0.66	2.5	0.046	0.31	36.68	0.066	0.18	0.78	0.066	0.034	
DP19978	7	5	1.27	65.22	0.27	0.37	0.55	2.0	0.025	0.25	36.17	0.051	0.21	0.63	0.054	0.015	
DP19979	7	5	1.39	65.34	0.24	0.37	0.54	1.9	0.026	0.24	35.96	0.051	0.21	0.63	0.055	0.015	46
DP19980	7	6	0.18	65.63	0.15	0.40	0.58	2.1	0.027	0.27	35.97	0.055	0.22	0.67	0.071	0.023	
DP19981	7	6	0.21	65.66	0.30	0.38	0.57	2.0	0.028	0.25	35.75	0.053	0.21	0.65	0.074	0.018	
DP19982	7	6	0.29	65.74	0.26	0.40	0.64	2.3	0.027	0.29	35.30	0.059	0.23	0.72	0.072	0.018	47
DP19983	7	6	1.14	66.59	0.25	0.30	0.35	1.4	0.025	0.16	36.65	0.043	0.14	0.44	0.055	0.015	48
DP19984	7	6	1.18	66.63	0.21	0.32	0.40	1.5	0.025	0.18	36.50	0.046	0.15	0.49	0.056	0.018	
DP19985	7	6	1.39	66.84	0.21	0.32	0.40	1.5	0.025	0.18	36.69	0.046	0.15	0.49	0.056	0.017	44
DP19986	7	7	0.05	67.00	0.27	0.32	0.39	1.5	0.025	0.18	36.65	0.045	0.14	0.48	0.055	0.018	
DP19987	7	7	0.19	67.14	0.19	0.34	0.43	1.6	0.028	0.20	36.50	0.049	0.15	0.53	0.066	0.018	45
DP19988	7	7	0.55	67.50	0.57	2.60	6.44	24.3	0.291	3.15	0.83	0.364	1.21	5.40	0.086	0.045	
DP19989	7	7	0.69	67.64	0.27	1.00	2.12	7.8	0.102	1.08	25.76	0.177	0.66	2.73	0.068	0.031	48

Note: Depth in hole omitted for disturbed samples.

Table 4. Elemental abundance (wt. %) and water content (% dry wt.) of Hole 576B samples.

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Elemental abundance (wt. %)												H <sub>2</sub> O
					Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	
DP19212	1	1	0.06	0.06	0.37	1.75	7.20	26.8	0.049	2.51	0.40	0.407	0.24	4.66	0.095	0.031	169
DP19213	1	1	0.16	0.16	0.28	1.74	7.15	26.8	0.049	2.51	0.40	0.400	0.28	4.57	0.093	0.040	179
DP19214	1	1	0.26	0.26	0.28	1.76	7.18	27.2	0.048	2.51	0.43	0.405	0.33	4.65	0.099	0.047	177
DP19215	1	1	0.36	0.36	0.24	1.70	7.02	27.3	0.048	2.42	0.46	0.393	0.31	4.62	0.105	0.040	184
DP19216	1	1	0.46	0.46	0.42	1.77	7.29	26.5	0.053	2.40	0.66	0.410	0.45	4.87	0.094	0.039	149
DP19217	1	1	0.56	0.56	0.50	1.84	7.53	26.7	0.054	2.46	0.77	0.434	0.50	5.08	0.097	0.050	134
DP19218	1	1	0.66	0.66	0.48	1.87	7.57	26.4	0.054	2.61	0.47	0.425	0.65	4.85	0.098	0.042	132
DP19219	1	1	0.76	0.76	0.46	1.88	7.66	26.7	0.053	2.68	0.43	0.438	0.24	4.93	0.093	0.038	130
DP19220	1	1	0.86	0.86	0.43	1.90	7.64	26.4	0.051	2.67	0.41	0.425	0.28	4.87	0.089	0.037	137
DP19221	1	1	0.96	0.96	0.46	1.85	7.61	26.4	0.052	2.62	0.46	0.426	0.36	4.87	0.087	0.033	137
DP19222	1	1	1.06	1.06	0.43	1.85	7.62	26.3	0.055	2.56	0.48	0.421	0.47	4.87	0.098	0.032	150
DP19223	1	1	1.16	1.16	0.43	1.84	7.54	26.4	0.053	2.57	0.48	0.425	0.52	4.84	0.100	0.041	145
DP19224	1	1	1.26	1.26	0.39	1.82	7.46	26.2	0.054	2.54	0.44	0.407	0.58	4.75	0.106	0.043	146
DP19225	1	1	1.36	1.36	0.42	1.87	7.52	26.5	0.055	2.55	0.44	0.419	0.83	4.75	0.103	0.040	146
DP19226	1	1	1.46	1.46	0.44	1.84	7.41	26.4	0.055	2.55	0.47	0.413	0.49	4.74	0.096	0.048	136
DP19227	1	2	0.06	1.56	0.40	1.88	7.40	26.5	0.053	2.60	0.43	0.422	0.37	4.78	0.097	0.043	138
DP19228	1	2	0.16	1.66	0.38	1.85	7.34	26.9	0.052	2.56	0.45	0.414	0.27	4.77	0.095	0.035	155
DP19229	1	2	0.26	1.76	0.16	1.69	6.71	27.7	0.050	2.38	0.30	0.383	0.27	4.41	0.104	0.031	200
DP19230	1	2	0.36	1.86	0.16	1.67	6.70	27.8	0.050	2.35	0.25	0.374	0.51	4.31	0.105	0.012	219
DP19231	1	2	0.46	1.96	0.28	1.71	6.82	27.6	0.050	2.36	0.23	0.374	0.61	4.30	0.103	0.000	226
DP19232	1	2	0.56	2.06	0.27	1.70	6.74	27.3	0.050	2.37	0.25	0.371	0.47	4.27	0.099	0.010	217
DP19233	1	2	0.66	2.16	0.11	1.79	6.98	27.7	0.049	2.50	0.30	0.393	0.33	4.46	0.099	0.037	228
DP19234	1	2	0.76	2.26	0.13	1.75	6.82	27.5	0.049	2.45	0.36	0.386	0.28	4.47	0.093	0.035	214
DP19237	1	2	0.86	2.36	0.40	1.77	7.15	26.9	0.050	2.49	0.37	0.397	0.14	4.66	0.096	0.007	195
DP19238	1	2	0.96	2.46	0.18	1.76	6.86	27.3	0.047	2.37	0.43	0.385	0.14	4.56	0.097	0.021	225
DP19235	1	2	1.06	2.56	0.17	1.76	7.01	27.5	0.049	2.53	0.26	0.389	0.12	4.53	0.097	0.019	210
DP19236	1	2	1.16	2.66	0.29	1.77	7.05	26.9	0.048	2.53	0.33	0.391	0.13	4.52	0.100	0.030	201
DP19239	1	2	1.26	2.76	0.29	1.76	7.25	27.0	0.050	2.52	0.37	0.407	0.12	4.64	0.093	0.022	188
DP19240	1	2	1.36	2.86	0.32	1.75	7.23	26.8	0.050	2.51	0.34	0.396	0.18	4.59	0.102	0.025	181
DP19241	1	2	1.46	2.96	0.10	1.66	6.89	27.3	0.049	2.34	0.22	0.367	0.17	4.33	0.107	0.006	252
DP19242	1	3	0.06	3.06	0.00	1.62	6.69	27.3	0.051	2.28	0.22	0.358	0.20	4.19	0.101	0.019	274
DP19243	1	3	0.16	3.16	0.29	1.74	7.23	26.5	0.053	2.48	0.38	0.396	0.26	4.60	0.089	0.033	189
DP19244	1	3	0.26	3.26	0.30	1.75	7.26	26.6	0.053	2.50	0.35	0.401	0.23	4.61	0.093	0.020	185
DP19245	1	3	0.36	3.36	0.36	1.76	7.31	26.5	0.054	2.53	0.41	0.405	0.34	4.64	0.089	0.037	166
DP19246	1	3	0.47	3.47	0.35	1.78	7.32	26.7	0.055	2.55	0.43	0.406	0.42	4.66	0.091	0.044	165
DP19247	1	3	0.56	3.56	0.39	1.76	7.26	26.4	0.054	2.54	0.44	0.403	0.34	4.66	0.093	0.051	153
DP19248	1	3	0.66	3.66	0.43	1.78	7.31	26.2	0.054	2.56	0.42	0.402	0.45	4.65	0.091	0.042	150
DP19249	1	3	0.76	3.76	0.43	1.77	7.31	26.3	0.054	2.57	0.42	0.408	0.37	4.70	0.090	0.033	144
DP19250	1	3	0.86	3.86	0.38	1.81	7.33	25.9	0.053	2.58	0.40	0.404	0.33	4.72	0.084	0.030	152
DP19251	1	3	0.96	3.96	0.40	1.79	7.44	26.2	0.055	2.56	0.43	0.409	0.34	4.70	0.092	0.024	157
DP19252	1	3	1.06	4.06	0.37	1.79	7.39	26.1	0.057	2.56	0.46	0.404	0.43	4.60	0.087	0.040	160
DP19253	1	3	1.16	4.16	0.34	1.78	7.42	26.1	0.056	2.53	0.44	0.403	0.38	4.62	0.088	0.031	152
DP19254	1	3	1.26	4.26	0.42	1.74	7.28	26.1	0.057	2.56	0.50	0.395	0.48	4.46	0.092	0.040	141
DP19255	1	3	1.36	4.36	0.39	1.74	7.33	26.5	0.054	2.60	0.51	0.394	0.27	4.50	0.095	0.046	144
DP19256	1	3	1.46	4.46	0.38	1.81	7.52	26.3	0.058	2.55	0.47	0.409	0.47	4.68	0.091	0.032	151
DP19257	1	4	0.06	4.56	0.37	1.78	7.42	26.1	0.058	2.55	0.50	0.400	0.48	4.61	0.094	0.045	144
DP19258	1	4	0.16	4.66	0.44	1.76	7.35	26.7	0.057	2.60	0.52	0.395	0.38	4.47	0.094	0.043	140
DP19259	1	4	0.26	4.76	0.35	1.88	7.41	25.8	0.054	2.58	0.44	0.412	0.30	4.75	0.098	0.055	148
DP19260	1	4	0.36	4.86	0.33	1.84	7.36	26.0	0.053	2.57	0.43	0.402	0.31	4.66	0.093	0.044	
DP19261	1	4	0.46	4.96	0.37	1.89	7.52	26.3	0.054	2.62	0.43	0.422	0.36	4.81	0.099	0.050	144
DP19262	1	4	0.56	5.06	0.33	1.91	7.52	26.3	0.053	2.65	0.42	0.422	0.29	4.81	0.099	0.055	145
DP19263	1	4	0.66	5.16	0.33	1.91	7.48	26.0	0.052	2.63	0.39	0.420	0.23	4.84	0.092	0.040	152
DP19264	1	4	0.76	5.26	0.31	1.92	7.50	26.0	0.054	2.65	0.43	0.414	0.26	4.79	0.087	0.059	151
DP19265	1	4	0.86	5.36	0.35	1.89	7.48	26.1	0.056	2.62	0.43	0.413	0.28	4.80	0.089	0.050	143
DP19266	1	4	0.96	5.46	0.35	1.92	7.56	26.2	0.053	2.64	0.41	0.421	0.24	4.83	0.090	0.042	153
DP19267	1	4	1.06	5.56	0.35	1.92	7.55	26.0	0.052	2.65	0.41	0.414	0.24	4.82	0.093	0.042	144
DP19268	1	4	1.16	5.66	0.37	1.97	7.69	26.4	0.052	2.70	0.42	0.438	0.24	4.93	0.097	0.047	142
DP19269	1	4	0.26	5.76	0.37	1.94	7.62	26.1	0.051	2.68	0.43	0.429	0.23	4.87	0.091	0.047	139
DP19270	1	4	1.36	5.86	0.42	1.93	7.61	26.0	0.051	2.68	0.45	0.428	0.26	4.83	0.093	0.058	138
DP19271	1	4	1.46	5.96	0.38	1.93	7.63	26.1	0.052	2.66	0.46	0.429	0.28	4.84	0.092	0.055	136
DP19278	1	5	0.06	6.06	0.38	1.92	7.73	26.3	0.054	2.65	0.46	0.433	0.34	4.90	0.091	0.050	139
DP19279	1	5	0.16	6.16	0.39	1.88	7.59	26.0	0.055	2.60	0.47	0.422	0.35	4.79	0.092	0.051	143
DP19280	1	5	0.26	6.26	0.36	1.90	7.67	26.2	0.054	2.63	0.44	0.422	0.32	4.82	0.093	0.047	147

Table 4. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O	
DP19281	1	5	0.36	6.36	0.32	1.88	7.62	26.4	0.055	2.61	0.47	0.419	0.35	4.76	0.091	0.048	154
DP19282	1	5	0.46	6.46	0.41	1.84	7.53	26.2	0.056	2.59	0.49	0.414	0.35	4.74	0.093	0.051	138
DP19283	1	5	0.56	6.56	0.46	1.86	7.56	26.5	0.056	2.62	0.51	0.419	0.34	4.75	0.094	0.060	133
DP19284	1	5	0.66	6.66	0.39	1.90	7.60	26.4	0.054	2.66	0.45	0.428	0.30	4.80	0.097	0.054	139
DP19285	1	5	0.76	6.76	0.41	1.91	7.58	26.4	0.054	2.65	0.46	0.427	0.31	4.79	0.096	0.054	137
DP19286	1	5	0.86	6.86	0.38	1.95	7.50	26.3	0.054	2.60	0.45	0.414	0.38	4.77	0.095	0.046	152
DP19287	1	5	0.96	6.96	0.38	1.89	7.43	26.6	0.048	2.58	0.45	0.407	0.36	4.58	0.083	0.032	147
DP19288	1	5	1.06	7.06	0.52	1.71	7.04	26.9	0.047	2.45	0.61	0.375	0.31	4.10	0.086	0.043	125
DP19289	1	5	1.16	7.16	0.47	1.74	7.16	26.7	0.045	2.65	0.48	0.371	0.27	4.12	0.085	0.045	119
DP19290	1	5	1.26	7.26	0.35	1.94	7.51	26.0	0.047	2.62	0.40	0.415	0.41	4.70	0.089	0.048	148
DP19291	1	5	1.36	7.36	0.40	1.99	7.51	25.9	0.049	2.63	0.41	0.415	0.54	4.77	0.089	0.056	141
DP19292	1	5	1.46	7.46	0.30	1.96	7.46	25.8	0.047	2.56	0.35	0.399	0.36	4.67	0.083	0.035	174
DP19272	1	6	0.06	7.56	0.49	1.97	7.43	25.7	0.047	2.66	0.43	0.408	0.42	4.73	0.093	0.069	132
DP19273	1	6	0.16	7.66	0.32	2.04	7.67	26.7	0.047	2.71	0.41	0.438	0.32	4.84	0.089	0.062	160
DP19274	1	6	0.26	7.76	0.31	1.99	7.64	26.6	0.049	2.62	0.32	0.426	0.32	4.80	0.095	0.029	177
DP19275	1	6	0.36	7.86	0.27	1.97	7.56	26.6	0.049	2.58	0.32	0.413	0.36	4.70	0.093	0.030	186
DP19276	1	6	0.46	7.96	0.36	1.98	7.52	26.2	0.047	2.63	0.37	0.418	0.43	4.74	0.093	0.053	155
DP19277	1	6	0.54	8.04	0.38	2.02	7.57	26.2	0.047	2.69	0.38	0.421	0.34	4.80	0.093	0.054	144
DP19293	2	1	0.11	12.11	0.31	1.99	7.55	26.5	0.054	2.58	0.34	0.407	0.42	4.66	0.089	0.025	177
DP19294	2	1	0.19	12.19	0.31	1.99	7.56	26.3	0.052	2.62	0.38	0.417	0.39	4.73	0.089	0.040	171
DP19295	2	1	0.27	12.27	0.28	2.00	7.55	26.3	0.054	2.55	0.39	0.412	0.44	4.70	0.093	0.036	180
DP19296	2	1	0.36	12.36	0.23	1.98	7.43	26.1	0.054	2.51	0.36	0.402	0.44	4.63	0.097	0.041	200
DP19297	2	1	0.46	12.46	0.29	1.94	7.40	26.2	0.056	2.47	0.33	0.400	0.63	4.58	0.091	0.023	193
DP19298	2	1	0.56	12.56	0.30	1.93	7.33	26.2	0.054	2.49	0.39	0.396	0.49	4.58	0.093	0.045	180
DP19299	2	1	0.66	12.66	0.28	1.98	7.56	26.3	0.051	2.57	0.31	0.414	0.48	4.71	0.093	0.025	181
DP19300	2	1	0.76	12.76	0.26	2.03	7.60	26.4	0.054	2.58	0.33	0.416	0.50	4.73	0.097	0.037	182
DP19301	2	1	0.86	12.86	0.19	2.01	7.54	26.1	0.054	2.53	0.31	0.405	0.47	4.66	0.094	0.035	198
DP19302	2	1	0.96	12.96	0.23	2.03	7.53	26.3	0.055	2.55	0.36	0.407	0.43	4.66	0.088	0.047	194
DP19303	2	1	1.06	13.06	0.26	1.99	7.36	26.0	0.054	2.50	0.38	0.397	0.51	4.56	0.086	0.054	182
DP19304	2	1	1.16	13.16	0.30	1.96	7.32	26.0	0.055	2.50	0.39	0.393	0.49	4.55	0.091	0.052	181
DP19305	2	1	1.26	13.26	0.27	1.94	7.27	25.9	0.053	2.47	0.37	0.389	0.51	4.49	0.092	0.047	183
DP19306	2	1	1.36	13.36	0.26	1.97	7.31	26.3	0.054	2.49	0.37	0.389	0.49	4.48	0.090	0.047	195
DP19307	2	1	1.46	13.46	0.08	1.97	7.38	26.2	0.051	2.57	0.31	0.402	0.41	4.56	0.093	0.050	196
DP19308	2	2	0.06	13.56	0.10	2.01	7.51	26.4	0.051	2.60	0.31	0.411	0.43	4.64	0.096	0.045	193
DP19309	2	2	0.16	13.66	0.08	1.95	7.30	26.0	0.051	2.47	0.31	0.394	0.47	4.51	0.097	0.040	207
DP19310	2	2	0.26	13.76	0.12	1.91	7.19	25.9	0.052	2.42	0.35	0.382	0.42	4.45	0.097	0.042	213
DP19311	2	2	0.36	13.86	0.14	1.95	7.31	26.4	0.052	2.46	0.41	0.400	0.39	4.59	0.091	0.047	190
DP19312	2	2	0.46	13.96	0.28	1.97	7.31	26.1	0.049	2.52	0.47	0.406	0.36	4.69	0.088	0.061	160
DP19313	2	2	0.56	14.06	0.34	1.99	7.37	26.3	0.049	2.59	0.45	0.416	0.36	4.72	0.091	0.069	150
DP19314	2	2	0.66	14.16	0.28	1.99	7.28	25.7	0.046	2.56	0.43	0.404	0.35	4.64	0.093	0.080	164
DP19315	2	2	0.76	14.26	0.26	2.03	7.55	26.3	0.047	2.64	0.39	0.424	0.37	4.73	0.094	0.067	158
DP19316	2	2	0.86	14.36	0.18	2.01	7.55	26.0	0.051	2.59	0.34	0.410	0.38	4.64	0.103	0.052	185
DP19317	2	2	0.96	14.46	0.12	2.01	7.55	26.1	0.052	2.60	0.33	0.412	0.40	4.63	0.099	0.049	188
DP19318	2	2	1.06	14.56	0.20	1.96	7.34	26.0	0.053	2.58	0.38	0.390	0.42	4.41	0.096	0.057	174
DP19319	2	2	1.16	14.66	0.20	2.03	7.48	26.2	0.053	2.62	0.39	0.410	0.31	4.63	0.103	0.068	174
DP19320	2	2	1.26	14.76	0.22	2.01	7.46	25.8	0.053	2.60	0.39	0.402	0.35	4.60	0.100	0.064	166
DP19321	2	2	1.36	14.86	0.18	2.01	7.44	26.1	0.056	2.59	0.40	0.402	0.36	4.55	0.098	0.063	172
DP19322	2	2	1.46	14.96	0.12	2.02	7.38	26.1	0.055	2.52	0.37	0.391	0.45	4.47	0.096	0.057	194
DP19323	2	3	0.06	15.06	0.16	2.08	7.51	26.1	0.056	2.56	0.39	0.404	0.45	4.63	0.097	0.066	179
DP19324	2	3	0.15	15.15	0.18	2.07	7.62	26.2	0.055	2.58	0.34	0.415	0.39	4.71	0.097	0.044	178
DP19325	2	3	0.26	15.26	0.20	2.02	7.46	26.2	0.056	2.53	0.39	0.402	0.44	4.66	0.101	0.056	179
DP19326	2	3	0.36	15.36	0.13	2.02	7.55	26.3	0.054	2.52	0.37	0.414	0.46	4.69	0.099	0.054	173
DP19327	2	3	0.46	15.46	0.16	2.01	7.51	26.4	0.055	2.48	0.35	0.404	0.45	4.61	0.092	0.041	192
DP19328	2	3	0.56	15.56	0.20	2.06	7.58	26.1	0.055	2.56	0.37	0.414	0.51	4.68	0.095	0.050	194
DP19329	2	3	0.66	15.66	0.12	2.05	7.55	26.5	0.056	2.51	0.38	0.414	0.50	4.64	0.098	0.053	184
DP19330	2	3	0.76	15.76	0.19	2.01	7.58	26.2	0.053	2.51	0.35	0.415	0.42	4.68	0.095	0.039	178
DP19331	2	3	0.86	15.86	0.15	2.01	7.59	26.4	0.057	2.47	0.35	0.417	0.50	4.66	0.094	0.030	193
DP19332	2	3	1.01	0.21	2.02	7.56	26.4	0.055	2.47	0.35	0.411	0.47	4.67	0.096	0.031		
DP19333	2	4	0.16	0.24	2.05	7.60	26.3	0.053	2.55	0.35	0.419	0.42	4.71	0.094	0.040		
DP19334	2	4	0.46	16.96	0.28	2.04	7.67	26.2	0.052	2.63	0.39	0.436	0.35	4.83	0.096	0.052	162
DP19335	2	4	0.56	17.06	0.24	2.03	7.63	26.1	0.052	2.56	0.36	0.424	0.40	4.79	0.093	0.031	166
DP19336	2	4	0.66	17.16	0.28	2.06	7.66	26.0	0.048	2.62	0.37	0.429	0.36	4.89	0.098	0.055	154
DP19337	2	4	0.76	17.26	0.34	2.04	7.65	26.0	0.048	2.58	0.37	0.429	0.35	4.89	0.092	0.041	156

Table 4. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19338	2	4	0.86	17.36	0.31	2.10	7.63	26.0	0.050	2.54	0.41	0.428	0.38	4.82	0.096	0.057	155
DP19339	2	4	0.96	17.46	0.20	2.06	7.64	25.9	0.051	2.60	0.34	0.419	0.43	4.75	0.108	0.044	169
DP19340	2	4	1.06	17.56	0.28	2.09	7.62	25.9	0.048	2.65	0.35	0.415	0.35	4.75	0.101	0.060	156
DP19341	2	4	1.16	17.66	0.31	2.07	7.60	25.9	0.046	2.71	0.35	0.422	0.33	4.78	0.100	0.065	146
DP19342	2	4	1.26	17.76	0.33	2.06	7.70	26.2	0.045	2.74	0.33	0.428	0.31	4.85	0.105	0.055	141
DP19343	2	4	1.36	17.86	0.28	2.11	7.81	26.4	0.046	2.69	0.32	0.427	0.34	4.81	0.126	0.049	155
DP19344	2	4	1.46	17.96	0.25	2.14	7.74	26.3	0.044	2.52	0.33	0.417	0.37	4.61	0.098	0.054	173
DP19345	2	5	0.06	18.06	0.21	2.21	7.71	26.3	0.048	2.37	0.33	0.407	0.44	4.44	0.098	0.052	180
DP19346	2	5	0.16	18.16	0.20	2.28	7.67	26.2	0.050	2.20	0.35	0.391	0.40	4.24	0.083	0.053	193
DP19347	2	5	0.25	18.25	0.24	2.36	7.83	26.6	0.049	2.01	0.36	0.381	0.36	3.99	0.075	0.044	190
DP19348	2	5	0.36	18.36	0.39	2.31	7.74	26.3	0.048	1.87	0.42	0.356	0.31	3.74	0.073	0.051	169
DP19349	2	5	0.46	18.46	0.35	2.25	7.68	26.1	0.051	2.11	0.39	0.386	0.42	4.18	0.076	0.051	166
DP19350	2	5	0.56	18.56	0.35	2.23	7.73	26.3	0.052	2.34	0.40	0.408	0.42	4.48	0.085	0.057	159
DP19351	2	5	0.66	18.66	0.30	2.10	7.63	25.9	0.051	2.47	0.36	0.409	0.42	4.61	0.088	0.053	249
DP19352	2	5	0.76	18.76	0.38	2.10	7.82	26.3	0.051	2.67	0.39	0.434	0.42	4.87	0.093	0.064	136
DP19353	2	5	0.86	18.86	0.27	2.06	7.72	26.0	0.049	2.60	0.37	0.427	0.45	4.83	0.097	0.054	164
DP19354	2	5	0.96	18.96	0.25	2.05	7.68	26.0	0.057	2.53	0.41	0.422	0.52	4.81	0.094	0.051	170
DP19355	2	5	1.06	19.06	0.28	2.05	7.70	26.2	0.060	2.56	0.43	0.433	0.50	4.85	0.094	0.060	165
DP19356	2	5	1.16	19.16	0.24	2.07	7.67	26.1	0.059	2.54	0.36	0.424	0.50	4.73	0.093	0.051	174
DP19357	2	5	1.26	19.26	0.29	2.07	7.61	25.8	0.054	2.54	0.36	0.407	0.40	4.68	0.095	0.059	161
DP19358	2	5	1.36	19.36	0.33	2.03	7.78	26.0	0.051	2.68	0.34	0.423	0.42	4.91	0.099	0.044	151
DP19359	2	5	1.46	19.46	0.28	2.03	7.64	25.7	0.059	2.37	0.47	0.411	0.57	4.89	0.088	0.039	181
DP19360	2	6	0.06	19.56	0.22	2.05	7.74	25.8	0.059	2.41	0.45	0.422	0.61	4.91	0.091	0.038	186
DP19361	2	6	0.16	19.66	0.35	2.00	7.69	25.7	0.059	2.48	0.41	0.414	0.57	4.86	0.089	0.038	162
DP19362	2	6	0.26	19.76	0.32	2.00	7.73	25.8	0.056	2.55	0.44	0.428	0.56	4.92	0.088	0.053	161
DP19363	2	6	0.36	19.86	0.31	2.00	7.68	25.6	0.053	2.54	0.43	0.421	0.54	4.93	0.089	0.060	157
DP19364	2	6	0.46	19.96	0.30	2.00	7.74	25.6	0.055	2.55	0.41	0.427	0.54	4.97	0.086	0.051	160
DP19365	2	6	0.56	20.06	0.29	2.02	7.81	25.8	0.058	2.59	0.39	0.429	0.57	4.93	0.090	0.054	245
DP19366	2	6	0.66	20.16	0.33	2.01	7.72	25.6	0.054	2.61	0.41	0.423	0.47	4.87	0.089	0.073	157
DP19367	2	6	0.76	20.26	0.34	1.98	7.74	25.6	0.058	2.60	0.42	0.430	0.52	4.96	0.091	0.059	149
DP19368	2	6	0.86	20.36	0.35	1.99	7.76	25.6	0.056	2.56	0.46	0.437	0.53	5.05	0.088	0.063	147
DP19369	2	6	0.96	20.46	0.30	1.98	7.74	25.5	0.058	2.55	0.44	0.429	0.55	5.00	0.086	0.058	162
DP19370	2	6	1.06	20.56	0.31	1.98	7.84	25.6	0.061	2.59	0.44	0.433	0.61	5.03	0.088	0.060	155
DP19371	2	6	1.16	20.66	0.35	1.95	7.78	25.2	0.060	2.56	0.46	0.426	0.62	4.99	0.084	0.062	149
DP19372	2	6	1.26	20.76	0.43	1.92	7.74	25.1	0.057	2.56	0.49	0.426	0.61	5.02	0.083	0.065	135
DP19373	2	6	1.36	20.86	0.39	1.96	7.80	25.5	0.052	2.67	0.42	0.431	0.52	5.02	0.085	0.065	136
DP19374	2	6	1.46	20.96	0.37	1.96	7.67	25.0	0.057	2.60	0.42	0.414	0.60	4.89	0.087	0.069	147
DP19375	2	7	0.06	21.06	0.35	1.99	7.76	25.4	0.058	2.60	0.42	0.427	0.56	4.94	0.084	0.061	144
DP19376	2	7	0.16	21.16	0.32	2.00	7.84	25.5	0.058	2.59	0.42	0.431	0.61	4.95	0.086	0.059	153
DP19377	2	7	0.26	21.26	0.35	1.99	7.73	25.3	0.058	2.57	0.42	0.427	0.64	4.92	0.086	0.065	147
DP19378	2	7	0.36	21.36	0.37	2.00	7.81	25.4	0.060	2.58	0.42	0.436	0.67	4.99	0.086	0.060	147
DP19379	3	1	0.06	21.56	0.35	1.93	7.85	25.2	0.068	2.67	0.38	0.426	0.63	4.89	0.078	0.056	141
DP19380	3	1	0.16	21.66	0.33	1.94	7.95	25.6	0.068	2.67	0.36	0.442	0.68	4.95	0.080	0.048	143
DP19381	3	1	0.26	21.76	0.33	1.92	7.87	25.3	0.067	2.65	0.35	0.430	0.62	4.92	0.079	0.046	144
DP19382	3	1	0.36	21.86	0.37	1.96	7.96	25.7	0.066	2.70	0.38	0.446	0.64	5.00	0.079	0.055	139
DP19384	3	1	0.46	21.96	0.36	1.93	7.90	25.5	0.064	2.67	0.37	0.441	0.64	4.99	0.078	0.053	136
DP19385	3	1	0.56	22.06	0.35	1.92	7.85	25.3	0.062	2.63	0.40	0.436	0.64	5.01	0.075	0.051	143
DP19386	3	1	0.66	22.16	0.39	1.94	7.90	25.5	0.061	2.64	0.42	0.443	0.64	5.08	0.078	0.060	146
DP19387	3	1	0.76		0.39	1.93	7.76	25.0	0.060	2.61	0.42	0.428	0.64	4.98	0.078	0.056	144
DP19383	3	1	0.86		0.37	1.94	7.89	25.3	0.060	2.64	0.37	0.432	0.60	4.98	0.077	0.048	140
DP19388	3	1	0.96		0.39	1.95	7.86	25.2	0.060	2.69	0.39	0.432	0.56	4.96	0.076	0.069	144
DP19389	3	1	1.06		0.35	1.94	7.86	25.2	0.067	2.63	0.39	0.435	0.66	4.98	0.078	0.056	142
DP19390	3	1	1.16		0.38	1.96	7.85	25.3	0.069	2.63	0.39	0.440	0.68	4.98	0.078	0.051	141
DP19391	3	1	1.26		0.39	1.96	7.90	25.6	0.071	2.67	0.39	0.451	0.67	5.01	0.079	0.052	140
DP19392	3	1	1.36		0.35	1.98	7.87	24.9	0.068	2.64	0.36	0.432	0.70	5.04	0.080	0.048	134
DP19393	3	1	1.46		0.36	1.95	7.89	25.4	0.073	2.60	0.35	0.433	0.70	4.95	0.081	0.030	142
DP19394	3	2	0.06		0.35	1.95	7.84	25.3	0.073	2.62	0.38	0.431	0.68	4.94	0.082	0.046	142
DP19395	3	2	0.16		0.31	1.93	7.78	25.0	0.074	2.59	0.34	0.424	0.68	4.90	0.082	0.032	148
DP19396	3	2	0.26		0.37	1.97	7.93	25.4	0.071	2.69	0.40	0.444	0.75	4.99	0.082	0.059	141
DP19397	3	2	0.36		0.38	1.98	7.92	25.4	0.071	2.66	0.39	0.440	0.74	4.98	0.082	0.054	138
DP19398	3	2	0.46		0.36	1.95	7.90	25.4	0.071	2.69	0.38	0.439	0.72	5.00	0.079	0.056	137
DP19399	3	2	0.56		0.35	2.00	7.97	25.5	0.073	2.71	0.40	0.444	0.76	5.01	0.079	0.067	140
DP19400	3	2	0.66		0.36	2.01	8.09	25.8	0.072	2.73	0.38	0.448	0.76	5.03	0.080	0.057	141

Table 4. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Chemical Elements (ppm)														H <sub>2</sub> O
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S			
DP19401	3 2	0.76	22.76	0.42	2.06	8.03	25.6	0.073	2.78	0.41	0.447	0.71	5.04	0.081	0.085	142		
DP19402	3 2	0.86	22.86	0.34	1.97	8.00	25.5	0.066	2.71	0.33	0.438	0.68	4.97	0.078	0.046	142		
DP19403	3 2	0.96	22.96	0.35	1.96	7.87	25.1	0.066	2.68	0.35	0.425	0.67	4.89	0.078	0.054	142		
DP19404	3 2	1.06	23.06	0.39	1.97	7.90	25.1	0.065	2.68	0.35	0.426	0.67	4.88	0.080	0.061	140		
DP19405	3 2	1.16	23.16	0.37	1.99	7.99	25.4	0.066	2.72	0.35	0.439	0.67	4.97	0.080	0.060	137		
DP19406	3 2	1.26	23.26	0.38	1.99	7.92	25.5	0.067	2.76	0.36	0.444	0.68	5.02	0.081	0.053	132		
DP19407	3 2	1.36	23.36	0.40	1.98	7.85	25.4	0.067	2.76	0.36	0.440	0.65	4.99	0.079	0.049	127		
DP19408	3 2	1.46	23.46	0.39	1.97	7.86	25.5	0.068	2.78	0.35	0.439	0.63	4.98	0.082	0.049	128		
DP19409	3 3	0.06	23.56	0.41	1.96	7.87	25.6	0.066	2.82	0.35	0.444	0.58	5.01	0.080	0.046	121		
DP19410	3 3	0.16	23.66	0.40	1.96	7.88	25.5	0.067	2.81	0.34	0.444	0.62	5.02	0.080	0.047	128		
DP19411	3 3	0.26	23.76	0.40	1.98	7.83	25.5	0.067	2.83	0.37	0.442	0.62	5.00	0.079	0.063	124		
DP19412	3 3	0.36	23.86	0.45	1.99	7.75	25.2	0.068	2.81	0.37	0.435	0.62	5.00	0.077	0.062	118		
DP19413	3 3	0.46	23.96	0.47	2.15	7.30	24.7	0.153	2.78	0.61	0.503	0.93	5.50	0.105	0.082	131		
DP19414	3 3	0.56		0.40	2.18	7.25	24.9	0.179	2.76	0.66	0.527	0.99	5.58	0.117	0.070			
DP19415	3 3	0.66		0.38	2.16	7.28	24.9	0.182	2.77	0.67	0.526	1.03	5.61	0.120	0.067			
DP19416	3 3	0.96		0.48	2.13	7.23	25.1	0.236	2.75	0.84	0.550	0.95	5.56	0.121	0.071			
DP19417	3 3	1.16		0.86	1.57	6.32	26.3	0.569	2.43	1.87	0.711	0.32	4.69	0.133	0.073			
DP19418	3 3	1.41		0.53	1.97	7.96	25.5	0.063	2.98	0.36	0.444	0.52	5.04	0.077	0.056			
DP19422	3 4	0.26		0.51	1.97	7.90	25.2	0.065	2.90	0.38	0.436	0.65	5.01	0.080	0.061			
DP19423	3 4	0.81		0.48	1.97	7.90	25.2	0.067	2.87	0.37	0.438	0.66	5.01	0.078	0.052			
DP19424	3 4	1.46		0.42	2.01	7.98	25.1	0.069	2.79	0.38	0.447	0.89	5.07	0.081	0.063			
DP19419	3 5	0.26		0.43	2.00	7.94	25.0	0.068	2.79	0.38	0.443	0.85	5.05	0.080	0.063			
DP19420	3 5	0.76		0.47	2.02	7.92	24.9	0.070	2.78	0.40	0.437	0.84	5.07	0.077	0.075			
DP19421	3 5	1.26		0.42	2.02	8.04	25.4	0.067	2.79	0.37	0.451	0.83	5.14	0.078	0.058			
DP19425	3 6	0.06		0.43	1.99	7.96	25.2	0.067	2.76	0.35	0.446	0.81	5.10	0.076	0.049			
DP19426	3 6	0.26	27.92	0.44	2.06	7.86	25.1	0.093	2.77	0.44	0.473	0.95	5.35	0.082	0.053	118		
DP19427	3 6	0.46	28.12	0.49	2.08	7.78	24.7	0.109	2.78	0.50	0.459	0.96	5.26	0.080	0.076	119		
DP19428	3 6	0.66	28.32	0.48	2.08	7.85	24.9	0.103	2.82	0.50	0.464	1.04	5.35	0.078	0.062	118		
DP19429	3 6	0.86	28.52	0.48	2.03	7.77	24.8	0.100	2.80	0.47	0.450	0.99	5.23	0.079	0.058	113		
DP19430	3 6	1.06	28.72	0.51	2.07	7.85	24.9	0.107	2.85	0.49	0.465	1.03	5.34	0.081	0.067	113		
DP19431	3 6	1.26	28.92	0.50	2.03	7.77	24.8	0.114	2.84	0.52	0.466	1.05	5.29	0.072	0.068	115		
DP19432	3 6	1.46	29.12	0.50	2.01	7.71	24.4	0.117	2.75	0.53	0.461	1.05	5.28	0.072	0.065	119		
DP19433	3 7	0.06	29.22	0.51	2.01	7.75	24.5	0.122	2.76	0.53	0.462	1.01	5.34	0.075	0.060	119		
DP19434	3 7	0.26	29.42	0.54	2.01	7.77	24.3	0.129	2.76	0.57	0.461	1.22	5.26	0.074	0.072	124		
DP19435	3 7	0.46	29.62	0.54	1.98	7.80	24.3	0.128	2.75	0.55	0.457	1.21	5.27	0.072	0.061	124		
DP19436	4 3	1.06	31.56	0.46	2.00	7.76	23.7	0.180	2.58	0.66	0.435	1.57	5.31	0.070	0.063	151		
DP19437	4 3	1.26	31.76	0.52	1.96	7.69	23.7	0.198	2.69	0.74	0.446	1.68	5.31	0.074	0.072	139		
DP19438	4 3	1.46	31.96	0.42	1.99	7.72	23.4	0.203	2.56	0.70	0.454	1.83	5.61	0.071	0.061	159		
DP19439	4 4	0.06	32.06	0.44	2.01	7.73	23.4	0.205	2.61	0.75	0.455	1.77	5.61	0.073	0.084	149		
DP19440	4 4	0.26	32.26	0.40	1.97	7.74	23.4	0.215	2.59	0.71	0.443	1.86	5.46	0.072	0.058	152		
DP19441	4 4	0.46	32.46	0.42	1.98	7.75	23.4	0.205	2.65	0.69	0.439	1.70	5.31	0.072	0.068	138		
DP19442	4 4	0.66	32.66	0.43	1.97	7.79	23.7	0.172	2.77	0.58	0.430	1.45	5.07	0.072	0.060	128		
DP19443	4 4	0.86	32.86	0.43	2.02	7.87	24.0	0.158	2.81	0.55	0.442	1.42	5.15	0.071	0.067	127		
DP19444	4 4	1.06	33.06	0.43	1.98	7.73	23.6	0.170	2.70	0.62	0.446	1.61	5.22	0.070	0.074	142		
DP19445	4 4	1.26	33.26	0.44	1.98	7.72	23.5	0.193	2.62	0.68	0.450	1.83	5.31	0.074	0.067	148		
DP19446	4 4	1.46	33.46	0.42	1.95	7.71	23.3	0.232	2.62	0.77	0.446	2.04	5.25	0.074	0.073	154		
DP19447	4 5	0.06	33.56	0.42	1.99	7.77	23.5	0.214	2.67	0.75	0.457	2.01	5.26	0.074	0.076	153		
DP19448	4 5	0.26	33.76	0.40	1.99	7.59	23.0	0.262	2.55	0.90	0.462	2.19	5.33	0.074	0.083	148		
DP19449	4 5	0.46	33.96	0.41	1.96	7.79	23.4	0.250	2.53	0.76	0.458	2.07	5.46	0.075	0.043	157		
DP19450	4 5	0.66	34.16	0.40	1.99	7.54	22.9	0.288	2.57	0.95	0.455	2.03	5.33	0.073	0.094	153		
DP19451	4 5	0.86	34.36	0.34	2.03	7.57	23.1	0.289	2.61	0.97	0.463	2.05	5.40	0.074	0.086	150		
DP19452	4 5	1.06	34.56	0.35	2.04	7.54	23.1	0.312	2.62	1.01	0.468	2.15	5.46	0.077	0.081	149		
DP19453	4 5	1.26	34.76	0.31	2.07	7.38	23.0	0.443	2.59	1.28	0.457	2.20	5.54	0.077	0.086	154		
DP19454	4 5	1.46	34.96	0.32	2.07	7.29	22.7	0.458	2.59	1.37	0.455	2.13	5.47	0.076	0.095	151		
DP19455	4 6	0.06	35.06	0.33	2.06	7.35	22.8	0.449	2.61	1.36	0.454	2.12	5.48	0.076	0.096	148		
DP19456	4 6	0.26	35.26	0.34	2.07	7.30	22.7	0.457	2.61	1.39	0.452	2.12	5.47	0.075	0.100	149		
DP19457	4 6	0.46	35.46	0.34	2.01	7.11	22.2	0.446	2.55	1.36	0.430	2.00	5.35	0.074	0.093	151		
DP19458	4 6	0.66	35.66	0.36	2.08	7.32	22.8	0.466	2.61	1.41	0.452	2.11	5.47	0.075	0.097	144		
DP19459	4 6	0.86	35.86	0.33	2.08	7.31	22.8	0.465	2.61	1.41	0.451	2.10	5.47	0.075	0.093	148		
DP19460	4 6	1.06	36.06	0.34	2.06	7.29	22.7	0.467	2.61	1.41	0.449	2.07	5.45	0.076	0.094	144		
DP19461	4 6	1.26	36.26	0.32	2.06	7.32	22.8	0.446	2.61	1.39	0.454	2.07	5.45	0.076	0.085	147		
DP19462	4 6	1.46	36.46	0.32	2.09	7.90	23.5	0.295	2.78	0.83	0.497	1.54	5.29	0.074	0.071	125		
DP19463	4 7	0.06	36.56	0.34	2.01	7.88	23.2	0.376	2.63	1.00	0.536	1.58	5.42	0.073	0.081	129		

Table 4. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)													
					Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19464	4	7	0.26	36.76	0.38	1.94	7.89	23.4	0.337	2.71	0.90	0.550	1.45	5.57	0.072	0.074	129
DP19465	4	7	0.46	36.96	0.37	1.94	7.85	23.4	0.328	2.82	0.89	0.539	1.46	5.54	0.074	0.079	129
DP19466	5	1	1.36		0.29	2.12	8.01	23.7	0.257	2.85	0.75	0.497	1.52	5.32	0.075	0.075	
DP19467	5	2	0.06	39.36	0.32	2.09	7.97	23.7	0.307	2.78	0.88	0.509	1.55	5.32	0.073	0.075	131
DP19468	5	2	0.26	39.56	0.34	2.03	7.98	23.6	0.350	2.66	0.99	0.542	1.61	5.46	0.071	0.079	137
DP19469	5	2	0.46	39.76	0.35	1.99	7.96	23.6	0.343	2.65	0.96	0.552	1.52	5.53	0.070	0.076	135
DP19470	5	2	0.67	39.97	0.33	1.95	7.92	23.6	0.300	2.76	0.86	0.551	1.43	5.55	0.071	0.074	139
DP19471	5	2	0.87	40.17	0.32	1.93	7.91	23.6	0.295	2.82	0.85	0.540	1.44	5.51	0.070	0.071	141
DP19472	5	2	1.07	40.37	0.35	1.95	7.94	23.6	0.326	2.83	0.93	0.555	1.52	5.57	0.074	0.081	137
DP19473	5	2	1.26	40.56	0.34	1.98	7.91	23.6	0.341	2.76	0.94	0.574	1.58	5.59	0.075	0.080	142
DP19474	5	2	1.46	40.76	0.32	1.99	7.89	23.4	0.303	2.65	0.88	0.590	1.61	5.63	0.073	0.072	146
DP19475	5	3	0.06	40.86	0.30	2.00	7.93	23.5	0.302	2.65	0.88	0.609	1.66	5.71	0.076	0.073	147
DP19476	5	3	0.26	41.46	0.22	2.05	7.87	23.3	0.320	2.59	0.91	0.605	1.64	5.66	0.076	0.087	154
DP19477	5	3	0.46	41.66	0.30	2.10	7.79	23.3	0.284	2.80	0.81	0.673	1.50	6.24	0.075	0.067	141
DP19478	5	3	0.66	41.86	0.35	2.06	7.57	22.7	0.313	2.72	0.84	0.714	1.38	6.46	0.073	0.073	143
DP19479	5	3	0.86	42.66	0.38	2.07	7.69	23.4	0.314	3.10	0.84	0.733	1.18	6.22	0.074	0.071	130
DP19480	5	3	1.06	42.86	0.34	2.13	7.65	23.7	0.238	3.18	0.67	0.688	1.16	6.06	0.074	0.060	120
DP19481	5	3	1.26	43.06	0.30	2.17	7.80	24.1	0.258	3.19	0.71	0.633	1.23	5.90	0.075	0.060	114
DP19482	5	3	1.46	43.26	0.27	2.22	7.66	24.0	0.255	3.13	0.69	0.561	1.18	5.63	0.075	0.055	109
DP19483	5	4	0.06	43.36	0.27	2.25	7.73	24.1	0.254	3.17	0.70	0.586	1.21	5.70	0.076	0.058	108
DP19484	5	4	0.26	43.56	0.26	2.24	7.59	24.0	0.266	3.16	0.75	0.602	1.20	5.89	0.075	0.061	114
DP19485	5	4	0.46	43.76	0.26	2.25	7.73	24.2	0.275	3.18	0.77	0.556	1.25	5.68	0.076	0.056	108
DP19486	5	4	0.66	43.96	0.28	2.26	7.67	24.0	0.248	3.15	0.70	0.593	1.16	5.83	0.076	0.059	109
DP19487	5	4	0.86	44.16	0.37	2.11	7.75	24.0	0.231	3.30	0.65	0.674	0.93	5.98	0.074	0.053	103
DP19488	5	4	1.06	44.36	0.29	2.26	7.79	23.9	0.240	3.04	0.67	0.616	1.09	5.95	0.073	0.060	108
DP19489	5	4	1.26	44.56	0.28	2.27	7.82	24.0	0.264	3.03	0.70	0.642	1.05	6.10	0.073	0.059	108
DP19490	5	4	1.46	44.76	0.29	2.29	7.67	23.7	0.296	3.02	0.78	0.618	1.09	6.08	0.074	0.066	163
DP19491	5	5	0.06	44.86	0.30	2.28	7.74	23.9	0.302	3.06	0.81	0.628	1.13	6.18	0.075	0.067	111
DP19492	5	5	0.26	45.06	0.36	2.19	7.74	23.9	0.264	3.17	0.71	0.628	1.04	6.17	0.074	0.062	109
DP19493	5	5	0.46	45.26	0.29	2.27	7.80	23.7	0.298	3.01	0.79	0.580	1.12	6.07	0.075	0.070	106
DP19494	5	5	0.66	45.46	0.31	2.22	7.81	23.6	0.269	2.97	0.74	0.599	1.07	6.15	0.073	0.066	108
DP19495	5	5	0.86	45.66	0.29	2.28	7.85	23.7	0.287	2.94	0.79	0.602	1.13	6.18	0.076	0.065	107
DP19496	5	5	1.07	45.87	0.32	2.22	7.83	23.5	0.307	2.90	0.79	0.615	1.11	6.32	0.074	0.070	108
DP19497	5	5	1.26	46.06	0.32	2.21	7.78	23.3	0.287	2.89	0.75	0.630	1.14	6.47	0.074	0.072	114
DP19498	5	5	1.46	46.26	0.35	2.16	7.77	23.6	0.267	3.06	0.73	0.653	1.07	6.61	0.073	0.066	110
DP19499	5	6	0.06	46.36	0.38	2.12	7.74	23.5	0.270	3.07	0.74	0.669	1.03	6.67	0.073	0.065	110
DP19500	5	6	0.26	46.56	0.38	2.14	7.77	23.2	0.312	2.87	0.80	0.728	1.04	7.05	0.073	0.074	114
DP19501	5	6	0.46	46.76	0.36	2.16	7.78	23.1	0.320	2.80	0.83	0.702	1.08	7.02	0.073	0.070	115
DP19502	5	6	0.66	46.96	0.35	2.15	7.87	23.1	0.319	2.77	0.84	0.726	1.04	7.01	0.073	0.067	113
DP19503	5	6	0.86	47.16	0.32	2.18	7.80	23.2	0.350	2.83	0.91	0.698	1.09	6.70	0.072	0.068	118
DP19504	5	6	1.06	47.36	0.27	2.11	7.28	22.9	0.674	3.08	1.78	0.560	1.27	5.95	0.076	0.096	125
DP19505	6	1	1.26	49.92	0.25	2.17	7.09	22.8	0.819	3.26	2.14	0.410	1.53	5.22	0.074	0.101	129
DP19506	6	1	1.46	50.12	0.26	2.18	7.13	22.9	0.781	3.30	2.04	0.419	1.56	5.21	0.077	0.102	126
DP19507	6	2	0.06	50.22	0.18	2.19	7.19	23.1	0.773	3.30	2.02	0.426	1.55	5.25	0.079	0.106	150
DP19508	6	2	0.26	50.42	0.24	2.12	7.17	22.7	0.789	3.35	2.08	0.379	1.51	4.92	0.072	0.103	133
DP19509	6	2	0.46	50.62	0.25	2.14	7.37	23.2	0.725	3.36	1.93	0.407	1.37	5.06	0.077	0.090	119
DP19510	6	2	0.66	50.82	0.28	2.14	7.27	22.9	0.823	3.30	2.09	0.399	1.40	5.13	0.078	0.108	117
DP19511	6	2	0.86	51.02	0.28	2.09	7.08	22.4	0.882	3.27	2.31	0.384	1.40	5.06	0.075	0.115	115
DP19512	6	2	1.06	51.22	0.29	2.11	7.16	22.6	0.950	3.31	2.47	0.393	1.39	5.08	0.078	0.120	114
DP19513	6	2	1.26	51.42	0.32	2.04	7.12	22.5	1.033	3.37	2.57	0.383	1.45	5.00	0.075	0.135	121
DP19514	6	2	1.46	51.62	0.33	2.02	7.03	22.0	1.218	3.33	2.97	0.366	1.46	4.92	0.076	0.147	119
DP19515	6	3	0.06	51.72	0.32	2.07	7.18	22.5	0.958	3.37	2.40	0.370	1.41	5.02	0.075	0.125	115
DP19516	6	3	0.26	51.92	0.31	2.11	7.20	22.8	0.914	3.30	2.32	0.389	1.30	5.19	0.077	0.118	116
DP19517	6	3	0.46	52.12	0.33	2.17	7.17	22.9	0.733	3.23	1.92	0.428	1.30	5.47	0.078	0.106	111
DP19518	6	3	0.67	53.13	0.33	2.20	7.48	23.7	0.569	3.42	1.51	0.417	1.20	5.53	0.076	0.095	108
DP19519	6	3	0.86	53.32	0.34	2.16	7.42	23.5	0.544	3.41	1.46	0.392	1.20	5.31	0.075	0.094	110
DP19520	6	3	1.06	53.52	0.34	2.16	7.48	23.5	0.516	3.36	1.38	0.416	1.24	5.46	0.074	0.089	107
DP19521	6	3	1.26	53.72	0.35	2.16	7.45	23.6	0.414	3.43	1.15	0.397	1.29	5.28	0.076	0.087	112
DP19522	6	3	1.46	53.92	0.34	2.14	7.43	23.6	0.354	3.43	1.02	0.388	1.25	5.25	0.075	0.085	96
DP19523	6	4	0.06	54.02	0.34	2.14	7.48	23.8	0.355	3.47	1.02	0.401	1.35	5.24	0.077	0.079	121
DP19524	6	4	0.26	54.22	0.33	2.15	7.43	23.7	0.337	3.45	0.99	0.400	1.40	5.24	0.076	0.076	109
DP19525	6	4	0.46	54.92	0.32	2.15	7.10	23.2	0.473	3.49	1.35	0.402	1.67	5.40	0.079	0.092	118
DP19526	6	4	0.66	55.12	0.29	2.21	6.81	23.0	0.424	3.46	1.29	0.415	2.05	6.06	0.087	0.090	121

Table 4. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)													
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP19527	6 4	0.86	55.32	0.31	2.18	6.76	22.8	0.578	3.51	2.12	0.429	2.05	5.63	0.087	0.093	114
DP19528	6 4	1.06	55.52	0.31	2.21	6.74	22.5	0.774	3.49	2.53	0.425	1.93	5.45	0.084	0.106	107
DP19529	6 4	1.46	55.92	0.29	2.29	6.74	22.9	0.426	3.41	1.56	0.387	1.91	6.25	0.084	0.088	115
DP19530	6 5	0.55	56.51	0.29	2.30	6.86	23.2	0.348	3.36	0.99	0.374	1.86	6.61	0.086	0.085	126
DP19531	6 5	0.86	56.82	0.31	2.18	6.94	23.2	0.398	3.43	1.60	0.379	1.46	5.62	0.075	0.086	113
DP19532	6 5	1.06	57.02	0.30	2.17	7.00	23.4	0.324	3.36	1.14	0.379	1.43	5.85	0.078	0.074	118
DP19533	6 5	1.26	57.22	0.29	2.32	6.78	23.3	0.384	3.23	1.27	0.376	1.58	6.63	0.087	0.078	119
DP19534	6 5	1.44	57.40	0.17	1.19	2.68	9.2	0.166	1.23	24.64	0.187	0.82	3.99	0.076	0.041	70
DP19535	6 6	0.47	57.93	0.27	2.39	6.74	23.0	0.291	3.20	0.86	0.356	1.74	7.84	0.091	0.076	125
DP19536	6 6	0.76	58.22	0.24	2.31	6.87	23.5	0.393	3.35	1.12	0.381	1.69	6.45	0.086	0.077	121
DP19537	6 6	1.36	58.82	0.26	2.33	6.90	23.7	0.374	3.36	1.00	0.397	1.27	5.83	0.079	0.076	115
DP19538	7 3	1.45	62.45	0.27	2.47	6.97	24.4	0.364	3.38	0.94	0.410	1.23	5.46	0.118	0.087	109
DP19539	7 4	0.91	63.41	0.17	2.51	6.82	24.3	0.303	3.41	0.81	0.376	1.23	5.05	0.084	0.059	121
DP19540	7 4	1.28	63.78	0.22	2.42	6.91	24.1	0.451	3.50	1.28	0.383	1.30	5.13	0.085	0.065	111
DP19541	7 5	0.79	64.79	0.21	2.49	6.77	24.6	0.378	3.41	1.02	0.395	1.24	5.08	0.089	0.066	110
DP19542	7 6	0.26	65.76	0.20	2.32	6.26	22.4	0.267	3.13	4.07	0.376	1.05	4.81	0.082	0.059	112
DP19543	7 6	0.46	65.96	0.07	2.84	6.50	24.8	0.348	3.09	0.82	0.388	0.95	4.89	0.088	0.056	138
DP19544	7 6	0.89	66.39	0.06	2.86	6.61	25.3	0.305	3.18	0.72	0.400	0.76	4.75	0.079	0.055	133
DP19545	7 7	0.30	67.30	0.06	2.92	6.52	24.9	0.426	3.05	0.99	0.382	0.93	4.75	0.088	0.051	139
DP19546	8 2	0.81	69.76	0.27	2.39	6.51	24.0	0.358	3.52	2.09	0.385	1.00	4.82	0.090	0.052	102
DP19547	8 3	0.29	70.74	0.12	2.76	6.61	25.1	0.286	3.22	0.70	0.393	0.99	4.86	0.096	0.044	126
DP19548	8 3	0.65	71.10	0.16	2.61	6.60	24.8	0.507	3.37	1.17	0.399	1.03	4.88	0.093	0.070	117
DP19549	8 3	0.96	71.41	0.19	2.57	6.18	23.5	0.345	3.12	2.66	0.384	0.96	4.88	0.087	0.057	116
DP19550	8 4	0.21	72.16	0.25	2.65	6.52	24.7	0.466	3.27	1.20	0.388	1.23	5.95	0.087	0.059	108
DP19551	8 4	0.41	72.36	0.38	2.50	6.24	23.7	0.479	3.36	1.33	0.347	1.59	6.22	0.094	0.075	103
DP19552	8 4	0.99	72.94	0.37	2.46	6.00	23.4	0.575	3.25	2.41	0.363	1.32	6.01	0.093	0.070	100
DP19553	8 5	0.58	74.03	0.24	2.73	6.36	25.6	0.337	3.39	0.84	0.400	0.77	5.52	0.083	0.057	109
DP19554	8 5	1.42	74.87	0.20	2.98	6.50	25.5	0.302	3.19	0.78	0.405	0.85	5.38	0.084	0.056	113
DP19555	8 6	0.44	75.39	0.19	3.03	6.33	25.3	0.266	3.16	1.10	0.397	0.82	5.18	0.086	0.052	112

Note: Depth in hole omitted for disturbed samples.













Table 5. (Continued).

Hole	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
576	6	0.06	41.86	0.35	2.11	7.69	23.1	0.316	2.75	0.85	0.721	1.44	6.40	0.075	0.067	140	
576	6	0.16	41.96	0.34	2.11	7.67	23.0	0.360	2.72	0.89	0.723	1.40	6.50	0.075	0.068	140	
576	6	0.26	42.06	0.37	2.10	7.66	23.0	0.319	2.74	0.87	0.727	1.40	6.50	0.074	0.077	139	
576	6	0.36	42.16	0.42	2.09	7.63	22.9	0.322	2.72	0.86	0.724	1.36	6.50	0.074	0.062	141	
576	6	0.46	42.26	0.39	2.08	7.73	23.2	0.314	2.84	0.87	0.748	1.36	6.56	0.075	0.059	138	
576	6	0.56	42.36	0.44	2.08	7.79	23.5	0.311	3.03	0.85	0.741	1.29	6.32	0.075	0.064	130	
576	6	0.66	42.46	0.43	2.07	7.76	23.6	0.287	3.12	0.81	0.742	1.21	6.28	0.074	0.067	127	
576	6	0.76	42.56	0.43	2.08	7.78	23.8	0.295	3.16	0.81	0.751	1.18	6.26	0.075	0.066	125	
576	6	0.86	42.66	0.40	2.12	7.70	23.7	0.302	3.17	0.81	0.730	1.17	6.22	0.074	0.069	128	
576	6	0.96	42.76	0.38	2.08	7.53	23.3	0.248	3.12	0.69	0.656	1.14	5.85	0.072	0.054	119	
576	6	1.06	42.86	0.41	2.18	7.63	23.8	0.230	3.20	0.65	0.710	1.10	6.17	0.073	0.057	115	
576	6	1.16	42.96	0.37	2.17	7.73	24.0	0.253	3.18	0.70	0.658	1.17	6.01	0.074	0.064	115	
576	6	1.26	43.06	0.34	2.17	7.72	24.0	0.256	3.18	0.72	0.604	1.21	5.74	0.075	0.054	111	
576	6	1.36	43.16	0.33	2.18	7.65	23.9	0.264	3.16	0.71	0.569	1.15	5.63	0.078	0.054	106	
576	6	1.46	43.26	0.31	2.26	7.71	24.1	0.248	3.21	0.69	0.593	1.18	5.72	0.076	0.059	109	
576	6	0.06	43.36	0.31	2.23	7.50	23.7	0.281	3.12	0.75	0.573	1.13	5.73	0.075	0.059	114	
576	6	0.16	43.46	0.30	2.27	7.67	23.9	0.282	3.13	0.76	0.544	1.20	5.59	0.077	0.054	107	
576	7	0.09	43.49	0.26	2.23	7.53	23.8	0.269	3.16	0.74	0.584	1.14	5.72	0.076	0.066	127	
576	7	0.26	43.56	0.32	2.24	7.68	24.1	0.266	3.19	0.72	0.587	1.15	5.74	0.076	0.052	109	
576	7	0.26	43.66	0.31	2.27	7.66	24.2	0.264	3.18	0.76	0.576	1.19	5.74	0.077	0.064	114	
576	7	0.44	43.74	0.32	2.31	7.72	24.1	0.258	3.13	0.70	0.609	1.07	5.85	0.076	0.062	104	
576	7	0.36	43.76	0.37	2.28	7.66	24.0	0.265	3.15	0.78	0.561	1.18	5.66	0.075	0.074	111	
576	7	0.46	43.86	0.32	2.24	7.65	24.0	0.259	3.14	0.72	0.595	1.14	5.81	0.075	0.056	117	
576	7	0.56	43.96	0.37	2.17	7.75	23.9	0.233	3.15	0.63	0.647	0.99	6.01	0.073	0.053	114	
576	7	0.66	44.06	0.42	2.12	7.72	23.9	0.268	3.28	0.72	0.671	0.92	5.99	0.073	0.062	108	
576	7	0.76	44.16	0.35	2.20	7.80	24.1	0.247	3.13	0.64	0.654	1.00	6.02	0.075	0.046	116	
576	7	0.86	44.26	0.33	2.24	7.81	23.9	0.238	3.02	0.64	0.628	1.08	6.11	0.075	0.058	123	
576	7	0.96	44.36	0.28	2.26	7.73	23.7	0.249	3.00	0.66	0.601	1.07	5.89	0.074	0.062	127	
576	7	1.06	44.46	0.32	2.31	7.87	24.1	0.265	3.01	0.67	0.626	1.04	5.99	0.073	0.059	121	
576	7	1.16	44.56	0.32	2.33	7.83	24.1	0.285	3.02	0.73	0.649	1.06	6.12	0.074	0.067	116	
576	7	1.26	44.66	0.28	2.32	7.84	24.1	0.287	3.00	0.73	0.615	1.13	6.06	0.074	0.056	117	
576	7	1.36	44.76	0.29	2.27	7.63	23.6	0.316	2.97	0.80	0.618	1.09	6.11	0.075	0.059	118	
576	7	1.46	44.86	0.32	2.21	7.70	23.8	0.270	3.13	0.72	0.624	1.03	6.11	0.074	0.062	117	
576B	5	0.26	45.06	0.36	2.19	7.74	23.9	0.264	3.17	0.71	0.628	1.04	6.17	0.074	0.062	109	
576B	5	0.46	45.26	0.29	2.27	7.80	23.7	0.298	3.01	0.79	0.580	1.12	6.07	0.075	0.070	106	
576B	5	0.66	45.46	0.31	2.22	7.81	23.6	0.269	2.97	0.74	0.599	1.07	6.15	0.073	0.066	108	
576B	5	0.86	45.66	0.29	2.28	7.85	23.7	0.287	2.94	0.79	0.602	1.13	6.18	0.076	0.065	107	
576B	5	1.07	45.87	0.32	2.22	7.83	23.5	0.307	2.90	0.79	0.615	1.11	6.32	0.074	0.070	108	
576B	5	1.26	46.06	0.32	2.21	7.78	23.3	0.287	2.89	0.75	0.630	1.14	6.47	0.074	0.072	114	
576B	5	1.46	46.26	0.35	2.16	7.77	23.6	0.267	3.06	0.73	0.653	1.07	6.61	0.073	0.066	110	
576B	5	0.06	46.36	0.38	2.12	7.74	23.5	0.270	3.07	0.74	0.669	1.03	6.67	0.073	0.065	110	
576	7	0.56	46.46	0.37	2.17	7.78	23.6	0.287	2.99	0.74	0.646	1.08	6.57	0.076	0.056	115	
576	7	0.66	46.56	0.41	2.13	7.66	23.3	0.264	2.98	0.72	0.672	1.00	6.70	0.074	0.063	116	
576	7	0.76	46.66	0.38	2.13	7.72	23.0	0.336	2.76	0.83	0.692	1.01	6.95	0.073	0.060	123	
576	7	0.86	46.76	0.38	2.18	7.85	23.3	0.386	2.81	0.97	0.708	1.11	6.78	0.073	0.068	121	
576	7	0.96	46.86	0.35	2.22	7.66	23.5	0.348	2.96	0.91	0.653	1.16	6.41	0.072	0.063	119	
576	7	1.08	46.98	0.41	2.07	7.80	23.2	0.383	2.83	0.88	0.709	1.13	6.89	0.074	0.045	126	
576	7	2.16	47.06	0.33	2.17	7.68	22.9	0.429	2.73	1.01	0.652	1.17	6.65	0.074	0.077	128	
576	7	2.26	47.16	0.34	2.26	7.74	23.5	0.442	2.83	1.04	0.641	1.26	6.53	0.074	0.076	125	
576	7	2.36	47.26	0.30	2.31	7.43	23.4	0.509	2.96	1.19	0.622	1.39	6.46	0.077	0.069	130	
576	7	2.46	47.36	0.31	2.30	7.35	23.2	0.500	3.05	1.24	0.614	1.56	6.03	0.082	0.074	121	
576	7	3.05	47.45	0.27	2.31	7.30	23.2	0.531	3.09	1.31	0.627	1.43	6.00	0.080	0.073	125	
576	7	3.14	47.54	0.27	2.31	7.36	23.5	0.446	3.18	1.17	0.649	1.34	6.10	0.078	0.067	126	
576	7	3.26	47.66	0.28	2.24	7.32	23.1	0.518	3.04	1.28	0.573	1.32	5.93	0.080	0.056	119	
576	7	3.36	47.76	0.28	2.23	7.39	23.2	0.546	3.07	1.38	0.600	1.35	5.93	0.077	0.074	118	
576	7	3.46	47.86	0.31	2.23	7.37	23.3	0.591	3.09	1.52	0.601	1.30	5.94	0.078	0.081	119	
576	7	3.56	47.96	0.29	2.25	7.30	23.3	0.561	3.12	1.43	0.607	1.45	5.97	0.077	0.074	126	
576	7	3.66	48.06	0.32	2.19	7.06	22.9	0.699	3.18	1.85	0.572	1.35	5.99	0.075	0.085	126	
576	7	3.76	48.16	0.28	2.19	7.17	23.0	0.620	3.12	1.62	0.541	1.42	5.73	0.079	0.086	128	
576	7	3.86	48.26	0.31	2.17	7.15	22.8	0.659	3.05	1.69	0.569	1.34	5.92	0.076	0.088	127	
576	7	3.96	48.36	0.35	2.15	7.16	22.7	0.645	3.04	1.68	0.578	1.25	5.91	0.076	0.084	124	

Table 5. (Continued).

Hole	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)														
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O	
576	7	3	1.06	48.46	0.37	2.10	7.14	22.6	0.720	3.02	1.77	0.605	1.17	6.03	0.074	0.086	126
576	7	3	1.16	48.56	0.35	2.11	7.37	23.1	0.662	3.08	1.66	0.567	1.27	6.04	0.077	0.089	125
576	7	3	1.26	48.66	0.39	2.12	7.42	22.9	0.695	3.03	1.73	0.538	1.30	6.02	0.077	0.090	123
576	7	3	1.36	48.76	0.38	2.09	7.41	22.9	0.642	3.04	1.64	0.546	1.27	5.96	0.078	0.089	123
576	7	3	1.46	48.86	0.39	2.08	7.40	22.9	0.705	3.05	1.70	0.555	1.17	6.00	0.074	0.096	121
576	7	4	0.06	48.96	0.47	2.12	7.48	23.2	0.847	3.15	2.08	0.529	1.21	5.89	0.074	0.120	117
576	7	4	0.16	49.06	0.40	2.07	7.24	22.8	0.809	3.12	2.03	0.473	1.22	5.56	0.075	0.110	115
576	7	4	0.26	49.16	0.41	2.05	7.11	22.5	0.789	3.07	2.03	0.474	1.26	5.53	0.075	0.091	121
576	7	4	0.36	49.26	0.38	2.11	7.20	22.8	0.796	3.10	2.10	0.478	1.34	5.60	0.076	0.091	125
576	7	4	0.46	49.36	0.37	2.11	7.14	22.8	0.836	3.20	2.18	0.463	1.33	5.44	0.074	0.092	127
576	7	4	0.56	49.46	0.31	2.10	7.10	22.8	0.840	3.25	2.18	0.445	1.35	5.34	0.072	0.097	128
576	7	4	0.66	49.56	0.35	2.14	6.96	22.6	0.886	3.25	2.25	0.433	1.40	5.42	0.078	0.105	125
576	7	4	0.76	49.66	0.39	2.16	6.84	22.9	0.744	3.37	2.04	0.468	1.35	5.78	0.076	0.075	125
576	7	4	0.86	49.76	0.36	2.26	6.86	23.1	0.858	3.43	2.25	0.495	1.37	5.97	0.076	0.098	122
576	7	4	0.96	49.86	0.34	2.18	7.05	22.8	0.845	3.27	2.16	0.415	1.51	5.29	0.074	0.107	130
576	7	4	1.06	49.96	0.34	2.16	7.07	22.9	0.832	3.29	2.15	0.406	1.55	5.19	0.078	0.096	125
576	7	4	1.16	50.06	0.33	2.16	7.05	22.7	0.853	3.25	2.10	0.414	1.54	5.21	0.078	0.104	128
576	7	4	1.26	50.16	0.40	2.16	7.10	22.9	0.779	3.26	2.03	0.415	1.54	5.25	0.077	0.081	129
576	7	4	1.36	50.26	0.35	2.10	6.86	22.5	0.810	3.36	2.07	0.437	1.36	5.46	0.073	0.102	128
576	7	4	1.46	50.36	0.35	2.12	6.89	22.9	0.686	3.50	1.85	0.472	1.33	5.75	0.074	0.084	131
576	7	5	0.06	50.46	0.31	2.11	7.12	22.7	0.835	3.35	2.16	0.379	1.51	4.94	0.072	0.100	131
576	7	5	0.16	50.56	0.34	2.14	7.18	22.6	0.905	3.27	2.23	0.388	1.51	4.97	0.073	0.112	125
576	7	5	0.26	50.66	0.33	2.14	7.27	23.0	0.734	3.30	1.95	0.393	1.38	4.95	0.076	0.090	118
576	7	5	0.36	50.76	0.33	2.15	7.26	22.9	0.803	3.31	2.02	0.403	1.34	5.08	0.075	0.102	116
576	7	5	0.46	50.86	0.33	2.11	7.24	22.9	0.760	3.29	1.97	0.398	1.35	5.08	0.076	0.095	119
576	7	5	0.56	50.96	0.33	2.13	7.30	23.0	0.809	3.30	2.11	0.398	1.41	5.08	0.076	0.096	117
576	7	5	0.66	51.06	0.34	2.14	7.32	23.2	0.790	3.34	2.12	0.405	1.44	5.10	0.077	0.095	118
576	7	5	0.76	51.16	0.33	2.12	7.24	22.9	0.916	3.32	2.30	0.399	1.46	5.15	0.076	0.105	120
576	7	5	0.86	51.26	0.34	2.10	7.12	22.5	1.028	3.25	2.63	0.386	1.39	5.02	0.075	0.112	116
576	7	5	0.96	51.36	0.35	2.09	7.14	22.6	1.023	3.30	2.56	0.392	1.39	5.10	0.076	0.114	116
576	7	5	1.06	51.46	0.36	2.06	7.15	22.7	0.962	3.35	2.48	0.388	1.38	5.05	0.074	0.111	118
576	7	5	1.16	51.56	0.38	2.06	7.14	22.7	0.979	3.39	2.50	0.380	1.46	4.97	0.074	0.122	119
576	7	5	1.26	51.66	0.38	1.98	6.92	21.8	1.138	3.31	2.86	0.362	1.42	4.82	0.074	0.126	116
576	7	5	1.36	51.76	0.36	2.07	7.26	22.9	0.864	3.38	2.23	0.378	1.42	5.09	0.077	0.101	118
576	7	5	1.46	51.86	0.38	2.07	7.15	22.4	0.931	3.34	2.37	0.371	1.34	5.05	0.077	0.114	117
576	7	6	0.06	51.96	0.37	2.09	7.10	22.4	0.949	3.23	2.32	0.391	1.27	5.20	0.074	0.112	115
576	7	6	0.16	52.06	0.35	2.16	7.17	22.8	0.786	3.20	2.04	0.415	1.28	5.38	0.077	0.096	111
576	7	6	0.26	52.16	0.34	2.17	7.22	23.0	0.672	3.23	1.78	0.428	1.30	5.48	0.080	0.098	112
576	7	6	0.36	52.26	0.34	2.19	7.31	23.3	0.666	3.27	1.79	0.428	1.38	5.57	0.078	0.089	116
576	7	6	0.46	52.36	0.34	2.19	7.32	23.2	0.756	3.28	1.99	0.410	1.37	5.34	0.079	0.092	112
576	7	6	0.56	52.46	0.34	2.15	7.22	22.9	0.802	3.26	2.08	0.393	1.32	5.25	0.076	0.097	114
576	7	6	0.66	52.56	0.35	2.17	7.19	22.9	0.838	3.29	2.12	0.390	1.28	5.17	0.075	0.107	110
576	7	6	0.76	52.66	0.38	2.16	7.17	22.8	0.898	3.27	2.20	0.389	1.28	5.21	0.075	0.115	111
576	7	6	0.86	52.76	0.35	2.17	7.22	22.9	0.731	3.27	1.95	0.390	1.31	5.27	0.078	0.091	112
576	7	6	0.96	52.86	0.35	2.19	7.23	22.9	0.734	3.24	1.84	0.393	1.29	5.33	0.076	0.098	111
576	7	6	1.06	52.96	0.33	2.22	7.39	23.4	0.656	3.33	1.74	0.403	1.35	5.38	0.078	0.094	112
576	7	6	1.16	53.06	0.36	2.18	7.27	23.1	0.612	3.29	1.62	0.390	1.24	5.34	0.073	0.087	110
576	7	6	1.26	53.16	0.35	2.18	7.45	23.6	0.520	3.37	1.37	0.403	1.21	5.48	0.075	0.076	109
576	7	6	1.36	53.26	0.38	2.16	7.49	23.5	0.617	3.34	1.55	0.389	1.21	5.30	0.074	0.085	114
576	7	6	1.46	53.36	0.35	2.14	7.39	23.4	0.558	3.33	1.44	0.398	1.26	5.30	0.077	0.085	111
576	7	7	0.06	53.46	0.36	2.17	7.48	23.7	0.345	3.42	1.00	0.401	1.27	5.36	0.074	0.071	109
576	7	7	0.16	53.56	0.36	2.17	7.60	24.1	0.349	3.46	0.98	0.402	1.31	5.28	0.073	0.062	110
576	7	7	0.26	53.66	0.36	2.17	7.49	23.7	0.362	3.43	1.00	0.394	1.35	5.21	0.076	0.072	109
576	7	7	0.36	53.76	0.37	2.18	7.51	23.8	0.337	3.46	0.96	0.395	1.36	5.18	0.074	0.075	110
576	7	7	0.46	53.86	0.35	2.20	7.58	24.2	0.345	3.52	0.99	0.408	1.46	5.29	0.078	0.068	113
576	8	1	0.26	54.36	0.34	2.18	7.38	23.5	0.385	3.43	1.06	0.390	1.42	5.19	0.077	0.076	119
576	8	1	0.36	54.46	0.35	2.19	7.36	23.5	0.451	3.47	1.20	0.389	1.35	5.19	0.076	0.081	120
576	8	1	0.46	54.56	0.32	2.20	7.19	23.3	0.471	3.46	1.31	0.403	1.71	5.43	0.082	0.084	128
576	8	1	0.56	54.66	0.32	2.12	7.17	23.3	0.594	3.53	1.60	0.397	1.71	5.09	0.080	0.086	123
576	8	1	0.66	54.76	0.34	2.08	6.97	22.6	0.768	3.48	1.93	0.389	1.81	4.99	0.077	0.105	124
576	8	1	0.76	54.86	0.35	2.09	7.08	23.1	0.653	3.49	1.81	0.397	1.95	5.11	0.083	0.084	124

Table 5. (Continued).

Hole	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
576B	6	4	0.46	54.92	0.32	2.15	7.10	23.2	0.473	3.49	1.35	0.402	1.67	5.40	0.079	0.092	118
576	8	1	0.86	54.96	0.33	2.22	6.85	23.0	0.453	3.42	1.25	0.429	2.08	6.08	0.089	0.081	128
576	8	1	0.96	55.06	0.33	2.16	6.76	22.5	0.686	3.45	1.86	0.430	2.23	5.53	0.090	0.098	121
576B	6	4	0.66	55.12	0.29	2.21	6.81	23.0	0.424	3.46	1.29	0.415	2.05	6.06	0.087	0.090	121
576	8	1	1.06	55.16	0.32	2.30	6.68	22.8	0.533	3.32	1.41	0.419	2.11	6.03	0.090	0.081	128
576	8	1	1.16	55.26	0.35	2.26	6.38	22.4	0.523	3.32	2.46	0.386	1.72	6.13	0.089	0.079	115
576B	6	4	0.86	55.32	0.31	2.18	6.76	22.8	0.578	3.51	2.12	0.429	2.05	5.63	0.087	0.093	114
576	8	1	1.26	55.36	0.32	2.21	6.82	22.7	0.640	3.49	1.74	0.423	2.10	5.67	0.089	0.088	123
576B	6	4	1.06	55.52	0.31	2.21	6.74	22.5	0.774	3.49	2.53	0.425	1.93	5.45	0.084	0.106	107
576A	6	5	1.29	55.54	0.37	2.24	6.78	22.7	0.643	3.39	1.85	0.418	1.50	5.61	0.068	0.077	95
576	8	1	1.46	55.56	0.33	2.22	6.78	22.7	0.721	3.42	2.37	0.417	1.80	5.50	0.081	0.081	116
576	8	2	0.05	55.65	0.32	2.28	6.56	22.7	0.508	3.32	2.06	0.394	1.62	5.87	0.079	0.063	118
576B	6	4	1.46	55.92	0.29	2.29	6.74	22.9	0.426	3.41	1.56	0.387	1.91	6.25	0.084	0.088	115
576	8	2	0.67	56.27	0.26	2.17	6.67	22.6	0.446	3.35	2.42	0.386	1.58	5.53	0.080	0.071	121
576	8	2	0.78	56.38	0.29	2.14	6.29	21.2	0.348	3.11	3.60	0.353	1.75	6.42	0.083	0.058	122
576B	6	5	0.55	56.51	0.29	2.30	6.86	23.2	0.348	3.36	0.99	0.374	1.86	6.61	0.086	0.085	126
576	8	2	1.06	56.66	0.29	2.18	6.86	23.0	0.419	3.37	1.64	0.371	1.54	5.62	0.078	0.075	123
576	8	2	1.16	56.76	0.29	2.24	7.11	23.8	0.359	3.42	0.96	0.390	1.52	5.71	0.081	0.064	122
576B	6	5	0.86	56.82	0.31	2.18	6.94	23.2	0.398	3.43	1.60	0.379	1.46	5.62	0.075	0.086	113
576	8	2	1.26	56.86	0.27	2.20	6.95	23.3	0.339	3.34	1.60	0.390	1.40	5.90	0.079	0.068	118
576	8	2	1.36	56.96	0.29	2.23	6.93	23.5	0.383	3.33	0.97	0.376	1.43	5.94	0.082	0.059	120
576B	6	5	1.06	57.02	0.30	2.17	7.00	23.4	0.324	3.36	1.14	0.379	1.43	5.85	0.078	0.074	118
576	8	2	1.46	57.06	0.30	2.23	6.31	21.9	0.373	3.03	3.29	0.356	1.51	6.83	0.089	0.063	120
576	8	3	0.04	57.14	0.34	2.45	6.38	23.0	0.491	3.02	1.38	0.355	1.53	7.42	0.101	0.067	130
576B	6	5	1.26	57.22	0.29	2.32	6.78	23.3	0.384	3.23	1.27	0.376	1.58	6.63	0.087	0.078	119
576A	6	7	0.24	57.49	0.31	2.29	6.74	23.1	0.381	3.23	1.01	0.365	1.55	6.79	0.085	0.061	110
576A	6	7	0.28	57.53	0.32	2.30	6.98	23.8	0.313	3.38	0.83	0.392	1.33	6.02	0.081	0.055	
576	8	3	0.66	57.76	0.32	2.40	6.71	22.7	0.285	3.08	0.84	0.356	1.76	8.19	0.090	0.064	126
576B	6	6	0.47	57.93	0.27	2.39	6.74	23.0	0.291	3.20	0.86	0.356	1.74	7.84	0.091	0.076	125
576	8	3	0.92	58.02	0.28	2.33	7.00	24.1	0.296	3.40	0.80	0.394	1.21	5.95	0.076	0.062	117
576	8	3	1.01	58.11	0.27	2.40	6.48	22.9	0.339	3.10	0.96	0.351	1.61	7.81	0.091	0.068	133
576B	6	6	0.76	58.22	0.24	2.31	6.87	23.5	0.393	3.35	1.12	0.381	1.69	6.45	0.086	0.077	121
576	8	3	1.47	58.57	0.30	2.31	7.02	24.2	0.380	3.38	1.01	0.416	1.14	5.77	0.074	0.070	116
576	8	4	0.03	58.63	0.27	2.32	6.91	23.7	0.393	3.32	1.08	0.392	1.40	5.98	0.083	0.066	112
576	8	4	0.13	58.73	0.31	2.35	6.89	23.6	0.558	3.36	1.43	0.391	0.97	6.23	0.073	0.071	108
576B	6	6	1.36	58.82	0.26	2.33	6.90	23.7	0.374	3.36	1.00	0.397	1.27	5.83	0.079	0.076	115
576	8	4	0.23	58.83	0.28	2.46	6.28	23.0	0.430	3.13	1.96	0.358	1.41	6.50	0.088	0.062	124
576	8	6	0.77	62.37	0.30	2.38	6.92	24.0	0.431	3.34	1.09	0.382	1.52	5.86	0.159	0.055	113
576B	7	3	1.45	62.45	0.27	2.47	6.97	24.4	0.364	3.38	0.94	0.410	1.23	5.46	0.118	0.087	109
576	8	6	0.90	62.50	0.26	2.46	6.84	24.4	0.295	3.35	0.80	0.389	1.21	5.36	0.102	0.042	118
576B	7	4	0.91	63.41	0.17	2.51	6.82	24.3	0.303	3.41	0.81	0.376	1.23	5.05	0.084	0.059	121
576	8	7	0.39	63.49	0.20	2.53	6.99	24.7	0.339	3.46	0.81	0.394	1.16	5.09	0.083	0.044	121
576	8	0	0.06	63.59	0.22	2.56	6.86	24.7	0.286	3.38	0.76	0.377	1.22	5.19	0.084	0.043	124
576B	7	4	1.28	63.78	0.22	2.42	6.91	24.1	0.451	3.50	1.28	0.383	1.30	5.13	0.085	0.065	111
576B	7	5	0.79	64.79	0.21	2.49	6.77	24.6	0.378	3.41	1.02	0.395	1.24	5.08	0.089	0.066	110
576B	7	6	0.46	65.96	0.07	2.84	6.50	24.8	0.348	3.09	0.82	0.388	0.95	4.89	0.088	0.056	138
576B	7	6	0.89	66.39	0.06	2.86	6.61	25.3	0.305	3.18	0.72	0.400	0.76	4.75	0.079	0.055	133
576B	7	7	0.30	67.30	0.06	2.92	6.52	24.9	0.426	3.05	0.99	0.382	0.93	4.75	0.088	0.051	139
576B	8	2	0.81	69.76	0.27	2.39	6.51	24.0	0.358	3.52	2.09	0.385	1.00	4.82	0.090	0.052	102
576B	8	3	0.29	70.74	0.12	2.76	6.61	25.1	0.286	3.22	0.70	0.393	0.99	4.86	0.096	0.044	126
576B	8	3	0.65	71.10	0.16	2.61	6.60	24.8	0.507	3.37	1.17	0.399	1.03	4.88	0.093	0.070	117
576B	8	3	0.96	71.41	0.19	2.57	6.18	23.5	0.345	3.12	2.66	0.384	0.96	4.88	0.087	0.057	116
576B	8	4	0.21	72.16	0.25	2.65	6.52	24.7	0.466	3.27	1.20	0.388	1.23	5.95	0.087	0.059	108
576B	8	4	0.41	72.36	0.38	2.50	6.24	23.7	0.479	3.36	1.33	0.347	1.59	6.22	0.094	0.075	103
576B	8	4	0.99	72.94	0.37	2.46	6.00	23.4	0.575	3.25	2.41	0.363	1.32	6.01	0.093	0.070	100
576B	8	5	0.58	74.03	0.24	2.73	6.36	25.6	0.337	3.39	0.84	0.400	0.77	5.52	0.083	0.057	109
576B	8	5	1.42	74.87	0.20	2.98	6.50	25.5	0.302	3.19	0.78	0.405	0.85	5.38	0.084	0.056	113
576B	8	6	0.44	75.39	0.19	3.03	6.33	25.3	0.266	3.16	1.10	0.397	0.82	5.18	0.086	0.052	112

Table 6. Elemental abundance (wt. %) and water content (% dry wt.) of Hole 578 sediment samples.

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Tl	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17319	1 1	0.16	0.16	0.46	1.51	6.72	27.2	0.068	1.95	0.86	0.360	0.59	4.28	0.107	0.061	167
DP17321	1 1	0.53	0.53	0.50	1.57	6.81	26.6	0.067	2.02	0.97	0.363	0.31	4.44	0.109	0.080	151
DP17323	1 1	0.86	0.86	0.31	1.76	6.92	27.1	0.053	2.23	0.65	0.370	0.14	3.99	0.094	0.036	206
DP17324	1 1	1.06	1.06	0.22	1.78	6.94	26.8	0.053	2.26	0.67	0.379	0.20	3.95	0.091	0.061	215
DP17325	1 1	1.26	1.26	0.26	1.83	7.05	27.0	0.053	2.35	0.58	0.386	0.18	4.24	0.092	0.062	188
DP17326	1 1	1.46	1.46	0.33	1.81	7.04	27.0	0.053	2.35	0.62	0.391	0.15	4.27	0.088	0.062	175
DP17327	1 2	0.06	1.56	0.32	1.84	7.03	26.7	0.053	2.34	0.68	0.395	0.14	4.40	0.084	0.062	170
DP17329	1 2	0.50	2.00	0.38	1.73	6.98	27.0	0.053	2.28	0.78	0.386	0.11	4.44	0.089	0.067	166
DP17333	1 2	1.26	2.76	0.84	0.95	5.92	27.9	0.043	1.98	1.13	0.238	0.11	2.42	0.084	0.034	105
DP17334	1 2	1.46	2.96	0.36	1.73	7.10	27.0	0.052	2.33	0.75	0.393	0.10	4.19	0.093	0.079	169
DP17335	1 3	0.06	3.06	0.40	1.69	7.04	27.0	0.052	2.24	0.84	0.388	0.10	4.26	0.094	0.070	167
DP17336	1 3	0.27	3.27	0.40	1.70	7.12	26.9	0.053	2.25	0.85	0.392	0.10	4.41	0.100	0.063	158
DP17337	1 3	0.46	3.46	0.51	1.77	7.12	26.8	0.056	2.25	0.98	0.401	0.11	4.74	0.100	0.061	133
DP17338	1 3	0.66	3.66	0.44	1.72	7.03	26.7	0.056	2.20	0.91	0.391	0.10	4.64	0.102	0.055	156
DP17339	1 3	0.86	3.86	0.51	1.82	7.10	26.5	0.056	2.12	1.32	0.410	0.10	5.04	0.086	0.056	136
DP17343	2 1	0.06	4.86	0.29	1.69	6.68	27.4	0.049	2.14	0.87	0.381	0.25	4.19	0.078	0.054	200
DP17345	2 1	0.43	5.23	0.38	1.73	6.74	27.1	0.052	2.18	0.90	0.378	0.63	4.14	0.079	0.058	183
DP17347	2 1	0.86	5.66	0.29	1.72	6.81	27.0	0.050	2.31	0.65	0.376	0.18	4.19	0.087	0.175	171
DP17349	2 1	1.26	6.06	0.31	1.77	6.96	27.3	0.050	2.39	0.66	0.392	0.20	4.16	0.085	0.069	166
DP17353	2 2	0.46	6.76	0.24	1.68	6.69	27.4	0.049	2.19	0.80	0.368	0.14	4.04	0.088	0.117	194
DP17355	2 2	0.86	7.16	0.33	1.72	6.88	27.0	0.051	2.27	0.80	0.385	0.17	4.22	0.083	0.364	173
DP17357	2 2	1.26	7.56	0.44	1.70	6.85	27.1	0.048	2.11	1.17	0.375	0.10	4.44	0.091	0.060	169
DP17359	2 3	0.16	7.96	0.56	1.43	6.44	27.9	0.050	1.83	1.33	0.374	0.09	4.10	0.099	0.055	172
DP17361	2 3	0.66	8.46	0.61	1.37	6.30	27.3	0.049	1.93	1.15	0.346	0.10	4.01	0.093	0.053	152
DP17362	2 3	0.86	8.66	0.41	1.79	7.04	26.9	0.049	2.28	0.93	0.412	0.11	4.58	0.080	0.056	160
DP17363	2 3	1.06	8.86	0.52	1.62	6.84	27.2	0.047	2.12	1.06	0.392	0.10	4.16	0.091	0.065	143
DP17365	2 3	1.44	9.24	0.41	1.70	6.84	27.0	0.048	2.26	0.83	0.369	0.12	4.45	0.087	0.067	164
DP17367	2 4	0.26	9.56	0.46	1.61	6.74	27.4	0.046	2.26	0.83	0.377	0.09	4.16	0.095	0.066	148
DP17369	2 4	0.64	9.94	0.49	1.68	6.81	26.9	0.048	2.21	0.87	0.376	0.11	4.65	0.094	0.065	151
DP17371	2 4	1.06	10.36	0.50	1.64	6.78	27.3	0.051	2.38	0.84	0.370	0.10	4.30	0.097	0.065	134
DP17373	2 4	1.46	10.76	0.40	1.73	6.97	27.0	0.050	2.35	0.84	0.392	0.18	4.02	0.090	0.091	145
DP17375	2 5	0.26	11.06	0.39	1.78	6.99	26.3	0.049	2.35	0.77	0.387	0.12	4.22	0.098	0.119	151
DP17377	2 5	0.66	11.46	0.46	1.77	7.16	26.7	0.050	2.32	0.93	0.405	0.10	4.34	0.084	0.079	145
DP17379	2 5	1.06	11.86	0.48	1.67	7.10	27.0	0.051	2.18	1.00	0.403	0.10	4.36	0.092	0.061	148
DP17381	2 6	0.06	12.36	0.48	1.65	6.82	26.8	0.049	2.12	1.10	0.363	0.10	4.48	0.097	0.076	153
DP17383	3 1	0.04	14.34	0.84	1.47	6.40	27.0	0.054	1.69	1.59	0.378	0.13	4.73	0.086	0.059	119
DP17385	3 1	0.46	14.76	0.43	1.77	6.94	26.9	0.052	2.31	0.90	0.408	0.34	4.05	0.088	0.066	139
DP17387	3 1	0.86	15.16	0.34	1.81	7.00	26.9	0.049	2.38	0.70	0.404	0.13	4.27	0.087	0.080	154
DP17391	3 2	0.06	15.86	0.57	1.52	6.46	27.3	0.049	1.94	1.23	0.356	0.26	3.87	0.081	0.059	126
DP17393	3 2	0.46	16.26	0.43	1.70	6.82	27.0	0.052	2.28	0.85	0.382	0.44	3.91	0.084	0.052	152
DP17395	3 2	0.86	16.66	0.54	1.76	6.63	26.0	0.191	2.08	1.47	0.363	2.13	3.85	0.087	0.063	150
DP17397	3 2	1.26	17.06	0.42	1.62	6.83	27.0	0.047	2.13	1.05	0.395	0.09	4.21	0.086	0.064	160
DP17398	3 2	1.46	17.26	0.45	1.70	7.09	26.8	0.049	2.26	0.94	0.398	0.09	4.25	0.085	0.067	141
DP17399	3 3	0.06	17.36	0.45	1.54	6.65	27.1	0.049	2.20	0.86	0.338	0.10	3.84	0.089	0.060	150
DP17400	3 3	0.26	17.56	0.53	1.39	6.33	27.3	0.047	1.87	1.10	0.338	0.09	3.91	0.089	0.055	164
DP17401	3 3	0.46	17.76	0.62	1.43	6.61	27.4	0.047	1.75	1.51	0.359	0.11	4.44	0.081	0.058	136
DP17403	3 3	0.83	18.13	0.45	1.51	6.69	27.0	0.050	2.10	0.84	0.344	0.10	4.05	0.093	0.055	159
DP17405	3 3	1.26	18.56	0.54	1.23	6.35	27.6	0.046	2.29	0.77	0.305	0.09	3.23	0.085	0.045	137
DP17407	3 4	0.06	18.86	0.54	1.38	6.72	27.5	0.049	2.26	0.84	0.335	0.09	3.71	0.087	0.047	149
DP17409	3 4	0.46	19.26	0.44	1.77	7.12	26.8	0.052	2.41	0.69	0.396	0.10	4.67	0.086	0.064	145
DP17411	3 4	0.86	19.66	0.60	1.61	7.07	26.4	0.065	2.28	1.16	0.412	0.11	4.31	0.085	0.051	134
DP17413	3 4	1.26	20.06	0.52	1.55	6.99	27.2	0.055	2.14	0.97	0.383	0.09	4.08	0.090	0.051	144
DP17415	3 5	0.06	20.36	0.79	1.37	6.59	26.8	0.063	2.01	1.34	0.373	0.10	3.89	0.084	0.053	120
DP17417	3 5	0.46	20.76	0.58	1.64	7.03	26.9	0.051	2.29	0.91	0.384	0.09	4.34	0.091	0.065	122
DP17419	3 5	0.86	21.16	0.57	1.61	6.59	27.1	0.051	2.11	1.10	0.358	0.11	4.63	0.089	0.048	147
DP17421	3 5	1.26	21.56	0.59	1.45	6.69	27.2	0.049	2.12	1.04	0.350	0.09	3.92	0.092	0.085	137
DP17423	3 6	0.06	21.86	0.61	1.36	6.60	27.3	0.051	2.51	0.96	0.316	0.08	3.49	0.084	0.054	118
DP17425	3 6	0.50	22.30	0.33	1.72	7.01	27.0	0.049	2.38	0.71	0.389	0.09	3.96	0.096	0.063	156
DP17427	3 6	0.86	22.66	0.45	1.54	6.66	27.2	0.046	2.54	0.69	0.351	0.11	3.35	0.091	0.073	130
DP17429	3 7	0.06	23.36	0.34	1.73	7.00	27.0	0.050	2.33	0.78	0.398	0.18	4.00	0.088	0.066	151
DP17431	3 7	0.46	23.76	0.32	1.77	7.11	26.9	0.047	2.37	0.72	0.402	0.13	4.26	0.093	0.081	162
DP17433	4 1	0.26	24.06	0.35	1.79	6.89	27.1	0.048	2.34	0.71	0.390	0.17	4.20	0.088	0.065	152
DP17435	4 1	0.66	24.46	0.38	1.76	6.99	27.0	0.049	2.35	0.81	0.402	0.15	4.09	0.088	0.082	149
DP17437	4 1	1.13	24.93	0.32	1.73	6.96	26.8	0.049	2.32	0.77	0.394	0.13	4.33	0.086	0.071	160

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Chemical Elements (ppm)													
				Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O	
DP17439	4	1	1.45	25.25	0.29	1.84	7.01	26.8	0.049	2.42	0.71	0.399	0.20	4.44	0.091	0.086	160
DP17443	4	2	0.66	25.96	0.45	1.80	7.12	26.9	0.048	2.35	0.79	0.399	0.11	4.62	0.090	0.071	135
DP17445	4	2	1.08	26.38	0.58	1.69	7.11	26.7	0.051	2.21	1.00	0.409	0.11	4.30	0.082	0.075	121
DP17447	4	2	1.46	26.76	0.51	1.59	7.07	27.0	0.048	2.20	0.91	0.385	0.09	4.20	0.091	0.070	133
DP17457	4	3	0.26	27.06	0.57	1.63	6.88	27.0	0.050	2.26	0.98	0.390	0.09	4.19	0.087	0.055	119
DP17459	4	3	0.66	27.46	0.44	1.68	7.08	27.4	0.048	2.25	0.86	0.390	0.11	4.43	0.093	0.074	154
DP17463	4	3	1.46	28.26	0.56	1.64	6.71	27.2	0.051	2.25	0.77	0.358	0.11	4.70	0.092	0.058	134
DP17465	4	5	0.32	30.12	0.40	1.90	7.09	26.3	0.048	2.53	0.57	0.395	0.12	4.48	0.088	0.079	134
DP17467	4	5	0.66	30.46	0.47	1.80	7.23	26.6	0.049	2.44	0.76	0.400	0.09	4.32	0.090	0.067	127
DP17469	4	5	1.06	30.86	0.48	1.62	6.77	26.8	0.048	2.18	0.89	0.361	0.10	4.32	0.094	0.055	147
DP17471	4	5	1.46	31.26	0.55	1.68	6.91	27.0	0.054	2.30	0.76	0.373	0.12	4.43	0.089	0.061	131
DP17473	4	6	0.26	31.56	0.54	1.65	6.98	27.0	0.053	2.26	0.79	0.371	0.16	4.42	0.086	0.055	130
DP17474	4	6	0.46	31.76	0.51	1.68	7.08	26.9	0.053	2.41	0.76	0.374	0.09	4.27	0.089	0.057	126
DP17477	4	6	1.14	32.44	0.52	1.72	7.05	26.8	0.055	2.35	0.81	0.394	0.12	4.73	0.090	0.062	129
DP17479	5	1	0.47	33.77	0.49	1.77	7.18	27.2	0.052	2.44	0.69	0.402	0.44	4.50	0.082	0.053	130
DP17481	5	1	1.26	34.56	0.52	1.58	6.68	27.6	0.050	2.24	0.82	0.355	0.10	4.44	0.096	0.062	143
DP17483	5	2	0.06	34.86	0.56	1.65	6.93	26.7	0.055	2.37	0.74	0.374	0.12	4.49	0.085	0.058	123
DP17485	5	2	0.51	35.31	0.57	1.58	6.88	26.9	0.055	2.18	1.02	0.379	0.10	4.34	0.085	0.058	133
DP17487	5	2	0.85	35.65	0.57	1.79	7.06	27.0	0.058	2.45	0.74	0.416	0.15	4.73	0.095	0.061	108
DP17489	5	2	1.26	36.06	0.46	1.77	7.19	26.7	0.054	2.44	0.69	0.401	0.10	4.47	0.093	0.064	129
DP17491	5	3	0.06	36.36	0.46	1.63	6.85	27.4	0.052	2.30	0.76	0.382	0.10	4.39	0.094	0.052	142
DP17493	5	3	0.45	36.75	0.56	1.49	6.76	27.3	0.053	2.18	0.98	0.356	0.10	4.19	0.086	0.059	163
DP17495	5	3	0.86	37.16	0.55	1.60	7.01	27.1	0.053	2.22	0.91	0.387	0.09	4.44	0.094	0.062	131
DP17499	5	4	0.06	37.86	0.49	1.69	7.13	26.7	0.051	2.21	1.15	0.397	0.10	4.64	0.082	0.051	134
DP17503	5	4	0.86	38.66	0.51	1.59	6.90	27.3	0.051	2.05	1.14	0.377	0.09	4.17	0.090	0.059	114
DP17509	5	5	0.46	39.76	0.49	1.70	7.11	27.4	0.050	2.52	0.92	0.400	0.09	3.95	0.089	0.055	123
DP17511	5	5	0.86	40.16	0.43	1.59	6.77	27.4	0.046	2.10	0.95	0.359	0.10	4.04	0.088	0.052	153
DP17513	5	5	1.28	40.58	0.33	1.83	7.28	26.8	0.044	2.52	0.59	0.413	0.10	4.16	0.093	0.076	155
DP17515	5	6	0.06	40.86	0.44	1.88	7.32	26.5	0.045	2.62	0.58	0.408	0.10	4.14	0.087	0.081	126
DP17517	5	6	0.46	41.26	0.41	1.65	6.95	27.1	0.051	2.35	0.72	0.365	0.09	4.00	0.095	0.049	153
DP17519	5	6	0.86	41.66	0.49	1.77	7.08	26.5	0.051	2.43	0.69	0.394	0.12	4.59	0.087	0.061	131
DP17521	5	6	1.26	42.06	0.46	1.78	7.13	26.7	0.051	2.46	0.66	0.390	0.09	4.35	0.101	0.069	138
DP17523	5	7	0.22	42.52	0.62	1.27	6.11	27.6	0.045	2.57	0.69	0.277	0.10	3.43	0.095	0.053	119
DP17525	6	1	0.06	42.86	0.45	1.49	6.67	27.8	0.048	2.40	0.67	0.342	0.12	3.90	0.102	0.046	152
DP17527	6	1	0.67	43.47	0.45	1.62	6.10	27.2	0.045	2.21	0.63	0.316	0.14	4.74	0.108	0.064	168
DP17529	6	1	1.06	43.86	0.44	1.77	6.91	26.9	0.048	2.46	0.63	0.374	0.37	4.15	0.086	0.071	149
DP17531	6	1	1.46	44.26	0.57	1.32	6.51	27.6	0.055	2.55	0.91	0.303	0.15	3.07	0.092	0.055	125
DP17533	6	2	0.26	44.56	0.45	1.62	6.83	27.6	0.052	2.30	0.79	0.357	0.12	4.07	0.091	0.059	153
DP17535	6	2	0.66	44.96	0.58	1.47	6.51	27.4	0.045	2.54	0.64	0.326	0.12	3.58	0.090	0.061	109
DP17537	6	2	1.06	45.36	0.44	1.45	6.32	27.5	0.047	2.29	0.79	0.336	0.10	3.72	0.094	0.045	150
DP17539	6	2	1.46	45.76	0.51	1.51	6.74	27.7	0.051	2.07	1.19	0.363	0.10	4.19	0.093	0.049	156
DP17541	6	3	0.26	46.06	0.52	1.63	6.83	27.0	0.051	2.51	0.79	0.366	0.12	4.37	0.097	0.055	128
DP17543	6	3	0.63	46.43	0.46	1.77	7.15	26.7	0.050	2.46	0.74	0.403	0.08	4.44	0.088	0.064	133
DP17549	6	4	0.24	47.54	0.54	1.63	6.99	27.1	0.047	2.17	1.30	0.386	0.09	4.07	0.083	0.050	119
DP17551	6	4	0.66	47.96	0.52	1.45	6.49	27.1	0.048	2.22	0.79	0.328	0.09	3.56	0.086	0.072	136
DP17553	6	4	1.06	48.36	0.55	1.99	5.78	26.7	0.044	2.07	0.59	0.308	0.20	6.36	0.077	0.062	159
DP17555	6	4	1.46	48.76	0.58	1.49	6.74	26.9	0.051	2.25	0.94	0.349	0.08	3.84	0.093	0.049	119
DP17557	6	5	0.26	49.06	0.52	1.57	6.75	27.4	0.054	2.16	0.80	0.367	0.09	4.24	0.084	0.050	151
DP17559	6	5	0.66	49.46	0.57	1.73	6.57	26.8	0.051	2.20	0.74	0.353	0.12	4.98	0.083	0.057	139
DP17563	6	5	1.46	50.26	0.33	1.73	6.68	27.1	0.046	2.30	0.59	0.360	0.11	4.55	0.092	0.082	178
DP17565	6	6	0.34	50.64	0.68	1.94	7.11	26.0	0.058	2.15	0.99	0.341	4.38	3.56	0.094	0.056	123
DP17567	6	6	0.86	51.16	0.52	1.36	6.43	27.3	0.048	2.28	0.87	0.336	0.08	3.32	0.095	0.054	139
DP17569	6	7	0.03	51.83	0.50	1.66	6.74	26.7	0.047	2.23	0.88	0.378	0.11	4.25	0.088	0.057	134
DP17571	6	7	0.43	52.23	0.52	1.69	6.97	26.9	0.045	2.27	1.00	0.400	0.13	4.03	0.090	0.080	133
DP17573	7	1	0.46	52.66	0.44	1.82	7.12	26.6	0.050	2.41	0.81	0.396	0.10	4.45	0.088	0.065	145
DP17577	7	1	1.26	53.46	0.42	1.62	6.76	27.3	0.052	2.19	0.89	0.378	0.11	4.26	0.094	0.057	164
DP17581	7	2	0.46	54.16	0.37	1.83	7.16	26.5	0.050	2.46	0.64	0.393	0.10	4.41	0.094	0.075	147
DP17583	7	2	0.86	54.56	0.63	1.49	6.55	27.2	0.047	1.80	1.43	0.363	0.11	4.38	0.084	0.052	130
DP17585	7	2	1.31	55.01	0.45	1.66	6.75	27.3	0.051	2.23	0.80	0.377	0.11	4.56	0.088	0.057	164
DP17589	7	3	0.46	55.66	0.50	1.56	6.82	27.4	0.051	2.13	0.98	0.378	0.11	3.82	0.091	0.053	139
DP17591	7	3	0.86	56.06	0.46	1.52	6.66	27.4	0.050	1.95	1.12	0.369	0.11	4.33	0.089	0.047	174
DP17593	7	3	1.26	56.46	0.56	1.48	6.56	27.2	0.049	1.88	1.39	0.366	0.11	4.60	0.090	0.051	151
DP17595	7	4	0.06	56.76	0.52	1.57	6.34	27.3	0.052	2.03	0.96	0.343	0.13	4.77	0.086	0.058	160
DP17599	7	4	0.86	57.56	0.47	1.71	6.96	26.4	0.051	2.32	0.78	0.388	0.12	4.40	0.089	0.054	137

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17601	7	4	1.26	57.96	0.70	1.30	6.53	27.7	0.054	2.07	1.22	0.328	0.11	3.63	0.090	0.053	124
DP17602	7	4	1.46	58.16	0.55	1.56	6.73	26.6	0.051	2.25	0.85	0.363	0.11	4.36	0.089	0.056	128
DP17603	7	5	0.06	58.26	0.62	1.48	6.64	27.2	0.052	2.16	0.91	0.348	0.11	4.22	0.084	0.053	122
DP17605	7	5	0.46	58.66	0.59	1.44	6.45	27.2	0.052	1.96	1.29	0.340	0.10	4.22	0.082	0.052	138
DP17609	7	5	1.26	59.46	0.62	1.43	6.47	27.3	0.053	2.03	1.08	0.343	0.11	4.11	0.084	0.056	133
DP17611	7	6	0.06	59.76	0.54	1.42	6.54	27.4	0.052	1.99	1.06	0.354	0.13	4.25	0.091	0.055	141
DP17613	7	6	0.45	60.15	0.83	1.05	5.89	28.0	0.047	1.78	1.07	0.279	0.11	3.08	0.080	0.040	104
DP17615	7	6	0.86	60.56	0.60	1.53	6.32	27.5	0.048	2.02	0.99	0.344	0.11	4.72	0.102	0.060	137
DP17617	7	6	1.26	60.96	0.53	1.73	7.08	27.0	0.052	2.44	0.71	0.399	0.09	4.56	0.089	0.062	127
DP17619	7	7	0.11	61.31	0.66	1.47	6.51	27.6	0.045	2.32	0.70	0.338	0.09	4.01	0.081	0.053	114
DP17620	7	7	0.46	61.66	0.46	1.71	6.97	26.9	0.049	2.38	0.73	0.399	0.11	4.37	0.087	0.065	146
DP17625	8	1	0.92	62.72	0.38	1.94	6.49	27.0	0.046	2.31	0.61	0.365	0.16	5.19	0.100	0.074	165
DP17627	8	1	1.26	63.06	0.47	1.97	7.30	26.7	0.050	2.53	0.69	0.393	1.40	4.05	0.091	0.076	128
DP17629	8	2	0.06	63.36	0.52	1.54	6.82	27.1	0.045	2.55	0.75	0.360	0.09	3.47	0.088	0.062	122
DP17631	8	2	0.46	63.76	0.57	1.59	6.24	27.2	0.045	2.30	0.74	0.318	0.14	4.34	0.091	0.068	144
DP17633	8	2	0.86	64.16	0.39	1.73	7.02	27.0	0.047	2.43	0.79	0.400	0.10	4.08	0.093	0.070	147
DP17635	8	2	1.26	64.56	0.53	1.30	6.94	31.0	0.050	3.06	0.81	0.349	0.11	3.88	0.120	0.030	132
DP17637	8	3	0.06	64.86	0.81	0.89	6.21	31.0	0.044	2.76	1.35	0.248	0.11	2.71	0.116	0.027	89
DP17639	8	3	0.46	65.26	0.47	1.90	7.28	26.5	0.049	2.53	0.61	0.404	0.30	4.34	0.092	0.072	129
DP17641	8	3	0.86	65.66	0.47	1.50	6.64	27.6	0.048	2.19	0.78	0.353	0.10	4.02	0.097	0.055	157
DP17643	8	3	1.26	66.06	0.52	1.83	7.07	26.9	0.049	2.56	0.68	0.401	0.16	4.87	0.096	0.070	131
DP17645	8	4	0.06	66.36	0.40	1.81	7.28	26.7	0.048	2.46	0.67	0.400	0.22	4.45	0.087	0.048	148
DP17647	8	4	0.48	66.78	0.72	1.03	5.98	27.9	0.041	2.53	0.91	0.255	0.10	3.01	0.097	0.047	107
DP17649	8	4	0.86	67.16	0.47	1.50	6.54	27.2	0.050	2.24	0.78	0.358	0.11	4.26	0.091	0.052	148
DP17651	8	4	1.26	67.56	0.47	1.72	6.96	26.7	0.050	2.38	0.76	0.386	0.15	4.47	0.093	0.064	137
DP17653	8	5	0.06	67.86	0.46	1.60	6.82	27.1	0.051	2.26	0.89	0.386	0.11	4.39	0.090	0.046	146
DP17655	8	5	0.46	68.26	0.53	1.68	6.87	26.5	0.050	2.43	0.69	0.375	0.14	4.55	0.089	0.060	123
DP17657	8	5	0.86	68.66	0.87	0.61	5.36	28.5	0.037	3.11	0.62	0.154	0.09	1.97	0.090	0.019	74
DP17659	8	5	1.23	69.03	0.54	1.49	6.54	27.0	0.054	2.17	0.89	0.356	0.11	4.19	0.091	0.051	135
DP17661	8	6	0.06	69.36	0.58	1.45	6.46	26.7	0.051	2.01	1.06	0.339	0.12	4.19	0.079	0.052	139
DP17663	8	6	0.46	69.76	0.59	1.69	7.08	26.6	0.137	2.42	1.03	0.400	0.23	4.50	0.087	0.059	107
DP17665	8	6	0.91	70.21	0.63	1.47	6.65	26.8	0.053	1.97	1.28	0.358	0.11	4.14	0.086	0.050	129
DP17667	8	6	1.26	70.56	0.61	1.60	6.73	26.5	0.052	2.23	0.95	0.370	0.13	4.60	0.093	0.055	112
DP17669	8	7	0.05	70.85	0.57	1.68	6.94	26.3	0.046	2.37	0.80	0.383	0.14	4.63	0.097	0.052	111
DP17671	8	7	0.36	71.16	0.82	1.24	6.17	27.1	0.047	1.50	1.69	0.327	0.12	4.00	0.085	0.044	104
DP17673	9	1	0.31	71.61	0.53	1.77	7.81	30.3	0.060	2.58	0.98	0.435	0.28	4.75	0.111	0.048	123
DP17678	9	1	1.26	72.56	0.56	1.53	6.75	26.6	0.050	2.17	0.92	0.367	0.13	4.24	0.084	0.053	131
DP17679	9	1	1.46	72.76	0.54	1.54	6.87	27.0	0.050	2.26	0.90	0.379	0.12	4.41	0.091	0.050	123
DP17681	9	2	0.26	73.06	0.47	1.78	7.33	26.6	0.051	2.48	0.74	0.416	0.18	4.58	0.096	0.061	123
DP17683	9	2	0.67	73.47	0.57	1.56	6.68	27.1	0.050	1.93	1.38	0.379	0.12	4.82	0.078	0.042	139
DP17685	9	2	1.06	73.86	0.49	1.62	6.94	26.9	0.051	2.31	0.73	0.385	0.17	4.33	0.090	0.054	130
DP17687	9	2	1.46	74.26	0.65	1.20	6.03	27.3	0.047	2.06	0.93	0.312	0.10	3.59	0.082	0.037	121
DP17689	9	3	0.26	74.56	0.82	1.21	6.38	27.5	0.047	2.47	0.86	0.351	0.11	3.66	0.093	0.043	112
DP17693	9	3	1.06	75.36	0.49	1.61	6.98	26.5	0.050	2.53	0.66	0.362	0.14	4.35	0.099	0.054	128
DP17695	9	3	1.46	75.76	0.50	1.46	6.68	27.3	0.048	2.15	0.93	0.358	0.10	4.20	0.097	0.047	151
DP17699	9	4	0.66	76.46	0.60	1.51	6.78	27.5	0.051	2.02	1.37	0.369	0.11	4.69	0.087	0.045	136
DP17701	9	4	1.06	76.86	0.60	1.35	6.43	26.9	0.051	2.12	0.87	0.334	0.12	3.93	0.095	0.047	117
DP17703	9	4	1.46	77.26	0.62	1.46	6.58	27.0	0.057	1.94	1.19	0.366	0.13	4.53	0.081	0.045	142
DP17705	9	5	0.25	77.55	0.78	1.56	6.70	26.2	0.064	1.67	2.02	0.417	0.17	5.39	0.076	0.041	112
DP17707	9	5	0.66	77.96	0.62	1.54	6.76	26.7	0.053	1.94	1.31	0.377	0.22	4.80	0.079	0.047	133
DP17709	9	5	1.00	78.30	0.48	1.52	6.79	26.7	0.052	2.15	0.93	0.369	0.16	4.54	0.089	0.045	149
DP17713	9	6	0.46	79.26	0.75	1.14	6.00	27.4	0.044	2.05	1.22	0.292	0.11	3.59	0.077	0.031	99
DP17715	9	6	0.86	79.66	0.60	1.47	6.77	26.9	0.051	2.37	0.89	0.348	0.15	4.19	0.084	0.045	117
DP17717	9	6	1.26	80.06	0.58	1.65	6.89	26.6	0.049	2.26	1.05	0.389	0.14	4.67	0.084	0.054	124
DP17719	9	7	0.06	80.36	0.62	1.49	6.80	27.3	0.050	2.27	0.88	0.363	0.17	4.13	0.090	0.052	113
DP17722	10	1	0.28	81.08	0.59	1.49	6.93	27.5	0.052	2.39	0.90	0.360	0.16	4.32	0.085	0.051	121
DP17723	10	1	0.46	81.26	0.58	1.42	6.67	27.0	0.051	2.40	0.84	0.335	0.15	4.06	0.083	0.049	126
DP17724	10	1	0.78	81.58	0.58	1.58	6.85	26.8	0.048	2.06	1.14	0.372	0.17	4.64	0.093	0.051	125
DP17725	10	1	0.96	81.76	0.58	1.51	6.70	26.9	0.049	2.03	1.04	0.358	0.15	4.52	0.086	0.057	143
DP17727	10	1	1.30	82.10	0.54	1.52	6.74	27.3	0.050	2.08	0.93	0.365	0.13	4.41	0.081	0.052	144
DP17728	10	1	1.46	82.26	0.55	1.58	6.79	27.0	0.050	2.03	1.10	0.373	0.13	4.71	0.082	0.057	140
DP17729	10	2	0.06	82.36	0.58	1.48	6.70	27.1	0.050	1.91	1.22	0.368	0.24	4.61	0.083	0.033	136
DP17730	10	2	0.24	82.54	0.72	1.33	6.46	26.8	0.052	1.89	1.26	0.353	0.27	4.19	0.079	0.042	111
DP17731	10	2	0.46	82.76	1.02	1.41	6.65	26.3	0.067	1.45	2.13	0.427	0.55	4.55	0.086	0.045	90

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17733	10	2	0.86	83.16	0.58	1.48	6.74	27.0	0.052	1.96	1.09	0.376	0.16	4.43	0.082	0.044	129
DP17735	10	2	1.26	83.56	0.65	1.53	6.96	26.5	0.053	1.84	1.31	0.379	0.16	4.63	0.078	0.045	119
DP17736	10	2	1.46	83.76	0.74	1.59	7.09	26.2	0.054	1.58	2.06	0.398	0.19	5.16	0.077	0.038	113
DP17737	10	3	0.06	83.86	0.65	1.57	6.87	26.5	0.054	1.83	1.37	0.381	0.17	4.85	0.080	0.047	121
DP17739	10	3	0.46	84.26	0.52	1.56	7.05	27.0	0.051	2.21	0.89	0.383	0.18	4.61	0.085	0.049	133
DP17741	10	3	0.86	84.66	0.48	1.65	7.23	26.5	0.052	2.34	0.74	0.389	0.47	4.69	0.093	0.041	129
DP17742	10	3	1.06	84.86	0.58	1.51	6.86	26.2	0.053	2.01	1.06	0.352	0.61	4.40	0.087	0.051	129
DP17743	10	3	1.26	85.06	0.55	1.56	7.06	26.7	0.053	2.14	0.98	0.375	0.27	4.62	0.089	0.048	131
DP17745	10	4	0.06	85.36	0.55	1.58	7.14	26.8	0.053	2.26	0.85	0.377	0.37	4.57	0.090	0.043	127
DP17747	10	4	0.46	85.76	0.52	1.51	6.89	27.1	0.050	2.27	0.81	0.364	0.21	4.35	0.084	0.049	132
DP17749	10	4	0.86	86.16	0.72	1.37	6.62	26.5	0.072	1.96	1.29	0.376	0.37	4.12	0.091	0.042	117
DP17751	10	4	1.26	86.56	0.67	1.43	6.66	26.7	0.055	1.96	1.28	0.389	0.14	4.41	0.085	0.035	125
DP17753	10	5	0.06	86.86	0.57	1.41	6.66	26.9	0.053	2.14	0.96	0.363	0.15	4.16	0.094	0.033	131
DP17755	10	5	0.46	87.26	0.52	1.55	7.00	27.1	0.063	2.23	0.80	0.365	0.40	4.48	0.088	0.051	137
DP17756	10	5	0.66	87.46	0.50	1.52	6.80	26.6	0.055	2.17	0.82	0.354	0.33	4.39	0.083	0.056	139
DP17757	10	5	0.86	87.66	0.56	1.49	6.81	26.3	0.049	1.97	1.09	0.348	0.47	4.37	0.080	0.040	123
DP17758	10	5	1.06	87.86	0.60	1.46	6.80	26.8	0.047	2.09	0.96	0.365	0.18	4.44	0.076	0.049	129
DP17759	10	5	1.26	88.06	0.55	1.58	6.95	26.5	0.044	2.00	1.20	0.381	0.18	4.84	0.072	0.041	131
DP17761	10	6	0.06	88.36	0.60	1.48	6.73	26.8	0.049	2.05	1.04	0.358	0.50	4.35	0.085	0.034	132
DP17763	10	6	0.46	88.76	0.53	1.65	7.02	26.4	0.049	2.12	1.02	0.368	0.34	4.57	0.083	0.048	142
DP17765	10	6	0.86	89.16	0.51	1.54	6.95	26.5	0.050	2.20	0.79	0.361	0.17	4.48	0.083	0.043	138
DP17767	11	1	0.26	90.56	0.48	1.44	6.75	27.1	0.047	2.24	0.80	0.352	0.24	4.28	0.095	0.048	131
DP17769	11	1	0.66	90.96	0.55	1.21	6.31	27.1	0.044	2.53	0.61	0.274	0.24	3.46	0.084	0.037	121
DP17771	11	1	1.06	91.36	0.57	1.47	7.00	29.1	0.057	2.10	1.12	0.393	0.19	4.90	0.096	0.030	128
DP17773	11	1	1.43	91.73	0.51	1.50	6.71	26.7	0.048	2.20	0.76	0.358	0.63	4.37	0.095	0.046	143
DP17775	11	2	0.26	92.06	0.48	1.47	6.75	26.5	0.047	2.12	0.83	0.350	0.27	4.40	0.076	0.045	139
DP17777	11	2	0.66	92.46	0.69	1.60	7.40	30.0	0.060	2.01	1.77	0.454	0.33	5.54	0.092	0.033	115
DP17779	11	2	1.06	92.86	0.52	1.33	6.62	27.4	0.047	2.10	0.86	0.332	0.16	4.11	0.081	0.033	136
DP17781	11	2	1.46	93.26	0.47	1.42	6.82	27.2	0.050	2.28	0.77	0.341	0.16	4.21	0.080	0.035	136
DP17782	11	3	0.06	93.36	0.48	1.48	6.78	27.2	0.047	2.13	0.85	0.347	0.36	4.26	0.086	0.049	142
DP17783	11	3	0.26	93.56	0.49	1.48	6.86	26.9	0.048	2.27	0.71	0.353	0.18	4.40	0.089	0.043	136
DP17785	11	3	0.66	93.96	0.45	1.45	6.90	27.1	0.053	2.27	0.68	0.357	0.29	4.38	0.086	0.041	139
DP17787	11	3	1.06	94.36	0.54	1.29	6.60	27.4	0.048	2.05	1.04	0.334	0.27	4.13	0.082	0.036	129
DP17788	11	3	1.26	94.56	0.36	1.59	7.53	31.2	0.055	2.59	0.69	0.401	0.30	5.18	0.107	0.044	150
DP17789	11	3	1.46	94.76	0.57	1.43	6.72	27.0	0.050	2.15	0.83	0.350	0.76	4.32	0.094	0.040	137
DP17791	11	4	0.26	95.06	0.48	1.45	6.69	26.8	0.047	2.20	0.66	0.344	0.19	4.20	0.101	0.051	136
DP17793	11	4	0.66	95.46	0.47	1.51	6.97	26.4	0.047	2.32	0.66	0.359	0.15	4.42	0.090	0.051	129
DP17795	11	4	1.06	95.86	0.48	1.52	7.22	26.8	0.050	2.38	0.63	0.364	0.17	4.42	0.085	0.046	123
DP17797	11	4	1.46	96.26	0.49	1.48	7.10	26.8	0.051	2.40	0.59	0.352	0.18	4.30	0.084	0.052	123
DP17798	11	5	0.06	96.36	0.47	1.41	6.97	26.7	0.051	2.41	0.59	0.340	0.20	4.06	0.086	0.048	116
DP17799	11	5	0.26	96.56	0.44	1.50	7.23	26.7	0.054	2.45	0.53	0.364	0.23	4.33	0.085	0.056	130
DP17801	11	5	0.66	96.96	0.52	1.53	7.32	26.8	0.054	2.41	0.62	0.374	0.24	4.39	0.085	0.051	115
DP17807	11	6	0.26	98.06	0.54	1.48	6.97	26.6	0.051	2.13	0.85	0.373	0.21	4.43	0.082	0.045	121
DP17809	11	6	0.66	98.46	0.72	1.24	6.51	26.3	0.051	2.01	1.08	0.323	0.19	3.96	0.069	0.037	104
DP17811	11	6	1.06	98.86	0.77	0.93	6.05	28.1	0.045	2.38	1.11	0.279	0.17	2.88	0.078	0.028	84
DP17812	11	6	1.26	99.06	0.58	1.54	6.80	26.4	0.047	2.00	1.16	0.375	0.61	5.02	0.079	0.054	132
DP17813	11	6	1.46	99.26	0.50	1.47	6.95	26.6	0.048	2.33	0.71	0.356	0.39	4.35	0.081	0.045	131
DP17815	11	7	0.21	99.51	0.73	0.90	5.86	28.0	0.039	2.55	0.90	0.255	0.14	2.88	0.081	0.020	86
DP17817	12	1	0.96	100.04	0.58	1.08	6.19	28.1	0.040	2.46	0.76	0.275	0.13	3.13	0.084	0.029	108
DP17819	12	1	1.46	100.54	0.66	0.86	5.86	28.0	0.038	2.52	0.95	0.244	0.12	2.84	0.082	0.023	103
DP17820	12	2	0.04	100.62	0.80	0.63	5.40	28.3	0.034	2.65	1.09	0.206	0.10	2.21	0.085	0.029	75
DP17821	12	2	0.34	100.92	0.43	1.54	7.08	26.8	0.049	2.30	0.66	0.373	0.58	4.50	0.084	0.043	142
DP17823	12	2	0.67	101.25	0.62	1.74	6.92	26.3	0.046	1.80	1.92	0.438	0.14	5.53	0.071	0.050	118
DP17825	12	2	1.06	101.64	0.52	1.58	6.95	26.4	0.048	2.19	0.83	0.364	0.17	4.54	0.080	0.050	129
DP17826	12	2	1.26	101.84	0.50	1.60	7.03	26.5	0.050	2.28	0.71	0.375	0.15	4.51	0.086	0.057	126
DP17827	12	2	1.46	102.04	0.46	1.50	6.95	26.7	0.051	2.31	0.61	0.364	0.14	4.38	0.088	0.047	139
DP17829	12	3	0.26	102.34	0.44	1.40	6.81	26.8	0.049	2.26	0.74	0.344	0.15	4.23	0.083	0.039	136
DP17831	12	3	0.66	102.74	0.49	1.48	6.94	26.9	0.051	2.17	0.88	0.375	0.19	4.59	0.085	0.048	138
DP17833	12	3	1.11	103.19	0.47	1.58	7.25	26.7	0.054	2.40	0.66	0.393	0.21	4.58	0.089	0.059	125
DP17834	12	4	0.06	103.64	0.49	1.52	7.21	26.6	0.054	2.13	1.12	0.379	0.22	4.67	0.080	0.042	124
DP17835	12	4	0.26	103.84	0.44	1.55	7.21	26.4	0.056	2.38	0.60	0.372	0.29	4.37	0.084	0.056	129
DP17837	12	4	0.66	104.24	0.44	1.47	6.87	26.4	0.051	2.26	0.76	0.360	0.21	4.38	0.085	0.049	139
DP17839	12	4	1.06	104.64	0.52	1.62	7.18	26.5	0.053	2.32	0.72	0.385	0.33	4.54	0.077	0.051	125
DP17841	12	4	1.46	105.04	0.62	1.18	6.29	27.4	0.043	2.79	0.52	0.262	0.26	2.91	0.088	0.027	80

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)													
					Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17843	12	5	0.26	105.34	0.51	1.58	7.26	26.7	0.058	2.45	0.57	0.366	0.34	4.30	0.076	0.048	119
DP17845	12	5	0.66	105.74	0.54	1.63	7.17	26.7	0.057	2.42	0.60	0.362	0.33	4.24	0.079	0.044	112
DP17847	12	5	1.06	106.14	0.46	1.60	7.12	26.8	0.063	2.39	0.61	0.366	0.40	4.24	0.081	0.043	131
DP17849	12	5	1.46	106.54	0.50	1.75	7.39	26.4	0.061	2.47	0.54	0.382	0.58	4.45	0.088	0.051	126
DP17851	12	6	0.86	107.44	0.58	1.25	6.60	27.3	0.046	2.78	0.54	0.288	0.28	3.34	0.085	0.034	100
DP17853	12	6	1.23	107.81	0.48	1.67	7.37	26.3	0.055	2.40	0.55	0.381	0.95	4.48	0.093	0.044	123
DP17855	13	1	0.26	109.56	0.42	1.37	6.89	26.7	0.049	2.46	0.47	0.338	0.18	3.97	0.082	0.038	125
DP17856	13	1	0.46	109.76	0.39	1.53	7.29	26.8	0.051	2.43	0.45	0.380	0.51	4.43	0.085	0.035	138
DP17857	13	1	0.66	109.96	0.40	1.45	7.11	26.8	0.050	2.39	0.47	0.365	0.29	4.32	0.085	0.033	135
DP17858	13	1	0.86	110.16	0.41	1.43	6.93	26.9	0.049	2.44	0.47	0.352	0.22	4.17	0.083	0.037	136
DP17859	13	1	1.06	110.36	0.36	1.44	6.98	26.9	0.049	2.37	0.43	0.363	0.21	4.30	0.083	0.030	142
DP17860	13	1	1.26	110.56	0.43	1.46	6.98	26.9	0.051	2.45	0.45	0.358	0.27	4.20	0.087	0.031	125
DP17861	13	1	1.46	110.76	0.45	1.35	6.76	27.2	0.048	2.44	0.47	0.330	0.39	3.90	0.086	0.032	131
DP17862	13	2	0.06	110.86	0.38	1.48	7.02	27.0	0.051	2.41	0.44	0.365	0.44	4.28	0.089	0.033	146
DP17863	13	2	0.26	111.06	0.41	1.46	7.02	27.2	0.051	2.38	0.49	0.364	0.32	4.25	0.086	0.039	145
DP17864	13	2	0.46	111.26	0.42	1.50	7.07	26.8	0.050	2.42	0.47	0.375	0.27	4.37	0.084	0.038	138
DP17865	13	2	0.66	111.46	0.40	1.49	7.12	26.9	0.051	2.37	0.52	0.374	0.23	4.46	0.084	0.034	140
DP17866	13	2	0.86	111.66	0.42	1.56	7.31	26.9	0.051	2.41	0.56	0.382	0.23	4.58	0.077	0.040	134
DP17867	13	2	1.06	111.86	0.44	1.55	7.16	26.1	0.049	2.38	0.48	0.369	0.22	4.47	0.085	0.044	131
DP17868	13	2	1.26	112.06	0.38	1.52	7.17	26.9	0.049	2.33	0.46	0.372	0.23	4.40	0.089	0.037	138
DP17869	13	2	1.46	112.26	0.38	1.52	7.17	26.7	0.048	2.36	0.47	0.369	0.23	4.42	0.087	0.037	137
DP17870	13	3	0.06	112.36	0.40	1.58	7.36	26.9	0.049	2.43	0.49	0.396	0.24	4.57	0.087	0.033	129
DP17871	13	3	0.26	112.56	0.38	1.50	7.07	26.4	0.049	2.35	0.52	0.372	0.32	4.54	0.079	0.027	140
DP17872	13	3	0.46	112.76	0.34	1.52	7.19	26.8	0.048	2.37	0.49	0.378	0.26	4.55	0.083	0.033	141
DP17873	13	3	0.66	112.96	0.45	1.81	7.49	26.2	0.049	2.34	0.49	0.392	0.32	4.71	0.087	0.043	120
DP17874	13	3	0.86	113.16	0.42	1.52	7.21	26.3	0.049	2.35	0.52	0.375	0.19	4.53	0.078	0.041	135
DP17875	13	3	1.06	113.36	0.37	1.60	7.33	26.5	0.051	2.43	0.47	0.385	0.30	4.57	0.082	0.040	136
DP17876	13	3	1.26	113.56	0.41	1.50	7.09	26.8	0.048	2.30	0.58	0.376	0.30	4.57	0.078	0.045	146
DP17877	13	3	1.46	113.76	0.38	1.55	7.23	27.0	0.049	2.42	0.52	0.385	0.22	4.60	0.076	0.036	138
DP17878	13	4	0.06	113.86	0.38	1.51	6.92	26.2	0.048	2.27	0.60	0.364	0.27	4.54	0.077	0.038	143
DP17879	13	4	0.26	114.06	0.40	1.51	7.13	26.7	0.048	2.32	0.63	0.378	0.20	4.63	0.080	0.034	130
DP17880	13	4	0.46	114.26	0.36	1.45	6.95	26.9	0.047	2.34	0.51	0.363	0.25	4.40	0.082	0.030	141
DP17881	13	4	0.66	114.46	0.39	1.34	6.69	27.0	0.045	2.43	0.60	0.323	0.16	3.99	0.085	0.027	129
DP17882	13	4	0.86	114.66	0.40	1.31	6.72	27.2	0.046	2.50	0.55	0.320	0.23	3.75	0.083	0.026	116
DP17883	13	4	1.06	114.86	0.46	1.54	7.22	26.6	0.049	2.40	0.50	0.390	0.34	4.53	0.084	0.050	131
DP17884	13	4	1.26	115.06	0.40	1.54	7.25	26.5	0.051	2.39	0.53	0.388	0.23	4.63	0.076	0.053	136
DP17885	13	4	1.46	115.26	0.47	1.68	7.34	26.5	0.051	2.39	0.60	0.405	0.18	4.76	0.082	0.057	124
DP17886	13	5	0.06	115.36	0.44	1.66	7.14	26.6	0.048	2.22	0.77	0.400	0.16	4.97	0.078	0.044	139
DP17887	13	5	0.26	115.56	0.47	1.53	7.09	26.9	0.049	2.42	0.58	0.360	0.16	4.30	0.084	0.047	123
DP17888	13	5	0.46	115.76	0.50	1.62	7.16	26.6	0.048	2.32	0.66	0.387	0.18	4.65	0.077	0.053	131
DP17889	13	5	0.66	115.96	0.45	1.58	7.32	26.7	0.051	2.36	0.58	0.392	0.18	4.59	0.079	0.036	126
DP17890	13	5	0.86	116.16	0.42	1.56	7.14	26.6	0.049	2.31	0.63	0.372	0.17	4.48	0.079	0.040	128
DP17891	13	5	1.06	116.36	0.47	1.77	7.43	26.3	0.050	2.32	0.63	0.406	0.20	4.95	0.083	0.053	131
DP17892	13	5	1.26	116.56	0.41	1.56	7.25	26.6	0.052	2.33	0.52	0.381	0.18	4.57	0.079	0.042	142
DP17893	13	5	1.46	116.76	0.45	1.61	7.21	26.4	0.054	2.36	0.55	0.381	0.20	4.64	0.082	0.051	133
DP17894	13	6	0.06	116.86	0.36	1.55	7.20	26.7	0.053	2.30	0.59	0.383	0.21	4.67	0.078	0.036	143
DP17895	13	6	0.26	117.06	0.47	2.08	7.42	26.1	0.052	2.13	0.56	0.385	0.39	4.57	0.078	0.062	138
DP17896	13	6	0.46	117.26	0.38	1.54	7.07	26.7	0.053	2.18	0.82	0.376	0.22	4.73	0.078	0.029	145
DP17897	13	6	0.66	117.46	0.43	1.54	7.20	26.7	0.055	2.44	0.60	0.368	0.26	4.48	0.084	0.035	129
DP17898	13	6	0.86	117.66	0.49	1.48	7.01	26.5	0.052	2.52	0.61	0.339	0.25	4.16	0.080	0.042	112
DP17899	13	6	1.06	117.86	0.57	1.65	7.12	26.3	0.053	2.14	1.08	0.405	0.21	5.19	0.082	0.046	115
DP17900	13	6	1.26	118.06	0.55	1.75	7.34	25.9	0.057	2.15	1.02	0.427	0.23	5.39	0.074	0.050	110
DP17901	13	6	1.46	118.26	0.48	1.70	7.17	25.9	0.054	2.05	0.17	0.417	0.24	5.27	0.086	0.047	116
DP17902	13	7	0.06	118.36	0.43	1.72	7.19	25.9	0.053	2.11	1.05	0.426	0.27	5.31	0.084	0.042	123
DP17903	13	7	0.26	118.56	0.44	1.72	7.33	26.2	0.057	2.17	0.91	0.415	0.31	5.11	0.088	0.050	125
DP17904	14	1	0.31	118.66	0.38	1.66	7.08	26.1	0.053	1.96	1.23	0.402	0.27	5.24	0.081	0.049	142
DP17905	14	1	0.56	118.91	0.51	1.63	6.99	26.5	0.052	2.01	1.31	0.401	0.23	5.09	0.084	0.055	118
DP17906	14	1	0.86	119.21	0.45	1.66	7.15	26.0	0.057	2.28	0.74	0.375	0.41	4.66	0.083	0.053	124
DP17907	14	1	1.06	119.41	0.56	1.38	6.64	26.8	0.047	2.35	1.27	0.324	0.28	4.57	0.076	0.043	120
DP17908	14	1	1.46	119.81	0.35	1.82	7.41	25.7	0.062	2.27	0.51	0.393	0.45	4.81	0.088	0.055	139
DP17909	14	2	0.06	119.91	0.42	1.84	7.45	25.7	0.063	2.30	0.52	0.398	0.48	4.88	0.086	0.053	191
DP17910	14	2	0.26	120.11	0.40	1.86	7.34	25.6	0.059	2.23	0.57	0.396	0.41	4.87	0.081	0.054	134
DP17911	14	2	0.46	120.31	0.42	1.80	7.33	26.1	0.057	2.30	0.59	0.388	0.37	4.67	0.079	0.057	133
DP17912	14	2	0.66	120.51	0.39	1.66	7.04	26.									

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17913	14	2	0.86	120.71	0.71	1.20	6.16	27.5	0.048	1.99	1.08	0.306	0.20	3.30	0.074	0.031	92
DP17914	14	2	1.06	120.91	0.33	1.88	7.24	25.9	0.053	2.15	0.55	0.378	0.38	4.72	0.091	0.061	152
DP17915	14	2	1.26	121.11	0.27	1.88	7.35	26.0	0.059	2.17	0.55	0.395	0.49	4.91	0.098	0.053	158
DP17916	14	2	1.46	121.31	0.46	1.88	7.39	25.8	0.064	2.21	0.61	0.400	0.51	5.00	0.101	0.061	132
DP17917	14	3	0.06	121.41	0.45	1.88	7.37	25.7	0.060	2.22	0.60	0.402	0.43	5.01	0.100	0.058	130
DP17918	14	3	0.26	121.61	0.39	1.91	7.35	26.0	0.059	2.23	0.55	0.406	0.42	5.15	0.101	0.069	138
DP17919	14	3	0.46	121.81	0.36	1.90	7.35	25.7	0.062	2.24	0.53	0.405	0.45	5.08	0.101	0.054	137
DP17920	14	3	0.66	122.01	0.44	1.87	7.40	25.7	0.064	2.24	0.62	0.408	0.41	5.11	0.096	0.055	126
DP17921	14	3	0.86	122.21	0.46	1.86	7.41	25.8	0.065	2.28	0.59	0.405	0.42	5.07	0.103	0.052	118
DP17922	14	3	1.06	122.41	0.40	1.93	7.41	25.9	0.057	2.17	0.70	0.413	0.33	5.33	0.103	0.060	141
DP17923	14	3	1.26	122.61	0.58	1.93	7.38	26.1	0.057	2.31	0.59	0.409	0.37	4.99	0.108	0.053	103
DP17924	14	3	1.46	122.81	0.57	1.85	7.26	26.0	0.053	2.20	0.68	0.386	0.35	4.93	0.113	0.054	104
DP17925	14	4	0.06	122.91	0.53	1.86	7.30	26.0	0.056	2.34	0.44	0.393	0.54	4.76	0.108	0.050	106
DP17926	14	4	0.26	123.11	0.53	1.91	7.28	25.9	0.058	2.27	0.48	0.393	0.49	4.86	0.093	0.058	109
DP17927	14	4	0.46	123.31	0.55	1.98	7.26	26.1	0.055	2.13	0.57	0.378	0.46	4.73	0.078	0.055	114
DP17928	14	4	0.66	123.51	0.56	1.90	7.37	25.9	0.055	2.26	0.53	0.397	0.51	4.91	0.083	0.052	112
DP17929	14	4	0.86	123.71	0.61	1.95	7.39	26.1	0.060	2.28	0.53	0.396	0.58	4.88	0.089	0.064	105
DP17930	14	4	1.06	123.91	0.62	2.15	7.19	26.2	0.049	2.06	0.57	0.404	0.38	4.86	0.076	0.054	116
DP17931	14	4	1.26	124.11	0.61	1.94	7.30	25.8	0.056	2.31	0.57	0.410	0.39	5.29	0.084	0.049	99
DP17932	14	4	1.46	124.31	0.59	2.01	7.15	25.4	0.044	1.66	1.30	0.479	0.19	5.87	0.071	0.045	137
DP17933	14	5	0.06	124.41	0.70	1.88	7.30	25.3	0.047	1.82	1.37	0.448	0.25	5.86	0.071	0.055	122
DP17934	14	5	0.26	124.61	0.64	1.86	7.32	25.8	0.056	2.31	0.57	0.408	0.48	5.09	0.091	0.051	93
DP17935	14	5	0.46	124.81	0.63	1.95	7.27	25.9	0.055	2.26	0.52	0.398	0.53	4.94	0.085	0.049	99
DP17936	14	5	0.66	125.01	0.70	1.92	7.38	26.1	0.060	2.32	0.65	0.410	0.44	5.10	0.092	0.060	92
DP17937	14	5	0.86	125.21	0.61	1.90	7.13	26.0	0.057	2.13	0.52	0.367	0.62	4.72	0.079	0.048	107
DP17938	14	5	1.06	125.41	0.61	1.86	7.13	26.1	0.060	2.18	0.48	0.385	0.58	4.75	0.089	0.038	102
DP17939	14	5	1.26	125.61	0.66	1.84	7.14	25.9	0.070	2.23	0.55	0.393	0.57	4.80	0.095	0.051	94
DP17940	14	5	1.46	125.81	0.70	1.87	7.25	25.9	0.070	2.20	0.66	0.401	0.51	5.07	0.089	0.051	94
DP17941	14	6	0.06	125.91	0.66	1.87	7.20	25.8	0.062	2.33	0.48	0.396	0.57	4.91	0.095	0.046	89
DP17942	14	6	0.26	126.11	0.67	1.81	7.27	25.8	0.061	2.42	0.52	0.411	0.54	4.99	0.099	0.045	83
DP17943	14	6	0.46	126.31	0.65	1.82	7.35	25.8	0.068	2.32	0.63	0.408	0.60	5.15	0.086	0.041	89
DP17944	14	6	0.66	126.51	0.67	1.78	7.25	25.4	0.065	2.34	0.60	0.403	0.64	5.09	0.085	0.038	85
DP17945	14	6	0.86	126.71	0.74	1.88	7.35	25.6	0.061	2.38	0.53	0.406	0.67	5.18	0.084	0.053	90
DP17946	14	6	1.06	126.91	0.59	1.87	7.34	26.0	0.068	2.29	0.52	0.390	0.44	4.84	0.071	0.035	96
DP17947	14	6	1.26	127.11	0.65	1.93	7.34	25.7	0.062	2.30	0.43	0.384	0.63	4.83	0.086	0.044	97
DP17948	14	6	1.38	127.23	0.67	1.80	7.40	25.7	0.064	2.45	0.51	0.411	0.64	5.05	0.086	0.042	85
DP17949	14	7	0.06	127.41	0.66	1.81	7.39	25.7	0.065	2.42	0.54	0.410	0.65	5.08	0.084	0.050	87
DP17950	14	7	0.26	127.61	0.66	1.79	7.39	25.7	0.068	2.46	0.47	0.403	0.70	4.97	0.089	0.042	86
DP17951	14	7	0.44	127.79	0.69	1.81	7.45	25.8	0.067	2.43	0.53	0.408	0.73	5.08	0.089	0.048	89
DP17952	15	1	0.44	128.44	0.61	1.84	7.34	25.2	0.064	2.25	0.51	0.394	0.82	5.03	0.092	0.033	103
DP17953	15	1	0.66	128.66	0.51	2.04	7.41	25.7	0.063	2.04	0.43	0.365	0.67	4.46	0.086	0.043	122
DP17954	15	1	0.86	128.86	0.63	1.85	7.36	25.2	0.064	2.17	0.52	0.398	0.80	4.95	0.090	0.042	107
DP17955	15	1	1.08	129.08	0.64	1.86	7.44	25.6	0.073	2.06	0.58	0.451	0.66	5.15	0.081	0.046	123
DP17956	15	1	1.26	129.26	0.60	1.84	7.51	25.6	0.078	2.23	0.48	0.423	0.83	5.00	0.095	0.036	104
DP17957	15	1	1.46	129.46	0.65	1.86	7.47	25.2	0.072	2.37	0.42	0.402	0.81	5.01	0.093	0.043	93
DP17958	15	2	0.06	129.56	0.59	1.87	7.42	25.6	0.068	2.22	0.46	0.395	0.65	4.82	0.083	0.043	105
DP17959	15	2	0.26	129.76	0.64	1.86	7.45	25.4	0.069	2.31	0.49	0.408	0.80	5.09	0.092	0.045	96
DP17960	15	2	0.46	129.96	0.67	1.80	7.42	25.7	0.062	2.37	0.45	0.402	0.73	4.85	0.088	0.046	97
DP17961	15	2	0.66	130.16	0.65	1.80	7.50	25.6	0.066	2.38	0.45	0.401	0.75	4.89	0.092	0.040	93
DP17962	15	2	0.86	130.36	0.59	1.81	7.42	25.5	0.066	2.17	0.50	0.394	0.71	5.08	0.087	0.033	106
DP17963	15	2	1.06	130.56	0.61	1.76	7.49	25.7	0.066	2.41	0.39	0.403	0.69	4.90	0.087	0.033	88
DP17964	15	2	1.26	130.76	0.63	1.79	7.44	25.5	0.071	2.36	0.44	0.402	0.68	4.91	0.087	0.040	91
DP17965	15	2	1.46	130.96	0.60	1.84	7.45	25.7	0.069	2.29	0.42	0.402	0.65	5.00	0.087	0.028	102
DP17966	15	3	0.06	131.06	0.61	1.85	7.42	25.6	0.070	2.40	0.40	0.413	0.62	4.98	0.089	0.031	92
DP17967	15	3	0.26	131.26	0.60	1.83	7.44	25.6	0.065	2.37	0.38	0.403	0.65	4.94	0.084	0.032	92
DP17968	15	3	0.46	131.46	0.64	1.84	7.49	25.7	0.068	2.40	0.41	0.410	0.68	4.95	0.086	0.045	92
DP17969	15	3	0.66	131.66	0.63	1.84	7.51	25.6	0.069	2.35	0.40	0.407	0.81	5.05	0.089	0.046	97
DP17970	15	3	0.86	131.86	0.63	1.83	7.53	25.5	0.070	2.32	0.40	0.404	0.82	4.93	0.091	0.047	99
DP17971	15	3	1.06	132.06	0.62	1.84	7.53	25.2	0.075	2.31	0.40	0.404	0.85	5.07	0.093	0.052	98
DP17972	15	3	1.26	132.26	0.62	1.84	7.50	25.4	0.067	2.32	0.40	0.416	0.81	5.15	0.089	0.048	98
DP17973	15	3	1.46	132.46	0.53	1.93	7.52	25.7	0.065	2.30	0.32	0.389	0.72	4.84	0.081	0.037	101
DP17974	15	4	0.06	132.56	0.53	2.33	7.41	26.1	0.050	1.57	0.33	0.278	0.46	3.79	0.060	0.044	138
DP17975	15	4	0.26	132.76	0.51	1.92	7.35	25.2	0.053	2.04	0.40	0.412	0.73	5.62	0.076	0.029	122
DP17976	15	4	0.46	132.96	0.55	1.84	7.51	25.3	0.063	2.31	0.35	0.406	0.72	5.21	0.085	0.045	104

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP17981	15	4	0.66	133.16	0.56	1.77	7.61	25.3	0.068	2.41	0.33	0.411	0.85	5.11	0.091	0.035	92
DP17982	15	4	0.86	133.36	0.56	1.79	7.62	25.4	0.067	2.51	0.31	0.417	0.76	5.13	0.086	0.041	88
DP17983	15	4	1.06	133.56	0.55	1.84	7.57	25.4	0.060	2.45	0.32	0.423	0.65	5.29	0.080	0.040	92
DP17984	15	4	1.26	133.76	0.55	1.90	7.50	25.3	0.058	2.21	0.43	0.433	0.68	5.65	0.077	0.046	111
DP17985	15	4	1.46	133.96	0.54	1.97	7.37	25.3	0.054	1.96	0.45	0.428	0.65	5.96	0.074	0.042	127
DP17986	15	5	0.06	134.06	0.57	1.85	7.63	25.4	0.066	2.57	0.33	0.429	0.63	5.23	0.081	0.050	86
DP17987	15	5	0.26	134.26	0.56	1.85	7.67	25.6	0.072	2.49	0.33	0.416	0.74	5.04	0.084	0.047	91
DP17988	15	5	0.46	134.46	0.53	1.96	7.54	25.4	0.066	2.18	0.33	0.419	0.65	5.20	0.077	0.051	113
DP17989	15	5	0.66	134.66	0.50	1.95	7.52	25.2	0.061	2.02	0.39	0.422	0.65	5.73	0.075	0.044	123
DP17990	15	5	0.84	134.84	0.52	1.91	7.66	25.5	0.070	2.23	0.33	0.403	0.75	4.95	0.081	0.042	107
DP17991	15	5	1.00	135.00	0.58	1.87	7.78	25.4	0.070	2.15	0.36	0.415	0.72	5.08	0.079	0.042	109
DP17992	15	5	1.16	135.16	0.58	1.84	7.80	25.3	0.067	2.17	0.40	0.418	0.73	5.31	0.080	0.035	109
DP17993	15	6	0.06	135.56	0.60	1.81	7.83	25.3	0.074	2.34	0.32	0.408	0.83	5.04	0.090	0.047	95
DP17994	15	6	0.26	135.76	0.55	1.93	7.75	25.5	0.065	1.99	0.34	0.406	0.69	5.04	0.076	0.040	115
DP17995	15	6	0.46	135.96	0.62	1.83	7.86	25.5	0.072	2.34	0.30	0.391	0.86	4.88	0.087	0.051	92
DP17996	15	6	0.66	136.16	0.60	1.85	7.84	25.4	0.064	2.41	0.28	0.396	0.72	4.89	0.083	0.048	90
DP17997	15	6	0.86	136.36	0.64	1.84	7.84	25.5	0.066	2.39	0.30	0.403	0.83	4.89	0.088	0.052	89
DP17998	15	6	1.06	136.56	0.64	1.82	7.82	25.4	0.064	2.47	0.28	0.412	0.71	5.00	0.084	0.050	85
DP17999	15	6	1.16	136.66	0.61	1.82	7.82	25.4	0.064	2.33	0.30	0.411	0.68	5.16	0.086	0.045	95
DP18000	15	6	1.46	136.96	0.63	1.84	7.77	25.3	0.065	2.30	0.31	0.409	0.68	5.17	0.082	0.057	95
DP18002	15	7	0.26	137.26	0.59	1.82	7.82	25.2	0.073	2.35	0.32	0.416	0.77	5.14	0.089	0.052	94
DP18003	15	7	0.45	137.45	0.60	1.80	7.85	25.2	0.072	2.28	0.31	0.416	0.81	5.18	0.086	0.048	100
DP18004	16	1	0.36	138.11	0.57	1.88	7.86	25.3	0.071	2.25	0.33	0.424	0.75	5.27	0.088	0.055	112
DP18005	16	1	0.56	138.31	0.56	1.91	7.93	25.1	0.073	2.25	0.32	0.420	0.74	5.24	0.086	0.058	108
DP18006	16	1	0.76	138.51	0.50	1.89	7.75	25.2	0.075	2.19	0.29	0.410	0.76	5.03	0.088	0.049	120
DP18007	16	1	0.96	138.71	0.58	1.86	7.80	25.4	0.072	2.33	0.31	0.418	0.70	5.09	0.084	0.059	111
DP18008	16	1	1.16	138.91	0.60	1.81	7.85	25.1	0.073	2.38	0.31	0.418	0.72	5.11	0.087	0.064	105
DP18009	16	1	1.36	139.11	0.65	1.81	7.93	25.3	0.077	2.39	0.31	0.411	0.77	5.03	0.095	0.060	91
DP18010	16	2	0.06	139.31	0.61	1.82	7.91	25.2	0.069	2.36	0.30	0.420	0.65	5.18	0.086	0.050	93
DP18011	16	2	0.26	139.51	0.60	1.79	7.93	25.3	0.072	2.50	0.30	0.422	0.60	5.17	0.083	0.047	84
DP18012	16	2	0.46	139.71	0.61	1.80	8.00	25.4	0.071	2.51	0.30	0.427	0.61	5.36	0.085	0.048	82
DP18013	16	2	0.66	139.91	0.61	1.79	7.89	25.2	0.074	2.39	0.30	0.421	0.73	5.28	0.087	0.047	88
DP18014	16	2	0.86	140.11	0.64	1.80	8.02	25.3	0.071	2.50	0.31	0.430	0.68	5.24	0.087	0.052	82
DP18015	16	2	1.06	140.31	0.61	1.76	7.94	25.2	0.078	2.39	0.31	0.414	0.66	5.19	0.084	0.053	86
DP18016	16	2	1.26	140.51	0.62	1.79	7.82	24.9	0.071	2.31	0.31	0.422	0.67	5.58	0.087	0.056	94
DP18017	16	2	1.46	140.71	0.63	1.78	7.92	25.1	0.077	2.37	0.31	0.414	0.73	5.21	0.089	0.058	87
DP18018	16	3	0.06	140.81	0.62	1.78	7.95	25.2	0.073	2.32	0.31	0.408	0.71	5.20	0.086	0.055	90
DP18019	16	3	0.26	141.01	0.65	1.78	8.00	25.2	0.081	2.50	0.31	0.419	0.59	5.25	0.084	0.057	79
DP18020	16	3	0.46	141.21	0.65	1.75	8.05	25.0	0.085	2.33	0.33	0.408	0.76	5.12	0.089	0.059	88
DP18021	16	3	0.66	141.41	0.65	1.74	8.14	24.9	0.085	2.43	0.35	0.422	0.78	5.36	0.097	0.058	81
DP18022	16	3	0.86	141.61	0.64	1.74	8.14	24.9	0.082	2.27	0.36	0.426	0.81	5.54	0.092	0.056	89
DP18023	16	3	1.06	141.81	0.64	1.69	8.20	25.0	0.095	2.43	0.37	0.417	0.83	5.17	0.098	0.056	77
DP18024	16	3	1.26	142.01	0.66	1.70	8.19	25.0	0.087	2.46	0.35	0.423	0.77	5.25	0.094	0.060	79
DP18025	16	3	1.46	142.21	0.64	1.78	8.00	24.9	0.080	2.36	0.33	0.425	0.65	5.42	0.085	0.056	85
DP18026	16	4	0.06	142.31	0.65	1.76	8.07	24.9	0.078	2.46	0.33	0.430	0.67	5.34	0.088	0.054	80
DP18027	16	4	0.26	142.51	0.64	1.78	8.22	25.2	0.080	2.47	0.32	0.425	0.67	5.21	0.086	0.057	83
DP18028	16	4	0.46	142.71	0.57	1.81	8.10	25.0	0.077	2.29	0.31	0.404	0.65	4.98	0.083	0.049	97
DP18029	16	4	0.66	142.91	0.60	1.80	8.18	25.1	0.080	2.43	0.31	0.409	0.72	5.06	0.087	0.046	86
DP18030	16	4	0.86	143.11	0.55	1.90	8.15	25.3	0.076	2.13	0.30	0.388	0.61	4.72	0.075	0.047	107
DP18031	16	4	1.06	143.31	0.63	1.79	8.10	25.0	0.083	2.37	0.35	0.415	0.68	5.10	0.084	0.058	89
DP18032	16	4	1.26	143.51	0.58	1.93	7.97	25.1	0.078	2.15	0.33	0.433	0.66	5.24	0.078	0.052	106
DP18033	16	4	1.46	143.71	0.56	2.00	7.94	25.1	0.074	2.06	0.30	0.387	0.71	4.80	0.077	0.048	114
DP18034	16	5	0.06	143.81	0.43	2.10	8.20	25.4	0.060	1.53	0.31	0.339	0.63	3.81	0.062	0.055	141
DP18035	16	5	0.26	144.01	0.62	1.93	7.82	24.9	0.092	2.09	0.40	0.407	0.85	5.03	0.087	0.059	108
DP18036	16	5	0.46	144.21	0.64	1.88	7.94	24.6	0.081	2.27	0.38	0.424	1.07	5.31	0.089	0.061	95
DP18037	16	5	0.66	144.41	0.64	1.79	7.98	24.5	0.102	2.41	0.42	0.418	1.13	5.33	0.090	0.061	86
DP18039	16	5	1.06	144.81	0.62	1.95	7.80	25.1	0.095	2.16	0.40	0.418	0.86	5.00	0.077	0.059	99
DP18040	16	5	1.26	145.01	0.63	1.96	7.78	25.0	0.101	2.05	0.42	0.414	1.08	5.11	0.083	0.067	106
DP18041	16	5	1.46	145.21	0.65	1.86	7.73	25.0	0.105	2.13	0.41	0.412	0.91	5.30	0.078	0.060	95
DP18042	16	6	0.07	145.32	0.65	1.83	7.89	25.3	0.110	2.23	0.41	0.394	0.94	4.90	0.082	0.064	91
DP18043	16	6	0.21	145.46	0.64	1.91	7.91	25.3	0.079	2.19	0.33	0.393	0.80	4.87	0.074	0.059	95
DP18044	17	1	0.32	147.34	0.62	1.80	8.18	24.0	0.114	2.47	0.47	0.429	1.23	5.30	0.074	0.067	94
DP18045	17	1	0.48	147.50	0.67	1.79	8.14	24.1	0.123	2.55	0.49	0.434	1.23	5.31	0.073	0.063	89
DP18046	17	1	0.67	147.69	0.69	1.78	8.13	24.0	0.137	2.56	0.53	0.443	1.24	5.45	0.071	0.068	88

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)	Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP18047	17	1	0.86	147.88	0.65	1.76	8.12	24.2	0.135	2.61	0.52	0.431	1.38	5.32	0.072	0.060	86
DP18048	17	1	1.06	148.08	0.61	1.75	8.03	23.9	0.133	2.54	0.49	0.435	1.54	5.43	0.069	0.052	91
DP18049	17	1	1.26	148.28	0.57	1.77	8.00	23.9	0.134	2.49	0.49	0.446	1.51	5.56	0.070	0.048	90
DP18050	17	1	1.46	148.48	0.59	1.76	8.06	23.9	0.132	2.53	0.47	0.450	1.52	5.59	0.072	0.055	88
DP18051	17	2	0.11	148.63	0.55	1.77	8.09	23.9	0.124	2.50	0.44	0.457	1.57	5.63	0.073	0.052	88
DP18052	17	2	0.43	148.95	0.51	1.82	7.85	23.3	0.121	2.45	0.44	0.436	2.20	5.50	0.079	0.052	95
DP18053	17	2	0.55	149.07	0.61	1.72	7.99	24.2	0.123	2.59	0.44	0.444	0.41	5.79	0.061	0.061	81
DP18054	17	2	0.71	149.23	0.61	1.76	8.07	23.9	0.126	2.53	0.47	0.440	1.62	5.61	0.075	0.067	88
DP18055	17	2	0.86	149.38	0.60	1.79	8.03	24.0	0.123	2.55	0.48	0.446	1.63	5.60	0.070	0.064	88
DP18056	17	2	1.06	149.58	0.58	1.77	8.02	24.0	0.113	2.61	0.42	0.438	1.46	5.44	0.071	0.061	83
DP18057	17	2	1.16	149.78	0.59	1.76	7.97	24.1	0.098	2.67	0.38	0.429	1.36	5.22	0.073	0.059	75
DP18058	17	2	1.46	149.98	0.61	1.77	8.04	24.3	0.104	2.67	0.39	0.420	1.24	5.09	0.070	0.060	77
DP18059	17	3	0.06	150.08	0.59	1.82	7.96	24.3	0.096	2.71	0.36	0.430	1.18	5.15	0.070	0.054	73
DP18060	17	3	0.26	150.28	0.63	1.77	8.01	24.3	0.107	2.70	0.40	0.424	1.26	5.13	0.074	0.059	75
DP18061	17	3	0.46	150.48	0.63	1.77	7.96	23.9	0.118	2.58	0.47	0.431	1.59	5.36	0.072	0.063	79
DP18062	17	3	0.66	150.68	0.63	1.78	7.99	24.1	0.100	2.69	0.40	0.430	1.47	5.17	0.071	0.061	92
DP18063	17	3	0.82	150.84	0.66	1.73	7.93	23.7	0.127	2.59	0.49	0.429	1.68	5.23	0.068	0.064	90
DP18064	17	3	0.99	151.01	0.65	1.75	8.01	23.8	0.132	2.62	0.51	0.435	1.83	5.35	0.071	0.068	90
DP18065	17	3	1.18	151.20	0.56	1.74	8.10	24.0	0.141	2.61	0.51	0.428	1.95	5.30	0.071	0.058	93
DP18066	17	3	1.34	151.36	0.54	1.75	8.04	23.7	0.138	2.59	0.50	0.431	1.95	5.32	0.071	0.056	91
DP18067	17	4	0.06	151.58	0.60	1.69	7.97	23.3	0.159	2.53	0.58	0.422	2.17	5.31	0.069	0.064	103
DP18068	17	4	0.26	151.78	0.67	1.68	7.94	23.4	0.176	2.57	0.62	0.426	2.08	5.23	0.068	0.059	103
DP18069	17	4	0.46	151.98	0.58	1.78	7.89	23.3	0.200	2.54	0.67	0.432	2.27	5.32	0.071	0.061	98
DP18070	17	4	0.66	152.18	0.50	1.82	7.73	23.0	0.227	2.52	0.75	0.436	2.49	5.38	0.075	0.067	94
DP18071	17	4	0.82	152.34	0.56	1.86	7.52	22.6	0.274	2.53	0.88	0.448	2.62	5.55	0.075	0.075	92
DP18072	17	4	1.00	152.52	0.59	1.87	7.41	22.6	0.276	2.56	0.89	0.445	2.69	5.63	0.075	0.072	86
DP18073	17	4	1.18	152.70	0.55	1.90	7.44	22.7	0.276	2.59	0.91	0.433	2.76	5.57	0.075	0.078	96
DP18074	17	4	1.36	152.88	0.52	1.87	7.49	22.8	0.262	2.60	0.85	0.421	2.48	5.41	0.071	0.074	101
DP18075	17	5	0.06	153.08	0.52	1.91	7.49	22.8	0.256	2.58	0.86	0.435	2.50	5.52	0.071	0.071	97
DP18076	17	5	0.26	153.28	0.51	1.91	7.49	22.7	0.266	2.52	0.89	0.434	2.63	5.62	0.072	0.073	103
DP18077	17	5	0.46	153.48	0.49	1.89	7.41	22.4	0.286	2.52	0.95	0.430	2.80	5.86	0.073	0.076	103
DP18078	17	5	0.66	153.68	0.50	1.89	7.41	22.4	0.295	2.56	0.98	0.427	2.75	5.83	0.073	0.075	101
DP18079	17	5	0.86	153.88	0.50	1.90	7.49	22.4	0.288	2.58	0.94	0.406	2.63	5.70	0.071	0.073	102
DP18080	17	5	1.06	154.08	0.52	1.84	7.79	22.8	0.231	2.72	0.78	0.371	2.36	5.21	0.068	0.074	97
DP18081	17	5	1.26	154.28	0.51	1.87	7.85	23.0	0.206	2.84	0.67	0.368	2.07	5.24	0.070	0.064	87
DP18082	18	1	0.26	156.86	0.58	1.75	7.91	24.0	0.142	2.93	0.50	0.388	1.06	5.37	0.062	0.054	73
DP18083	18	1	0.46	157.06	0.57	1.74	7.88	24.0	0.160	2.87	0.54	0.428	1.13	5.46	0.065	0.051	75
DP18084	18	1	0.66	157.26	0.56	1.79	7.88	23.9	0.185	2.91	0.62	0.421	1.26	5.48	0.066	0.054	75
DP18085	18	1	0.86	157.46	0.56	1.80	7.84	23.9	0.176	2.92	0.60	0.419	1.27	5.50	0.067	0.054	75
DP18086	18	1	1.06	157.66	0.53	1.82	7.82	23.8	0.146	2.87	0.51	0.464	1.09	5.80	0.067	0.050	77
DP18087	18	1	1.26	157.86	0.53	1.80	7.94	24.0	0.134	2.92	0.47	0.467	1.07	5.74	0.066	0.049	75
DP18088	18	1	1.46	158.06	0.51	1.82	7.91	23.9	0.128	2.93	0.46	0.472	1.10	5.75	0.067	0.049	77
DP18089	18	2	0.06	158.16	0.52	1.84	7.87	23.9	0.138	2.92	0.49	0.476	1.15	5.74	0.068	0.057	81
DP18091	18	2	0.46	158.56	0.48	1.95	7.45	23.5	0.234	2.93	0.74	0.473	1.35	5.71	0.069	0.063	79
DP18092	18	2	0.66	158.76	0.45	2.03	7.62	24.3	0.188	3.04	0.60	0.451	1.14	5.53	0.069	0.059	75
DP18093	18	2	0.86	158.96	0.44	2.07	7.59	24.5	0.176	3.09	0.56	0.403	1.03	5.20	0.068	0.053	66
DP18094	18	2	1.06	159.16	0.37	2.15	7.47	24.6	0.166	3.07	0.52	0.410	0.89	5.11	0.068	0.048	66
DP18095	18	2	1.26	159.36	0.36	2.20	7.49	24.6	0.176	3.08	0.55	0.416	0.93	5.14	0.070	0.053	69
DP18096	18	2	1.46	159.56	0.37	2.18	7.36	24.4	0.183	3.07	0.57	0.400	0.99	5.01	0.070	0.054	66
DP18097	18	3	0.06	159.66	0.38	2.20	7.38	24.7	0.185	3.08	0.56	0.412	0.96	5.03	0.070	0.049	63
DP18098	18	3	0.26	159.86	0.40	2.20	7.34	24.5	0.174	3.08	0.53	0.405	0.92	4.97	0.070	0.049	60
DP18099	18	3	0.46	160.06	0.43	2.21	7.35	24.6	0.174	3.11	0.54	0.413	0.95	5.00	0.071	0.054	60
DP18100	18	3	0.66	160.26	0.39	2.20	7.22	24.4	0.169	3.08	0.53	0.406	0.90	4.94	0.070	0.048	60
DP18101	18	3	0.86	160.46	0.41	2.18	7.23	24.5	0.170	3.11	0.53	0.410	0.88	4.89	0.068	0.049	59
DP18102	18	3	1.06	160.66	0.40	2.19	7.37	24.7	0.153	3.12	0.48	0.412	0.86	5.03	0.068	0.044	60
DP18103	18	3	1.17	160.77	0.39	2.18	7.36	24.5	0.151	3.11	0.48	0.403	0.93	4.98	0.071	0.047	62
DP18104	18	4	0.06	161.16	0.40	2.18	7.32	24.4	0.156	3.11	0.49	0.401	0.94	4.93	0.069	0.043	61
DP18105	18	4	0.26	161.36	0.40	2.24	7.42	24.8	0.158	3.16	0.50	0.409	0.92	5.02	0.070	0.050	62
DP18106	18	4	0.46	161.56	0.40	2.21	7.38	24.5	0.171	3.10	0.53	0.402	0.95	5.02	0.068	0.048	61
DP18107	18	4	0.66	161.76	0.40	2.28	7.48	24.7	0.161	3.13	0.51	0.404	1.09	5.03	0.071	0.050	63
DP18108	18	4	0.86	161.96	0.40	2.21	7.36	24.6	0.230	3.14	0.69	0.407	1.03	5.06	0.070	0.055	62
DP18109	18	4	1.06	162.16	0.42	2.15	7.26	24.2	0.254	3.10	0.76	0.412	1.10	4.98	0.071	0.056	63
DP18110	18	4	1.26	162.36	0.41	2.15	7.20	24.3	0.282	3.10	0.82	0.407	0.99	4.96	0.070	0.062	63
DP18111	18	C	0.05	162.48	0.39	2.21	7.27	24.6	0.318	3.07	0.91	0.429	1.34	4.99	0.076	0.060	66

Table 6. (Continued).

Lab ID	Core	Section	Depth in Section (m)	Depth in hole (m)													
					Na	Mg	Al	Si	P	K	Ca	Ti	Mn	Fe	Ba	S	H <sub>2</sub> O
DP18112	18	C	0.30	162.73	0.38	2.18	7.02	23.8	0.342	3.00	0.97	0.419	1.26	4.96	0.082	0.064	66
DP18113	19	1	0.47	166.34	0.38	2.29	7.51	24.7	0.162	3.14	0.51	0.405	1.04	5.05	0.071	0.053	69
DP18114	19	1	0.66	166.53	0.39	2.21	7.31	24.4	0.244	3.14	0.72	0.407	1.11	4.99	0.072	0.055	67
DP18115	19	1	0.86	166.73	0.41	2.18	7.35	24.5	0.271	3.12	0.79	0.412	1.10	4.99	0.070	0.061	67
DP18116	19	1	1.06	166.93	0.38	2.16	7.16	24.1	0.276	3.06	0.79	0.395	1.14	4.91	0.072	0.057	66
DP18117	19	1	1.26	167.13	0.37	2.21	7.09	24.2	0.292	3.04	0.83	0.425	1.10	4.93	0.072	0.059	67
DP18118	19	1	1.46	167.33	0.37	2.17	7.03	23.8	0.346	2.99	0.98	0.418	1.19	4.93	0.072	0.065	68
DP18131	19	2	0.32	167.69	0.50	1.94	6.78	24.0	0.642	3.02	1.74	0.413	1.23	5.13	0.081	0.083	82
DP18132	19	2	0.48	167.85	0.53	1.97	7.00	23.2	0.735	2.90	2.05	0.435	1.50	5.17	0.074	0.102	98
DP18133	19	2	0.66	168.03	0.50	1.92	7.06	23.4	0.695	2.96	1.89	0.419	1.29	5.21	0.075	0.087	68
DP18134	19	2	0.86	168.23	0.50	1.97	7.04	23.5	0.677	3.02	1.78	0.414	1.38	5.15	0.075	0.085	68
DP18119	19	2	0.99	168.36	0.52	1.94	7.03	23.6	0.660	3.06	1.75	0.414	1.37	5.16	0.075	0.086	66
DP18120	19	2	1.11	168.48	0.49	1.94	7.08	23.6	0.654	3.02	1.72	0.404	1.32	5.10	0.073	0.081	65
DP18121	19	2	1.25	168.62	0.48	1.94	7.14	23.8	0.568	3.09	1.53	0.406	1.23	5.02	0.075	0.080	64
DP18122	19	2	1.38	168.75	0.47	1.94	7.07	23.7	0.557	3.08	1.55	0.401	1.19	5.08	0.075	0.074	65
DP18123	19	3	0.06	168.93	0.48	1.94	7.11	23.9	0.522	3.11	1.47	0.412	1.24	5.14	0.076	0.074	64
DP18124	19	3	0.26	169.13	0.49	1.95	7.03	23.9	0.490	3.12	1.45	0.412	1.30	5.15	0.078	0.072	65
DP18125	19	3	0.46	169.33	0.46	1.95	7.03	24.0	0.490	3.12	1.44	0.411	1.30	5.21	0.078	0.068	65
DP18126	19	3	0.66	169.53	0.51	1.93	6.97	24.0	0.601	3.10	1.68	0.419	1.25	5.15	0.078	0.081	64
DP18127	19	3	0.86	169.73	0.55	1.85	6.92	23.7	0.637	3.06	1.77	0.410	1.38	5.14	0.078	0.085	66
DP18128	19	3	1.06	169.93	0.52	1.89	6.84	23.8	0.699	3.06	1.89	0.410	1.30	5.11	0.077	0.089	64
DP18129	19	C	0.05	170.12	0.53	1.92	6.80	23.9	0.667	3.03	1.84	0.410	1.25	5.11	0.077	0.088	65
DP18130	19	C	0.29	170.36	0.37	2.10	7.05	23.9	0.470	2.94	1.32	0.428	1.32	5.05	0.074	0.072	64
DP17952	20	1	0.06	175.86	0.36	2.17	6.15	23.7	0.574	3.08	1.68	0.354	1.77	5.38	0.113	0.076	101
DP17953	20	1	0.22	176.02	0.58	2.08	5.97	23.4	0.995	3.07	2.60	0.353	1.39	4.70	0.112	0.097	73
DP17954	20	1	0.46	176.26	0.71	1.90	5.94	24.1	0.803	3.21	2.14	0.337	1.02	4.10	0.084	0.086	63
DP17955	20	1	0.71	176.51	0.67	2.07	5.74	23.1	1.282	2.88	3.24	0.346	1.32	4.40	0.091	0.110	61